```
import pandas as pd # Importamos el paquete Pandas
import numpy as np
from datetime import datetime
url = 'https://raw.githubusercontent.com/andrab/ecuacovid/master/datos crudos/vacun

df_vacuna = pd.read_csv(url, header = None)

df_vacuna.columns = ['fecha', 'dosis_total', 'primera_dosis', 'segunda_dosis']

df_vacuna
```



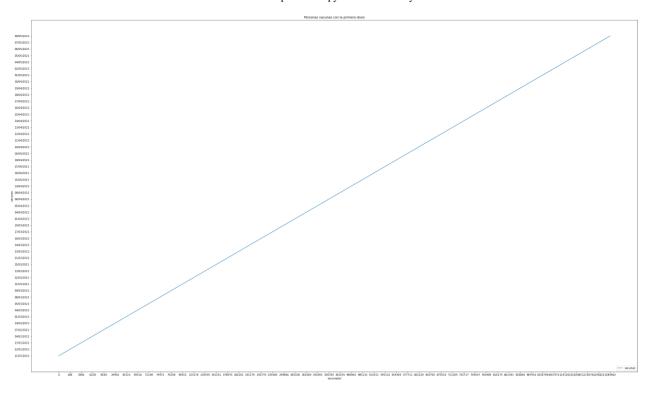
	fecha	dosis_total	primera_dosis	segunda_dosis
0	fecha	dosis_total	primera_dosis	segunda_dosis
1	21/01/2021	0	0	0
2	22/01/2021	108	108	0
3	27/01/2021	2982	2982	0
4	04/02/2021	6228	6228	0
5	17/02/2021	8190	6228	1962
6	24/02/2021	24492	20784	3708
7	01/03/2021	42114	35886	6228
8	04/03/2021	59316	53088	6228
9	05/03/2021	71148	64920	6228
10	08/03/2021	74472	68244	6228
11	09/03/2021	75258	69030	6228
12	11/03/2021	95915	89687	6228
13	12/03/2021	123176	116948	6228
14	13/03/2021	139359	119222	20137
15	15/03/2021	141191	121054	20137
16	21/03/2021	178970	140765	38205
17	23/03/2021	182261	143614	38647
18	24/03/2021	191179	152526	38653
19	26/03/2021	230770	172413	58357
20	27/03/2021	235000	174642	60358
21	29/03/2021	244866	182329	62537
22	01/04/2021	283106	204902	78204
23	04/04/2021	301069	211720	89349
24	05/04/2021	335093	228504	106589

url2 = 'https://raw.githubusercontent.com/andrab/ecuacovid/master/datos_crudos/vacu

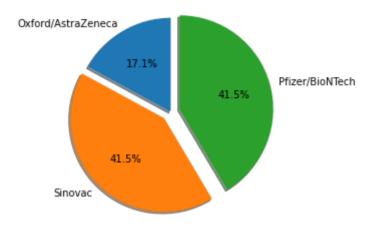
```
df_vacuna_fabricante = pd.read_csv(url2, header = None)
df_vacuna_fabricante.columns = ['vaccine','total','arrived_at']
df_vacuna_fabricante
```

pp.show()

