



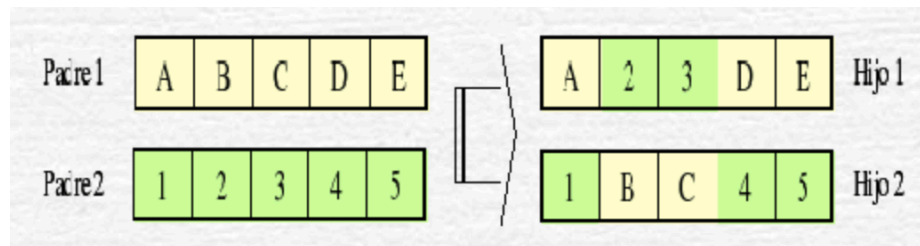
Inteligencia Artificial
Grado en Ingeniería Informática en Sistemas de Información - Curso 2017/18
MODIFICACIÓN TRABAJO DE LA ASIGNATURA- 12/01/2018

IMPORTANTE: Descarga del Aula Virtual el fichero MaterialExamen.zip necesario para el desarrollo del examen y el código del trabajo entregado (puede usar su código propio enviado a través del aula virtual o el código puesto a su disposición en el fichero MaterialExamen.zip). Debe entregar a través de la actividad habilitada para el examen un fichero llamado TusApellidos.zip que contenga los ficheros fuentes .java que hayáis creado o modificado.

Modificación A (1 punto)

Modifique el algoritmo genético para que:

- 1) La población inicial este formada por 16 individuos en lugar de 12.
- 2) La población se reproduzca por defecto realizando un cruce en dos puntos aleatorios, tal como se muestra en la siguiente figura.



- 3) La nueva población contenga al mejor individuo, una mutación de este, 6 individuos seleccionados con el método de la ruleta para ser padres y sus 6 hijos frutos de la reproducción, y dos mutaciones seleccionadas al azar entre los 6 padres y los 6 hijos generados, teniendo de nuevo una población de 16 individuos.

Modificación B (2,5 puntos)

En el juego dino implementado en el trabajo el dinosaurio solo tiene como posibles acciones: agachado (valor 0) y salto (valor 1). Sin embargo, en el juego real de Google el dinosaurio puede caminar erguido (valor 0), puede saltar (valor 1) y puede caminar agachado (valor 2), dando lugar a un problema de clasificación multiclase con 3 clases. Se pide hacer las modificaciones necesarias para que se consideren las tres posibles acciones del dinosaurio.

El fichero `dinoMultiClase.csv` disponible en el material del examen contiene un conjunto de entrenamiento con lecturas realizadas en el juego. La primera columna se corresponde con la distancia a la que se encuentra el obstáculo, la segunda columna indica el tamaño del obstáculo, la tercera la velocidad a la que corre el dinosaurio y la última indica la acción (0 erguido, 1 salto, 2 agachado).

Tenga en cuenta que:

- 1) La red neuronal tendrá ahora 3 neuronas en la capa de salida, lo que modifica el número de pesos que relacionan la capa oculta con la capa de salida.
- 2) Para calcular el fitness debe tener en cuenta que una vez aplicado el proceso forward se debe obtener una matriz con 3 columnas, conteniendo cada columna la probabilidad de que el dinosaurio camine erguido, salte o camine agachado, respectivamente. Para calcular la predicción se debe elegir la clase que da lugar a una probabilidad máxima como se muestra en el ejemplo a continuación:

