

Input Sample	BC_01	BC_02	BC_03	BC_03LN	BC_04	BC_05	BC_06	BC_07	BC_07LN	BC_08	BC_09	BC_10	BC_11	P-value	Pearson Correlation	RMSE
TCGA-3C-AALI	0.084	0.022	0.107	0	0	0.302	0.065	0.033	0.145	0.067	0.175	0	0	0.010	0.125	1.185
TCGA-3C-AALK	0.23	0.059	0	0.009	0.005	0.194	0	0.059	0.017	0.425	0	0	0	0.000	0.189	1.161
TCGA-A1-A0SM	0.095	0	0	0	0.187	0.324	0.131	0.016	0.115	0.132	0	0	0	0.000	0.396	1.007
TCGA-A1-A0SN	0.143	0	0.086	0.047	0.054	0.404	0.044	0.034	0	0.095	0.093	0	0	0.000	0.233	1.118
TCGA-A2-A04W	0.004	0	0.011	0	0.222	0.401	0.046	0.05	0.084	0.182	0	0	0	0.000	0.392	1.019
TCGA-A2-A04X	0.297	0	0	0.127	0.093	0	0.091	0	0.091	0	0.381	0	0	0.000	0.182	1.147
TCGA-A2-A0CX	0.014	0	0.149	0	0	0.4	0	0	0	0.18	0.112	0.08	0.065	0.000	0.319	1.054
TCGA-A2-A0D1	0.26	0	0	0.042	0	0.499	0	0.006	0.111	0.056	0.026	0	0	0.000	0.306	1.087
TCGA-A2-A0EQ	0.107	0	0.055	0.22	0	0	0	0.046	0.13	0	0.443	0	0	0.000	0.195	1.193
TCGA-A2-A0EY	0	0.089	0.045	0	0	0.408	0.033	0.012	0.193	0.124	0.096	0	0	0.000	0.222	1.132
TCGA-A2-A0T1	0	0	0.018	0	0.081	0.08	0.079	0.111	0.156	0.032	0.442	0	0	0.010	0.124	1.232
TCGA-A2-A0YG	0.096	0.005	0	0.128	0	0.608	0.076	0.057	0	0.03	0	0	0	0.000	0.545	0.895
TCGA-A2-A3XZ	0	0	0	0.054	0	0.304	0.278	0.179	0.115	0.015	0.056	0	0	0.010	0.118	1.207
TCGA-A7-A2KD	0	0	0	0.16	0	0.426	0.005	0.13	0	0.143	0.136	0	0	0.000	0.215	1.134
TCGA-A7-A4SF	0.049	0.245	0	0.049	0	0.55	0.068	0	0	0.005	0.034	0	0	0.000	0.331	1.077
TCGA-A8-A06R	0	0.115	0	0.149	0.039	0	0	0	0.114	0.24	0.301	0.042	0	0.000	0.175	1.159
TCGA-A8-A06T	0.306	0.237	0	0.143	0	0.085	0	0.011	0	0	0.218	0	0	0.000	0.315	1.048
TCGA-A8-A06U	0.317	0.146	0	0	0.02	0.12	0.058	0.046	0	0	0.293	0	0	0.000	0.360	1.011
TCGA-A8-A06X	0.158	0.093	0	0.215	0	0.182	0	0.008	0	0.058	0.249	0	0.037	0.000	0.326	1.041
TCGA-A8-A075	0.074	0.035	0	0.112	0	0.188	0	0.101	0.014	0	0.392	0.085	0	0.000	0.165	1.169
TCGA-A8-A076	0	0.15	0.006	0.053	0.013	0.494	0	0.027	0	0.146	0.111	0	0	0.000	0.270	1.101
TCGA-A8-A07B	0.165	0	0	0.108	0.012	0.502	0	0.054	0.017	0.116	0	0.025	0	0.000	0.426	0.990
