

Input Sample	Pearson													P-value	Correlation	RMSE
	BC_01	BC_02	BC_03	BC_03LN	BC_04	BC_05	BC_06	BC_07	BC_07LN	BC_08	BC_09	BC_10	BC_11			
TCGA-3C-AAAU	0.311	0.365	0	0.192	0.063	0	0	0	0.04	0	0	0.029	0	0.000	0.245	1.146
TCGA-3C-AALI	0	0	0	0.064	0.123	0.325	0.04	0	0.045	0.107	0.292	0	0	0.000	0.092	1.199
TCGA-3C-AALJ	0.214	0	0.132	0.16	0.015	0.092	0	0	0	0.067	0.32	0	0	0.000	0.060	1.224
TCGA-3C-AALK	0.19	0	0.03	0	0.042	0.173	0.034	0.205	0	0.326	0	0	0	0.000	0.114	1.190
TCGA-4H-AAAK	0.209	0	0.01	0	0	0.233	0	0.078	0	0.354	0	0.116	0	0.000	0.153	1.173
TCGA-5L-AAT0	0.05	0	0.11	0	0	0.17	0.013	0.055	0	0.269	0.333	0	0	1.000	-0.043	1.276
TCGA-5L-AAT1	0	0	0	0.118	0	0.01	0	0.104	0	0.107	0.637	0.024	0	0.000	0.147	1.227
TCGA-5T-A9QA	0.262	0.104	0	0.145	0.206	0.215	0	0.017	0	0	0	0.051	0	0.000	0.371	1.024
TCGA-A1-A05B	0.026	0	0	0	0.124	0	0	0	0.162	0.292	0	0.251	0.145	0.000	0.234	1.129
TCGA-A1-A05D	0.154	0.227	0.035	0.002	0	0.191	0	0.191	0	0.201	0	0	0	0.000	0.305	1.071
TCGA-A1-A05E	0.26	0	0.192	0.048	0	0.188	0	0	0	0.27	0	0	0.042	0.000	0.169	1.164
TCGA-A1-A05F	0.243	0	0.048	0.143	0.059	0.125	0	0.063	0	0.208	0.11	0	0	0.000	0.101	1.188
TCGA-A1-A05G	0.107	0.139	0.062	0.181	0	0.166	0	0	0	0.346	0	0	0	0.000	0.136	1.188
TCGA-A1-A05H	0.182	0	0.079	0	0	0.085	0	0.107	0	0.34	0	0	0.005	0.000	0.170	1.168
TCGA-A1-A05I	0	0	0	0.033	0	0.183	0	0.382	0.022	0.186	0.14	0	0.053	0.000	0.094	1.217
TCGA-A1-A05J	0.035	0.158	0.196	0.058	0.024	0.098	0	0	0	0.43	0	0	0	0.000	0.208	1.143
TCGA-A1-A05K	0.039	0	0.021	0.174	0.058	0.174	0	0	0.091	0.082	0	0.249	0.112	0.000	0.105	1.200
TCGA-A1-A05M	0.126	0	0.026	0	0.296	0.265	0.113	0	0	0.174	0	0	0	0.000	0.343	1.040
TCGA-A1-A05N	0.048	0	0.072	0	0.162	0.394	0.01	0	0	0.141	0.174	0	0	0.000	0.168	1.154
TCGA-A1-A05O	0	0	0	0.215	0.051	0.251	0	0	0.039	0.109	0	0.093	0.242	0.000	0.216	1.135
TCGA-A1-A05P	0.007	0	0	0.272	0.039	0	0.138	0.007	0	0.153	0.158	0.095	0.132	0.000	0.014	1.257
TCGA-A1-A05Q	0.397	0.288	0	0	0	0.243	0	0	0	0	0.072	0	0	0.000	0.325	1.091
TCGA-A2-A04N	0.087	0.173	0.069	0.07	0	0.16	0.001	0.088	0	0.244	0	0.108	0	0.000	0.161	1.163
TCGA-A2-A04P	0	0	0	0.143	0	0.017	0.106	0.168	0.234	0	0.084	0.206	0.04	0.000	0.210	1.143
TCGA-A2-A04Q	0	0	0	0.151	0	0	0.055	0.076	0.046	0	0.463	0.031	0.172	0.000	0.142	1.216
TCGA-A2-A04R	0.316	0.203	0.066	0.117	0	0.118	0	0	0	0.125	0	0.055	0	0.000	0.473	0.949
TCGA-A2-A04T	0	0	0	0.01	0	0.001	0	0	0	0.077	0.313	0.286	0.314	0.000	0.131	1.212