	vaccine	total	arrived_at				
0	vaccine	total	arrived_at				
1	Pfizer/BioNTech	8190	20/01/2021				
2	Pfizer/BioNTech	16380	17/02/2021				
3	Pfizer/BioNTech	17550	24/02/2021				
4	Pfizer/BioNTech	31590	03/03/2021				
5	Sinovac	20000	06/03/2021				
6	Pfizer/BioNTech	73710	10/03/2021				
7	Oxford/AstraZeneca	84000	17/03/2021				
8	Pfizer/BioNTech	62010	17/03/2021				
9	Pfizer/BioNTech	65520	24/03/2021				
10	Pfizer/BioNTech	66690	31/03/2021				
11	Pfizer/BioNTech	53820	05/04/2021				
12	Sinovac	300000	07/04/2021				
13	Sinovac	700000	10/04/2021				
14	Pfizer/BioNTech	53820	14/04/2021				
15	Pfizer/BioNTech	54990	21/04/2021				
16	Oxford/AstraZeneca	336000	24/04/2021				
url3 = 'https://raw.githubusercontent.com/andrab/ecuacovid/master/datos crudos/							
df_plan_	vacuna = pd.read_	csv(url	3, header =	None)			
df_plan_	vacuna.columns =	['fecha	','primera_d	osis','segunda_dosis']			
<pre>import matplotlib.pyplot as pp %matplotlib inline</pre>							
<pre>pp.plot(df_vacuna.dosis_total[1:], df_vacuna.fecha[1:].astype(str)) pp.title('Personas vacunas con la primera dosis') pp.ylabel('vacunas')</pre>							
<pre>pp.xlabel('vacunados') pp.legend(['vacunas','vacunados'], loc='lower right')</pre>							
pp.gcf()	<pre>pp.gcf().set_size_inches(42, 25)</pre>						



```
vaccin = df vacuna fabricante.vaccine[1:]
vacunasNombre= np.array(list(set(vaccin)))
total vacunas fabri = df vacuna fabricante.total[1:]
\# explode = [0 \ 1 \ 1 \ 0]
#pp.pie(df vacuna fabricante.vaccine[1:,].value counts(), explode)
#pp.pie(df_vacuna_fabricante.vaccine.value_counts())
#pp.title('fabricante vacunas')
v1 = 0
v2 = 0
v_3 = 0
for marca, total mar in zip(vaccin, total vacunas fabri):
  if marca == vacunasNombre[0]:
    v1 = v1 + + int(total_mar)
  elif marca == vacunasNombre[1]:
    v2 = v2 + + int(total_mar)
  elif marca == vacunasNombre[2]:
    v3 = v3 + int(total mar)
b = np.array([v1, v2, v2])
```



```
datos va = df vacuna fabricante.vaccine[1:]
datos_vacuna = np.array(datos_va, dtype=object)
print(datos vacuna)
#fecha = np.asarray([df vacuna fabricante.arrived at[1:,]])
#df = pd.to_datetime(df_vacuna_fabricante.arrived_at[1:], errors='coerce')
fecha mes = []
for i in df vacuna fabricante['arrived at'][1:]:
 var Fecha= datetime.strptime(i, '%d/%m/%Y')
  fecha mes.append(var Fecha.month)
f = np.array(fecha mes)
print(f)
#pp.plot( datos vacuna, f)
pp.hist(x=datos vacuna, bins= 20, color=['#cf0000'], alpha=0.7, rwidth=1)
pp.title('Vacunas por mes')
pp.xlabel('vacunas')
pp.ylabel('fechas')
pp.xticks(datos vacuna)
pp.yticks(f)
```

```
['Pfizer/BioNTech' 'Pfizer/BioNTech' 'Pfizer/BioNTech' 'Pfizer/BioNTech'
 'Sinovac' 'Pfizer/BioNTech' 'Oxford/AstraZeneca' 'Pfizer/BioNTech'
 'Pfizer/BioNTech' 'Pfizer/BioNTech' 'Pfizer/BioNTech' 'Sinovac' 'Sinovac'
 'Pfizer/BioNTech' 'Pfizer/BioNTech' 'Oxford/AstraZeneca'
 'Pfizer/BioNTech' 'Pfizer/BioNTech']
[1 2 2 3 3 3 3 3 3 3 4 4 4 4 4 4 5]
([<matplotlib.axis.YTick at 0x7f439bbb7690>,
 <matplotlib.axis.YTick at 0x7f439bbb4e90>,
 <matplotlib.axis.YTick at 0x7f439c285810>,
 <matplotlib.axis.YTick at 0x7f439bb463d0>,
 <matplotlib.axis.YTick at 0x7f439bb3f510>,
 <matplotlib.axis.YTick at 0x7f439bb36710>,
 <matplotlib.axis.YTick at 0x7f439bb46810>,
 <matplotlib.axis.YTick at 0x7f439bb464d0>,
 <matplotlib.axis.YTick at 0x7f439bacf1d0>,
 <matplotlib.axis.YTick at 0x7f439bacf690>,
 <matplotlib.axis.YTick at 0x7f439bacf5d0>,
 <matplotlib.axis.YTick at 0x7f439bad8190>,
 <matplotlib.axis.YTick at 0x7f439bad8650>,
 <matplotlib.axis.YTick at 0x7f439bad8590>,
 <matplotlib.axis.YTick at 0x7f439bad8550>,
 <matplotlib.axis.YTick at 0x7f439bacf890>,
 <matplotlib.axis.YTick at 0x7f439bb46910>,
 <matplotlib.axis.YTick at 0x7f439bae1350>],
<a list of 18 Text major ticklabel objects>)
```