TCGA-A8-A07I	0.261	0.18	0	0.252	0	0.099	0	0	0	0	0.154	0.054	0	0.000	0.285	1.073
TCGA-A8-A07P	0.275	0.12	0.105	0.049	0	0.311	0	0.075	0	0.038	0	0.029	0	0.000	0.281	1.094
TCGA-A8-A07R	0.051	0	0	0.229	0	0.275	0	0	0	0.097	0	0.148	0.2	0.000	0.242	1.123
TCGA-A8-A08B	0.043	0.02	0.038	0	0.119	0.488	0.143	0	0	0.003	0.147	0	0	0.000	0.498	0.920
TCGA-A8-A08C	0.332	0.09	0	0	0	0.278	0	0.115	0.062	0.086	0.037	0	0	0.000	0.385	1.010
TCGA-A8-A08G	0.304	0.286	0	0.044	0	0.166	0	0.007	0	0.052	0.141	0	0	0.000	0.257	1.097
TCGA-A8-A08H	0.12	0	0	0	0	0	0.022	0.198	0	0.223	0.389	0.016	0.033	0.970	-0.042	1.304
TCGA-A8-A08P	0.023	0	0.014	0	0	0.261	0	0	0	0	0.701	0	0	0.000	0.310	1.119
TCGA-A8-A08S	0.134	0.183	0	0.149	0	0.413	0	0	0	0.089	0.031	0	0	0.000	0.341	1.053
TCGA-A8-A08T	0.313	0.036	0	0.081	0	0.261	0	0.15	0.009	0.098	0	0.051	0	0.000	0.329	1.052
TCGA-A8-A08X	0	0	0	0.11	0	0	0.214	0	0.178	0.261	0.165	0.071	0	0.000	0.207	1.134
TCGA-A8-A090	0.238	0.094	0	0.021	0	0.23	0	0.021	0	0.082	0.228	0.085	0	0.000	0.206	1.118
TCGA-A8-A097	0	0.025	0	0.075	0.072	0.469	0.039	0	0	0.179	0.073	0.068	0	0.000	0.280	1.094
TCGA-A8-A099	0.248	0.178	0	0	0	0.311	0	0.174	0.05	0.004	0	0.034	0	0.000	0.386	1.016
TCGA-A8-A09E	0.092	0.493	0	0.024	0	0.278	0	0.091	0	0.022	0	0	0	0.000	0.479	0.952
TCGA-A8-A09G	0	0	0.019	0.126	0	0.33	0	0	0.227	0	0.295	0	0.002	0.000	0.221	1.147
TCGA-A8-A09I	0	0	0	0.057	0.081	0.487	0	0.001	0	0	0.373	0	0	0.000	0.400	1.006
TCGA-A8-A09N	0.348	0.092	0	0.041	0	0.219	0	0.063	0	0.055	0.175	0	0.008	0.000	0.279	1.074
TCGA-A8-A0A7	0	0	0.177	0	0	0.082	0.012	0.016	0.184	0.036	0.492	0	0	0.000	0.191	1.198
TCGA-A8-A0AB	0.049	0.006	0.019	0.076	0	0.507	0	0.053	0	0.102	0	0.162	0.027	0.000	0.376	1.031
TCGA-AC-A23C	0.23	0	0.076	0.006	0	0.272	0.098	0	0.059	0.09	0.169	0	0	0.000	0.235	1.102
TCGA-AC-A23G	0.063	0	0	0	0	0	0	0.194	0	0.503	0	0.136	0.104	0.460	0.031	1.272
TCGA-AC-A23H	0.224	0	0.08	0	0	0	0	0	0	0.373	0.075	0.08	0.168	0.940	-0.038	1.291
TCGA-AC-A2FB	0	0	0	0.131	0	0.03	0.225	0.209	0	0.019	0.385	0	0	0.050	0.107	1.233