Resultado				
proceso forward			Predicción	
0.7	0.2	0.8	→	2
0.4	0.6	0.2	→	1
...				
...				
0.6	0.2	0.4	→	0



```
public class GeneticNNDemo {
...
for (int i = 0; i < 16; i++) {
    population.add(fitnessFunction.generateRandomIndividual(_pesosSize));
}

public class GeneticNN {
...
protected Individual<A> reproduce2(Individual<A> x, Individual<A> y) {

    int c1 = randomOffset(individualLength);
    int c2 = randomOffset(individualLength);

    if (c2 < c1) {
        int aux = c2;
        c2 = c1;
        c1 = aux;
    }

    List<A> childRepresentation = new ArrayList<A>();
    childRepresentation.addAll(x.getRepresentation().subList(0, c1));
    childRepresentation.addAll(y.getRepresentation().subList(c1, c2));
    childRepresentation.addAll(x.getRepresentation().subList(c2,
        individualLength));

    Individual<A> child = new Individual<A>(childRepresentation);
    return child;
}

    protected Individual<A> nextGeneration(Set<Individual<A>>
population, FitnessFunction<A> fitnessFn) {

        Set<Individual<A>> newPopulation = new HashSet<Individual<A>>();
        List<Individual<A>> populationAsList = new
ArrayList<Individual<A>>(population);

        //6 padres método ruleta
        Individual<A> x = randomSelection(populationAsList, fitnessFn);
        Individual<A> y = randomSelection(populationAsList, fitnessFn);
        Individual<A> z = randomSelection(populationAsList, fitnessFn);
        Individual<A> t = randomSelection(populationAsList, fitnessFn);
        Individual<A> h = randomSelection(populationAsList, fitnessFn);
        Individual<A> j = randomSelection(populationAsList, fitnessFn);

        //6 hijos de esos padres
        Individual<A> child = reproduce(x, y);
        Individual<A> child2 = reproduce(z, t);
        Individual<A> child3 = reproduce(h, j);
        Individual<A> child4 = reproduce(x, z);
        Individual<A> child5 = reproduce(y, h);
        Individual<A> child6 = reproduce(z, j);

        List<Individual<A>> aux = new ArrayList<Individual<A>>();
```



```
aux.add(x);
aux.add(y);
aux.add(z);
aux.add(t);
aux.add(h);
aux.add(j);
aux.add(child);
aux.add(child2);
aux.add(child3);
aux.add(child4);
aux.add(child5);
aux.add(child6);

//Añadimos 6 Padres
newPopulation.add(x);
newPopulation.add(y);
newPopulation.add(z);
newPopulation.add(t);
newPopulation.add(h);
newPopulation.add(j);

//Añadimos 6 hijos
newPopulation.add(child);
newPopulation.add(child2);
newPopulation.add(child3);
newPopulation.add(child4);
newPopulation.add(child5);
newPopulation.add(child6);

//Añadimos mejor individuo
newPopulation.add(retrieveBestIndividual(population,
fitnessFn));

//Añadimos mutación del mejor individuo
newPopulation.add(mutate(retrieveBestIndividual(population,
fitnessFn)));

//Añadimos 2 mutaciones entre los 6 padres y los 6 hijos
newPopulation.add(mutate(aux.get((int) Math.floor(Math.random()
* aux.size()))));
newPopulation.add(mutate(aux.get((int) Math.floor(Math.random()
* aux.size()))));

aux.removeAll(aux);
population.clear();
population.addAll(newPopulation);
return retrieveBestIndividual(population, fitnessFn);

/* CODE END */
}
```



```
public class GeneticNNDemo {  
    ...  
    private static final int _pesosSize =  
        (((_inputLS+1)*_hiddenLS)+(_outputLS*( _hiddenLS+1)));  
    ...  
}  
  
public double exactitud(double[][] theta1, double[][] theta2) {  
    int m = datosX.size();  
    double[][] matrizH1 = new double[m][_hiddenLS];  
    double[][] vectorH2 = new double[m][_numLabels];  
    double[] vectorPrediccion = new double[m];  
    for (int i = 0; i < m; i++) {  
        for (int j = 0; j < _hiddenLS; j++) {  
            matrizH1[i][j] = theta1[j][0];  
            for (int k = 1; k < _inputLS + 1; k++) {  
                matrizH1[i][j] += datosX.get(i).get(k - 1) *  
theta1[j][k];  
            }  
        }  
        matrizH1 = sigmoide(matrizH1);  
  
        for (int i = 0; i < m; i++) {  
            for (int j = 0; j < _numLabels; j++) {  
                vectorH2[i][j] = theta2[j][0];  
                for (int k = 1; k < _hiddenLS + 1; k++) {  
                    vectorH2[i][j] += matrizH1[i][k - 1] * theta2[j][k];  
                }  
            }  
            vectorH2 = sigmoide(vectorH2);  
            for (int i = 0; i < m; i++) {  
                int posmax = 0;  
                for(int j=1;j<_numLabels;j++){  
                    if(vectorH2[i][j]>=vectorH2[i][posmax]){  
                        posmax=j;  
                    }  
                }  
                vectorPrediccion[i] = posmax;  
            }  
            int contador = 0;  
            for (int i = 0; i < m; i++) {  
                if (vectorPrediccion[i] == datosY.get(i).doubleValue()) {  
                    contador++;  
                }  
            }  
            System.out.println(((1.0 * contador / m) * 100));  
            return ((1.0 * contador / m) * 100);  
        }  
    }  
}
```