Vacunas por mes



```
#'#F2AB6D', 'r', 'blue','black','#564a4a', '#9fe6a0', '#ededd0', '#907fa4', '#da7f8
#datos = pd.Series(df_vacuna_fabricante.arrived_at[1:,]) # cargamos los datos en un
fecha_mes = []
for i in df_vacuna_fabricante['arrived_at'][1:]:
    var_Fecha= datetime.strptime(i, '%d/%m/%Y')
    fecha_mes.append(var_Fecha.month)
f = np.array(fecha_mes)
#intervalos = pd.Series(df_vacuna_fabricante.vaccine[1:,].astype(str)) # calculamos
#fd = df_vacuna_fabricante['vaccine'][1:]
#datos = np.array(fd)
pp.hist(x=f, bins=7, color=['#F2AB6D'],alpha=0.7, rwidth=.2)
pp.title(' Fecha de llegada de la vacuna')
pp.xlabel('fechas')
pp.xticks(f)
pp.show()
```



Regresion Lineal total de vacunados

```
from datetime import datetime, timedelta
from sklearn.metrics import mean squared error
from scipy.optimize import curve fit
from scipy.optimize import fsolve
from sklearn import linear model
#dat br = np.array(lista total fechasbr)
#print(dat br)
#print("----")
#tot br = np.array(lista total totbr, dtype='float')
\#xbr = np.arange(1, len(tot br) + 1, 1)
#Segundo metodo
totalVacunas ecuador = df vacuna.loc[:,['primera dosis', 'segunda dosis']]
#graficas de las vacunas
#pp.scatter(totalVacunas ecuador['primera dosis'][1:], totalVacunas ecuador['segund
#pp.bar(totalVacunas_ecuador['primera_dosis'][1:], totalVacunas_ecuador['segunda_do
#pp.gcf().set_size_inches(42, 25)
#pp.xlabel('Primera Dosis')
#pp.ylabel('Segunda Dosis')
#pp.title('Gráfica vacunados totales')
total llegada fabricantes= df vacuna fabricante.loc[:,['total', 'arrived at']]
```

	total	arrived_at
0	total	arrived_at
1	8190	20/01/2021
2	16380	17/02/2021
3	17550	24/02/2021
4	31590	03/03/2021
5	20000	06/03/2021
6	73710	10/03/2021
7	84000	17/03/2021
8	62010	17/03/2021