TCGA-AC-A3QQ	0	0.165	0	0.018	0.103	0.238	0.193	0	0.05	0.13	0.056	0.048	0	0.000	0.267	1.092
TCGA-AC-A3TN	0.235	0.294	0.022	0	0	0.251	0	0	0.031	0.151	0	0.017	0	0.000	0.314	1.079
TCGA-AC-A3YI	0.036	0	0	0	0.072	0	0	0.216	0	0.53	0	0.146	0	0.010	0.115	1.218
TCGA-AC-A4ZE	0.188	0.373	0.024	0	0	0.176	0	0.104	0.057	0.076	0	0	0	0.000	0.255	1.114
TCGA-AC-A80S	0.147	0.042	0.147	0	0	0.087	0	0	0.356	0.213	0	0.007	0	1.000	-0.085	1.342
TCGA-AN-A03X	0.104	0	0	0	0	0.287	0	0.066	0.06	0.438	0.044	0	0	0.000	0.185	1.158
TCGA-AN-A041	0.169	0.169	0	0.116	0.031	0.254	0	0.095	0	0.167	0	0	0	0.000	0.271	1.095
TCGA-AN-A04C	0.012	0	0	0.067	0.252	0.325	0.15	0.097	0.045	0	0	0.052	0	0.000	0.416	0.999
TCGA-AN-A0AJ	0.172	0	0	0.207	0	0.051	0.006	0.101	0	0	0.463	0	0	0.000	0.195	1.171
TCGA-AN-A0AK	0.241	0	0	0.204	0	0.31	0	0	0	0	0.206	0.038	0	0.000	0.341	1.033
TCGA-AN-A0FD	0.283	0.2	0	0.137	0	0	0	0	0	0.172	0.117	0.029	0.06	0.000	0.224	1.113
TCGA-AN-A0FJ	0.231	0	0	0.236	0	0.215	0	0	0	0	0	0.139	0.178	0.010	0.117	1.207
TCGA-AN-A0FK	0.272	0.152	0	0	0	0.364	0	0.016	0.165	0.021	0.01	0	0	0.000	0.400	1.011
TCGA-AN-A0FL	0.173	0	0	0.146	0	0.304	0	0.026	0	0.102	0	0.188	0.061	0.000	0.320	1.061
TCGA-AN-A0FN	0.102	0	0.103	0	0	0	0.021	0.214	0.234	0.201	0.124	0	0	0.980	-0.064	1.325
TCGA-AN-A0F5	0.26	0.127	0	0	0	0.203	0	0.109	0	0.199	0	0.101	0	0.000	0.199	1.146
TCGA-AN-A0FT	0	0.105	0.139	0	0	0.425	0	0.045	0.05	0.148	0	0.088	0	0.000	0.315	1.071

Input Sample														P-value	Pearson	
	BC_01	BC_02	BC_03	BC_03LN	BC_04	BC_05	BC_06	BC_07	BC_07LN	BC_08	BC_09	BC_10	BC_11		Correlation	RMSE
TCGA-AN-A0FV	0.003	0.122	0	0.066	0	0.54	0	0	0	0.233	0	0	0.037	0.000	0.399	1.021
TCGA-AN-A0FX	0	0	0.047	0.028	0	0.119	0	0	0	0.271	0	0.228	0.307	0.000	0.152	1.194
TCGA-AN-A0FZ	0.099	0.301	0.037	0	0	0.322	0	0	0	0.214	0	0.027	0	0.000	0.364	1.043
TCGA-AN-A0XP	0.22	0.343	0	0	0	0.269	0	0	0.013	0.106	0.049	0	0	0.000	0.389	1.018
TCGA-AN-A0XV	0.318	0	0.029	0	0	0.082	0	0.325	0.151	0.095	0	0	0	0.000	0.153	1.180
TCGA-AN-A0XW	0.144	0	0.058	0	0	0	0	0.228	0	0	0.471	0.018	0.081	0.000	0.228	1.161
