

Boa tarde Roberto,

Como conversamos, estou enviando o arquivo com os dados de Arundo. Estão separadas em planilhas , a saber

- 1 - todos os individuos da primeira coleta (feita por Kenya)
- 2 - os dados dos individuos da primeira coleta sem brotação lateral
- 3 - os dados dos individuos da primeira coleta com brotação lateral
- 4 - todos os individuos da segunda coleta (feita por Hay)
- 5 - os dados dos individuos da segunda coleta sem brotação lateral
- 6 - os dados dos individuos da segunda coleta com brotação lateral
- 7 - todos os individuos na segunda coleta que são de sítios "unicos"
- 8 - todos os individuos na segunda coleta que forma coletados em sitios repetidos. (em sitios 2 e 5).

Meu pedido de análise(s), usando somente os dados de altura (m) como variável independente e peso seco total (g) como variável dependente

Planilhas 1 e 4 (na avaliação usando intervalos de confiança não há sobreposição)

Planilhas 7 e 8 (na avaliação usando intervalos de confiança há sobreposição)

Planilhas 2 e 3 (não testei)

Planilhas 5 e 6 (não testei)

## HOW TO DO ANCOVA IN R

```
# Assuming 'data' is your combined dataset, 'x' is the independent variable,  
# 'y' is the dependent variable, and 'group' is the grouping variable  
model <- lm(y ~ x * group, data = data)  
summary(model)
```

## #Example

```
# Assuming 'data' is your combined dataset, 'x' is the independent variable,
```

```
# 'y' is the dependent variable, and 'group' is the grouping variable.  
# The interaction term 'x:group' will test if the slope of x changes  
# between the two groups.  
model <- lm(Sepal.Width ~ Sepal.Length * Species, data = iris)  
summary(model)
```