############

```
xvaac= (totalVacunas_ecuador.primera_dosis[1:].astype(np.int64))
#xvac = list (totalVacunas_ecuador.iloc [:, 0][1:])
#yvac = list (totalVacunas ecuador.iloc [:, 1][1:])
yvaac= (totalVacunas_ecuador.segunda_dosis[1:].astype(np.int64))
x fabri = (total llegada fabricantes.total[1:].astype(np.int64))
FMT = '%d/%m/%y'
date = total llegada fabricantes['arrived at']
total_llegada_fabricantes['arrived_at'] = date.map(lambda x : (datetime.strptime(x,
total llegada fabricantes
# Creamos el objeto de Regresión Lineal
regr ecuador2 = linear model.LinearRegression()
regr_fabricante = linear_model.LinearRegression()
# Entrenamos nuestro modelo
regr ecuador2.fit(np.array(xvaac).reshape(-1, 1) ,yvaac)
regr fabricante.fit(np.array(x fabri).reshape(-1, 1) ,y fabri)
print('vacunados primera y segunda')
print(' ')
# Veamos los coeficienetes obtenidos, En nuestro caso, serán la Tangente
print('Coefficients Vacunados: \n', regr_ecuador2.coef_)
# Este es el valor donde corta el eje Y (en X=0)
print('Independent term Vacunados: \n', regr_ecuador2.intercept_)
# Error Cuadrado Medio
y_prediccion2 = regr_ecuador2.predict([[100]])
print('prediccion vacunados-->',int(y prediccion2))
print(' ')
print('fecha llegada vacunas')
print(' ')
```

SEARCH STACK OVERFLOW

```
#########
```

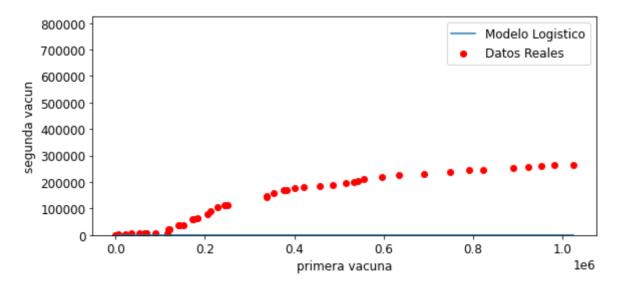
```
pp.scatter(xvaac, yvaac)
x_real = np.array(range(0,899000))
print(x_real)
pp.plot(x_real, regr_ecuador2.predict(x_real.reshape(-1, 1)), color='green', lw=2)
pp.show()
```

```
[ 0 1 2 ... 898997 898998 898999]
```

Regresión logistico

```
130000
def modelo logistic(xx,aa,bb):
    return aa+bb*np.log(xx)
exp fitt = curve fit(modelo logistic,xvaac,yvaac)
print(exp fitt)
    (array([1., 1.]), array([[inf, inf],
            [inf, inf]]))
    /usr/local/lib/python3.7/dist-packages/pandas/core/series.py:726: RuntimeWarni
      result = getattr(ufunc, method)(*inputs, **kwargs)
    /usr/local/lib/python3.7/dist-packages/scipy/optimize/minpack.py:808: Optimize
      category=OptimizeWarning)
pred x = list(range(min(xvaac), max(xvaac) + 100)) \# Predecir 50 dias mas
pp.rcParams['figure.figsize'] = [9, 4]
pp.rc('font', size=12)
# Real data
pp.scatter(xvaac,yvaac,label="Datos Reales",color="red")
# Predicted exponential curve
pp.plot(pred_x, [modelo_logistic(i,exp_fitt[0][0],exp_fitt[0][1]) for i in pred_x],
pp.legend()
pp.xlabel("primera vacuna")
pp.ylabel("segunda vacun")
pp.ylim((min(yvaac)*0.9,max(yvaac)*3.1)) # Definir los limites de Y
pp.show()
```





Modelo regresión exponencial

```
curve fit = np.polyfit(xvaac, np.log(yvaac), deg=1)
print(curve fit)
pred x = np.array(list(range(min(xvaac), max(xvaac)+15)))
yx = np.exp(curve fit[1]) * np.exp(curve fit[0]*pred x)
pp.plot(xvaac, yvaac, "o")
pp.plot(pred x,yx, color="gold")
pp.grid(True)
    /usr/local/lib/python3.7/dist-packages/pandas/core/series.py:726: RuntimeWa
      result = getattr(ufunc, method)(*inputs, **kwargs)
     [nan nan]
     250000
     200000
     150000
     100000
      50000
              0.0
                         0.2
                                    0.4
                                               0.6
                                                           8.0
                                                                      1.0
```