TCGA-AO-A03L	0.092	0.028	0.112	0.066	0.052	0.463	0	0.08	0	0.087	0.019	0	0	0.000	0.291	1.091
TCGA-AO-A0JE	0.071	0	0	0.122	0	0.082	0	0.157	0.093	0.109	0.343	0	0.024	0.010	0.120	1.211
TCGA-AO-A0JM	0.231	0.018	0.024	0.075	0.175	0.235	0	0.067	0	0.176	0	0	0	0.000	0.339	1.046
TCGA-AO-A12C	0.31	0	0	0.031	0	0.287	0	0.029	0.007	0.336	0	0	0	0.000	0.308	1.079
TCGA-AO-A12D	0	0	0.145	0	0.152	0.389	0	0.009	0.004	0.075	0.226	0	0	0.000	0.309	1.069
TCGA-AO-A12G	0.149	0	0.08	0	0	0.351	0	0.084	0	0.247	0	0.09	0	0.000	0.281	1.090
TCGA-AQ-A04L	0.081	0.175	0	0	0	0.282	0	0.013	0.208	0.2	0	0	0.041	0.000	0.385	1.015
TCGA-AQ-A0Y5	0.015	0	0.14	0	0.169	0.303	0	0	0	0.342	0	0.031	0	0.000	0.226	1.136
TCGA-AR-A0TX	0	0	0.041	0.058	0	0.252	0.128	0.125	0	0.157	0.238	0	0	0.080	0.101	1.196
TCGA-AR-A1AT	0	0	0	0.079	0	0.472	0.008	0	0.107	0.008	0.327	0	0	0.000	0.294	1.084
TCGA-AR-A1AX	0	0	0.072	0.285	0	0.107	0.171	0.05	0.114	0	0.2	0	0	0.250	0.058	1.265
TCGA-AR-A24U	0.018	0	0	0.094	0	0	0.208	0.163	0.153	0.069	0.295	0	0	0.310	0.049	1.264
TCGA-AR-A254	0	0	0	0.052	0.171	0.411	0	0	0	0.012	0.353	0	0	0.000	0.270	1.107
TCGA-AR-A255	0.251	0	0	0.107	0	0.145	0	0.223	0	0	0.194	0	0.081	0.000	0.153	1.170
TCGA-AR-A2UJ	0.038	0	0.022	0	0	0.054	0.214	0.238	0	0.246	0.179	0.008	0	0.630	0.013	1.250
TCGA-AR-A5QN	0	0.323	0.043	0	0	0.124	0	0.267	0	0.244	0	0	0	0.000	0.168	1.171
TCGA-BH-A0AU	0.226	0.082	0.047	0.06	0	0.258	0	0.024	0	0.224	0.078	0	0	0.000	0.186	1.144
TCGA-BH-A0AW	0.083	0	0.199	0	0	0.021	0.035	0.227	0	0	0.436	0	0	0.020	0.114	1.243
TCGA-BH-A0B6	0	0	0.214	0.006	0	0	0.056	0.071	0.033	0.031	0.589	0	0	0.000	0.156	1.244
TCGA-BH-A0B7	0	0	0.139	0	0	0.304	0.058	0.088	0.3	0	0.112	0	0	0.010	0.136	1.210
TCGA-BH-A0BQ	0.111	0	0	0	0.096	0	0	0.301	0.035	0.375	0.048	0	0.031	0.000	0.146	1.186
TCGA-BH-A0DD	0.082	0.196	0.051	0.199	0.113	0.192	0	0	0	0.042	0.059	0	0.066	0.000	0.388	1.006
TCGA-BH-A0DZ	0.221	0	0.051	0.041	0.147	0.017	0	0.062	0.048	0.097	0.142	0.174	0	0.000	0.367	1.008
TCGA-BH-A0EE	0.002	0	0	0.09	0.306	0.288	0.118	0.114	0	0	0	0	0.082	0.000	0.390	1.027
TCGA-BH-A0HY	0.092	0.008	0.019	0	0	0.658	0	0	0.031	0.192	0	0	0	0.000	0.557	0.890
TCGA-BH-A18H	0.171	0	0.037	0.072	0	0	0	0.224	0.128	0	0.368	0	0	0.010	0.127	1.223
TCGA-BH-A18I	0.194	0	0.156	0	0	0	0	0.293	0	0.227	0.13	0	0	0.700	0.004	1.264
TCGA-BH-A18M	0.08	0.142	0.049	0	0	0	0	0.141	0	0.39	0	0.17	0.028	0.920	-0.034	1.297
TCGA-BH-A18P	0.073	0.09	0	0.115	0.08	0.432	0	0.13	0.01	0.017	0	0	0.053	0.000	0.361	1.041
TCGA-BH-A18Q	0.105	0	0.043	0.174	0	0.061	0	0	0	0.036	0.122	0.147	0.311	0.000	0.175	1.166
TCGA-BH-A18R	0.062	0.045	0.075	0	0	0.176	0	0.077	0.063	0.308	0	0	0.192	0.700	0.005	1.277
TCGA-BH-A18T	0.122	0	0	0.171	0	0.223	0	0.027	0	0.056	0.143	0.155	0.104	0.000	0.290	1.069
TCGA-BH-A18U	0.011	0.043	0	0.219	0.049	0.47	0	0.052	0	0	0.156	0	0	0.000	0.282	1.096
TCGA-BH-A1EN	0.335	0.092	0	0	0.091	0.214	0	0.04	0.048	0.181	0	0	0	0.000	0.403	1.001
TCGA-BH-A1EV	0	0	0	0.035	0.026	0.754	0	0	0.028	0.156	0	0	0	0.000	0.564	0.891
TCGA-BH-A1EX	0	0.11	0	0	0	0.213	0	0.219	0.054	0.201	0.078	0.125	0	0.000	0.180	1.151
TCGA-BH-A1F2	0.173	0	0.016	0	0.047	0.239	0	0.179	0	0.224	0	0.121	0	0.000	0.252	1.105
TCGA-BH-A1F8	0.163	0.193	0	0.166	0.004	0.302	0	0	0	0.026	0.059	0	0.088	0.000	0.310	1.068
TCGA-BH-A202	0	0	0	0.114	0	0.44	0	0	0	0.057	0.262	0.002	0.124	0.000	0.378	1.015
TCGA-BH-A42T	0.047	0	0	0.181	0.026	0.161	0	0.171	0.008	0.18	0.071	0.155	0	0.000	0.260	1.094
TCGA-C8-A12P	0	0	0	0.021	0.139	0.549	0.08	0	0	0.132	0.079	0	0	0.000	0.401	1.011
TCGA-C8-A12Q	0.144	0.086	0.053	0	0.028	0.312	0	0.008	0.192	0.178	0	0	0	0.000	0.194	1.155
TCGA-C8-A12T	0.28	0	0	0.06	0.011	0.314	0	0.02	0	0.2	0.057	0.058	0	0.000	0.153	1.172
TCGA-C8-A12Z	0.064	0	0	0.032	0.103	0.623	0	0	0.034	0.109	0	0	0.034	0.000	0.528	0.914
TCGA-C8-A135	0	0	0.089	0.011	0	0.497	0	0.058	0.119	0.103	0	0.093	0.031	0.000	0.356	1.045
TCGA-C8-A137	0.308	0	0	0.051	0.003	0.537	0	0.005	0.025	0.066	0	0	0.005	0.000	0.452	0.981
TCGA-C8-A1HF	0.082	0	0	0.164	0	0.249	0	0.022	0.018	0	0.446	0	0.021	0.000	0.252	1.119
TCGA-C8-A1HK	0.018	0	0.051	0.161	0.209	0.482	0	0	0.03	0	0	0.048	0	0.000	0.439	0.989