Regresión Polinomial

```
print(len(xvaac))
longitud_dosis = np.array(range(1, len(xvaac)+1))
print(len(longitud_dosis))

x_polimonial = np.polyld(np.polyfit(longitud_dosis, yvaac, 4))
print('datos', x_polimonial)
y_p = x_polimonial(longitud_dosis)
print(len(y_p))
pp.scatter(longitud_dosis, yvaac)
pp.plot(longitud_dosis, y_p)
pp.title('Regresion polimonial vacunados')
pp.xlabel('primera dosis')
pp.ylabel('segunda dosis')
```

1e6

```
50

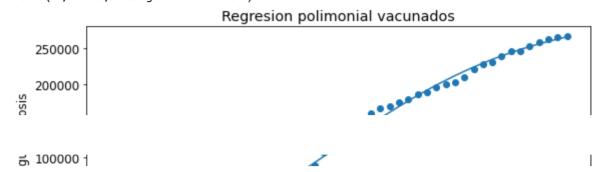
50

datos 4 3 2

0.1036 x - 16.57 x + 840.1 x - 8612 x + 1.964e+04

50

Text(0, 0.5, 'segunda dosis')
```



Comparacion entre paises

```
urlPaises = 'https://raw.githubusercontent.com/owid/covid-19-data/master/public/dat
df vacuna paises = pd.read csv(urlPaises, header= None).fillna(0)
df_vacuna_paises.columns = ['location','iso_code','date','total_vaccinations','peop
df vacuna paises = df vacuna paises[df vacuna paises['location'].isin(['Ecuador'])]
df_vacuna_paises = df_vacuna_paises.loc[:,['date', 'people_fully_vaccinated']]
FMT = '%Y-%m-%d'
date = df vacuna paises['date']
df vacuna paises['date'] = date.map(lambda x : (datetime.strptime(x, FMT) - datetim
date
x = list(df vacuna paises.iloc [:, 0]) # Fecha
y = list(df vacuna paises.iloc [:, 1]) # Numero de casos
print(x)
regr = linear model.LinearRegression()
# Entrenamos nuestro modelo
regr.fit(np.array(x).reshape(-1, 1) ,y)
# Veamos los coeficienetes obtenidos, En nuestro caso, serán la Tangente
print('Coefficients: \n', regr.coef_)
# Este es el valor donde corta el eje Y (en X=0)
print('Independent term: \n', regr.intercept )
# Error Cuadrado Medio
######
y_prediccion = regr.predict([[100]])
print('prediccion --->',int(y prediccion))
```

```
###'
pp.scatter(x, y, c='red', alpha=0.9)
x real = np.array(range(50, 100))
#print(x real)
pp.gcf().set size inches(42, 25)
pp.plot(x real, regr.predict(x real.reshape(-1, 1)), color='blue')
pp.title('Análisis vacunados ecuador')
pp.xlabel('fecha de vacunacion')
pp.ylabel('total de vacunados')
```