TCGA-C8-A278	0.006	0	0.048	0.076	0	0.334	0.046	0	0.168	0	0.323	0	0	0.000	0.168	1.175
TCGA-C8-A3M8	0.215	0.315	0.006	0	0.089	0.284	0	0	0.09	0	0	0	0	0.000	0.288	1.100
TCGA-C8-A8HP	0	0	0	0	0.071	0.228	0.008	0.053	0.245	0	0.394	0	0	0.560	0.020	1.293
TCGA-D8-A140	0.2	0.187	0.143	0.199	0	0.131	0	0	0	0	0.14	0	0	0.000	0.218	1.125
TCGA-D8-A1J9	0	0.227	0.069	0	0.164	0.424	0.101	0	0	0	0.015	0	0	0.000	0.341	1.063
TCGA-D8-A1JA	0.049	0.11	0.005	0	0.491	0.233	0	0.1	0	0.013	0	0	0	0.000	0.332	1.091
TCGA-D8-A1X5	0.118	0.127	0	0.113	0	0.445	0	0	0	0.078	0.118	0	0	0.000	0.283	1.087
TCGA-D8-A1XJ	0.143	0	0	0.104	0.044	0.574	0.06	0.008	0	0.067	0	0	0	0.000	0.376	1.041
TCGA-D8-A1X5	0.218	0.029	0.03	0.112	0	0.351	0	0	0	0.151	0.108	0	0	0.000	0.266	1.090
TCGA-D8-A1XT	0.108	0	0	0.069	0.064	0.421	0	0	0.03	0.145	0.146	0.017	0	0.000	0.270	1.090

Input Sample	BC_01	BC_02	BC_03	BC_03LN	BC_04	BC_05	BC_06	BC_07	BC_07LN	BC_08	BC_09	BC_10	BC_11	P-value	Pearson Correlation	RMSE
TCGA-D8-A1XY	0.15	0.214	0	0	0	0.295	0	0.093	0	0.205	0	0.042	0	0.000	0.277	1.099
TCGA-D8-A27N	0.14	0	0	0	0.025	0.312	0	0	0.059	0.201	0.188	0.075	0	0.000	0.228	1.108
TCGA-E2-A10A	0.126	0.352	0	0.204	0.057	0.223	0	0	0	0	0.038	0	0	0.000	0.322	1.064
TCGA-E2-A14P	0.146	0	0.061	0.139	0.059	0.38	0.112	0.006	0	0.077	0	0	0.02	0.000	0.390	1.012
TCGA-E2-A14V	0	0	0.134	0.048	0.153	0.501	0.01	0	0	0.155	0	0	0	0.000	0.433	0.988
TCGA-E2-A152	0.033	0	0.037	0	0.14	0.475	0	0	0	0.107	0	0.207	0	0.000	0.356	1.052
TCGA-E2-A1B0	0.141	0	0	0	0.133	0.224	0.02	0.18	0.066	0.145	0.052	0.04	0	0.000	0.293	1.074
TCGA-E2-A1LB	0.189	0.181	0	0.081	0.059	0.326	0	0	0.117	0.048	0	0	0	0.000	0.342	1.053
TCGA-E2-A1LE	0.041	0	0.234	0	0.016	0.107	0	0.091	0.157	0.137	0.189	0.028	0	0.270	0.054	1.244
TCGA-E9-A1N4	0.382	0	0	0.071	0	0.059	0	0.081	0.033	0.155	0.219	0	0	0.000	0.144	1.159
TCGA-E9-A1N5	0.16	0	0	0.175	0	0.275	0	0	0	0.197	0	0.093	0.101	0.010	0.120	1.199
TCGA-E9-A1N6	0.233	0	0	0.031	0	0.219	0	0	0	0.332	0.034	0.023	0.122	0.000	0.348	1.041
TCGA-E9-A1N9	0.136	0	0.166	0.174	0	0.269	0	0.124	0	0	0	0	0.131	0.000	0.279	1.100
TCGA-E9-A1NA	0.101	0.209	0	0.236	0	0.094	0	0.096	0	0.133	0.081	0.029	0.021	0.000	0.158	1.163
TCGA-E9-A1NC	0	0	0	0	0	0	0	0.096	0.021	0.276	0.409	0.197	0	0.230	0.063	1.242
TCGA-E9-A1ND	0	0	0	0.043	0.039	0	0	0.089	0	0	0.609	0.09	0.131	0.000	0.241	1.186
TCGA-E9-A22D	0.122	0	0.019	0.14	0.037	0	0	0.104	0	0	0.578	0	0	0.000	0.316	1.112
TCGA-E9-A22E	0.196	0	0.124	0	0	0	0	0.039	0	0.344	0.192	0	0.105	0.000	0.158	1.157
TCGA-E9-A22G	0.212	0	0	0.236	0.013	0.093	0.054	0	0	0	0.032	0.071	0.288	0.000	0.237	1.126
TCGA-E9-A22H	0.273	0.184	0.04	0.128	0	0.196	0	0.035	0	0	0.143	0	0	0.000	0.307	1.058
TCGA-E9-A295	0.24	0	0	0	0	0.155	0.096	0.272	0	0.237	0	0	0	0.080	0.103	1.200
TCGA-E9-A3X8	0.075	0	0.117	0	0	0.062	0	0.077	0.222	0.113	0.266	0.068	0	0.490	0.026	1.262
TCGA-EW-A1IW	0.203	0	0.053	0.064	0.091	0.327	0.035	0.091	0	0.227	0	0	0	0.000	0.261	1.102
TCGA-EW-A1J3	0	0.189	0	0.12	0.073	0.58	0.015	0.022	0	0	0	0	0	0.000	0.504	0.937
TCGA-EW-A424	0.184	0.074	0	0.022	0	0.266	0	0	0	0.288	0	0.165	0	0.000	0.244	1.124
TCGA-EW-A6S9	0.282	0	0	0.033	0.103	0.306	0.096	0	0	0.18	0	0	0	0.000	0.375	1.025
TCGA-JL-A3YW	0	0	0	0	0	0.082	0	0.217	0.15	0.358	0.192	0	0	0.590	0.018	1.270
TCGA-JL-A3YX	0.284	0.279	0	0	0	0.132	0	0	0	0.208	0	0.097	0	0.000	0.245	1.128
TCGA-LD-A9QF	0	0	0	0	0	0	0.174	0.369	0.006	0.06	0.39	0	0	0.270	0.053	1.283
TCGA-LL-A5YL	0.225	0	0	0.029	0	0.125	0	0.12	0.24	0.106	0.116	0.038	0	0.130	0.076	1.219
TCGA-LL-A7T0	0.199	0.026	0	0.285	0	0.276	0.018	0	0	0	0.196	0	0	0.000	0.214	1.129
TCGA-LL-A9Q3	0.357	0.275	0	0	0	0.125	0	0.085	0	0	0.158	0	0	0.000	0.160	1.161
TCGA-PE-A5DC	0.006	0.521	0.048	0.069	0	0.207	0	0	0	0.148	0	0	0	0.000	0.219	1.152
TCGA-PE-A5DD	0.309	0	0	0	0	0.253	0	0.094	0.177	0.123	0.043	0	0	0.250	0.058	1.235
TCGA-S3-AA14	0.156	0.166	0	0	0	0.417	0	0.038	0.105	0.118	0	0	0	0.000	0.286	1.099
TCGA-UL-AAZ6	0	0.226	0.124	0	0.073	0.366	0.081	0	0	0.13	0	0	0	0.000	0.338	1.056
TCGA-UU-A93S	0.032	0	0	0.141	0.046	0.589	0.007	0	0	0.052	0.132	0	0	0.000	0.386	1.020