→ AHOA AQUI BRASIL

```
urlPaises = 'https://raw.qithubusercontent.com/owid/covid-19-data/master/public/dat
   df vacuna paises = pd.read csv(urlPaises, header= None).fillna(0)
   df vacuna paises.columns = ['location','iso code','date','total vaccinations','peop
   br fecha = []
   br vacunados = []
   for lugar, fecha, vacuna in zip(df vacuna paises['location'], df vacuna paises['dat
     if lugar == 'Brazil':
       ff = datetime.strptime(fecha, '%Y-%m-%d')
       br fecha.append(ff.day)
       br vacunados.append(vacuna)
   fecha_vacuna_br = np.array(br_fecha)
   vacunados total br = np.array(br vacunados, dtype='float')
   btotal = np.arange(1, len(vacunados total br) + 1, 1)
   btotal
   #xB = list(fecha_vacuna_br[0:]) # Fecha
   #yB = list(vacunados total br[0:]) # Numero de casos
   #print(xB)
   #print('vacunados-->' ,yB)
   # Creamos el objeto de Regresión Lineal
   regrB = linear model.LinearRegression()
   # Entrenamos nuestro modelo
   regrB.fit(np.array(btotal).reshape(-1, 1) ,vacunados total br)
   # Veamos los coeficienetes obtenidos, En nuestro caso, serán la Tangente
   print('Coefficients br: \n', regrB.coef_)
   # Este es el valor donde corta el eje Y (en X=0)
   print('Independent term br: \n', regrB.intercept )
   # Error Cuadrado Medio
   ######
   y prediccionB = regrB.predict([[100]])
   print('prediccion Brasil --->'.int(v prediccionB))
https://colab.research.google.com/github/rayner-p/Simulacion/blob/main/pruebaSE.ipynb#printMode=true
```

```
pruebaSE.ipynb - Colaboratory
                                          · / + ... ( / _ P + C d + C C + C ... ) /
brine! breateston prapir
```

```
fig, (ax1) = pp.subplots(1, sharex='col', sharey='row',
                        gridspec kw={'hspace': 0, 'wspace': 0}, figsize=(20,20))
x realB = np.array(range(1, len(vacunados total br) + 1))
ax1.scatter(btotal, vacunados total br, c='red', alpha=0.9)
pp.plot(x realB, regrB.predict(x realB.reshape(-1, 1)), color='#4aa96c')
pp.title('Análisis vacunados Brasil')
pp.xlabel('fecha de vacunacion')
pp.ylabel('total de vacunados')
#x1.gcf().set size inches(42, 25)
```

- CHILE

```
urlPaises = 'https://raw.qithubusercontent.com/owid/covid-19-data/master/public/dat
   df vacuna paises = pd.read csv(urlPaises, header= None).fillna(0)
   df vacuna paises.columns = ['location','iso code','date','total vaccinations','peop
   ch fecha = []
   ch vacunados = []
   for lugarc, fechac, vacunac in zip(df_vacuna_paises['location'], df vacuna paises['
     if lugarc == 'Chile':
       ff = datetime.strptime(fechac, '%Y-%m-%d')
       ch fecha.append(ff.day)
       ch vacunados.append(vacunac)
   fecha vacuna chile = np.array(ch fecha)
   vacunados total chile = np.array(ch vacunados, dtype='float')
   total vacunaC= np.arange(1, len(vacunados total chile) + 1, 1)
   xC = list(fecha vacuna chile) # Fecha
   yC = list(vacunados_total_chile) # Numero de casos
   print(xC)
   # Creamos el objeto de Regresión Lineal
   regrC = linear model.LinearRegression()
   # Entrenamos nuestro modelo
   regrC.fit(np.array(xC).reshape(-1, 1) ,yC)
   # Veamos los coeficienetes obtenidos, En nuestro caso, serán la Tangente
   print('Coefficients: \n', regrC.coef )
   # Este es el valor donde corta el eje Y (en X=0)
   print('Independent term: \n', regrC.intercept )
   # Error Cuadrado Medio
   ######
   y prediccionC = regrC.predict([[100]])
   print('prediccion Chile --->'.int(v prediccionC))
https://colab.research.google.com/github/rayner-p/Simulacion/blob/main/pruebaSE.ipynb#printMode=true
```

```
pp.scatter(xC, yC, c='red', alpha=0.9)
x_realC = np.array(range(1, len(vacunados_total_chile) + 1))
#print(x_real)
pp.gcf().set_size_inches(42, 25)
pp.plot(x_realC, regrC.predict(x_realC.reshape(-1, 1)), color='black')
pp.title('Análisis vacunados Chile')
pp.xlabel('fecha de vacunacion')
pp.ylabel('total de vacunados')
```