TCGA-A2-A04U	0.075	0	0	0.108	0	0.076	0.089	0.017	0	0.217	0	0.17	0.249	0.000	0.295	1.077
TCGA-A2-A04V	0.148	0.277	0	0.282	0.006	0.07	0	0.022	0	0.194	0	0	0	0.000	0.254	1.117
TCGA-A2-A04W	0	0	0	0	0.316	0.142	0.19	0.116	0.048	0.171	0	0.018	0	0.000	0.298	1.070
TCGA-A2-A04X	0.219	0	0	0.152	0.079	0.01	0.088	0	0.076	0	0.376	0	0	0.000	0.183	1.145
TCGA-A2-A04Y	0	0.035	0.286	0	0	0.266	0	0.079	0	0.187	0.147	0	0	0.000	0.265	1.087
TCGA-A2-A0CK	0	0.162	0	0.195	0	0.179	0	0.066	0	0.113	0.064	0.22	0	0.000	0.082	1.207
TCGA-A2-A0CL	0.027	0	0.248	0.136	0	0	0.079	0	0.017	0.016	0.476	0	0	0.000	0.145	1.210
TCGA-A2-A0CM	0	0	0	0.103	0.018	0	0	0	0.025	0.021	0.526	0.045	0.262	0.000	0.273	1.134
TCGA-A2-A0CO	0	0	0.217	0	0	0	0	0.314	0	0.135	0.314	0	0	0.000	0.010	1.288
TCGA-A2-A0CP	0.056	0	0.129	0	0	0.093	0	0.084	0	0.443	0	0.194	0	0.000	0.141	1.182
TCGA-A2-A0CQ	0.228	0.26	0	0.117	0	0.187	0	0.108	0	0	0.017	0.083	0	0.000	0.316	1.070
TCGA-A2-A0CR	0	0	0.139	0.029	0	0	0.165	0.084	0.117	0	0.467	0	0	0.000	0.081	1.246
TCGA-A2-A0CS	0.221	0.165	0	0.119	0	0.096	0	0.172	0	0.227	0	0	0	0.000	0.184	1.151
TCGA-A2-A0CT	0.255	0.189	0.151	0.076	0.051	0.113	0	0	0	0.05	0	0.114	0	0.000	0.263	1.108
TCGA-A2-A0CU	0.261	0.164	0.025	0.074	0	0.231	0	0	0	0.244	0	0	0	0.000	0.225	1.139
TCGA-A2-A0CV	0.089	0	0	0	0.02	0	0	0.376	0.216	0.125	0.053	0.12	0	0.000	0.182	1.172
TCGA-A2-A0CW	0.017	0.098	0.003	0.186	0	0.346	0	0.017	0	0.132	0.158	0	0.041	0.000	0.266	1.086
TCGA-A2-A0CX	0	0	0.05	0	0.118	0.363	0	0	0.163	0.196	0.078	0	0.032	0.000	0.262	1.095
TCGA-A2-A0CY	0.006	0	0	0	0.265	0.076	0.035	0.057	0	0.252	0	0.309	0	0.000	0.284	1.086
TCGA-A2-A0CZ	0.078	0	0.126	0	0	0	0	0.104	0	0.46	0.122	0.047	0.043	0.000	-0.023	1.281
TCGA-A2-A0D0	0.033	0	0	0.084	0.136	0	0.018	0	0	0.074	0.2	0.106	0.348	0.000	0.223	1.138
TCGA-A2-A0D1	0.002	0	0	0.104	0.106	0.421	0	0	0.108	0.125	0.067	0.067	0	0.000	0.231	1.118
TCGA-A2-A0D2	0.007	0	0	0.278	0	0	0	0	0	0.158	0.168	0.138	0.253	0.000	0.166	1.173
TCGA-A2-A0D3	0	0.121	0	0.062	0.058	0.26	0.136	0.033	0.091	0	0.064	0.175	0	0.000	0.253	1.094
TCGA-A2-A0D4	0.197	0.175	0	0.168	0.072	0.322	0	0	0	0.066	0	0	0	0.000	0.318	1.074
TCGA-A2-A0EM	0.25	0.033	0	0.079	0	0.3	0	0.122	0	0.216	0	0	0	0.000	0.261	1.099
TCGA-A2-A0EN	0	0	0.179	0.051	0	0	0	0.25	0	0.161	0.359	0	0	0.000	0.049	1.258
TCGA-A2-A0EO	0.192	0	0.091	0	0	0	0	0.209	0	0.418	0.03	0.061	0	0.000	0.136	1.178
TCGA-A2-A0EP	0	0	0.093	0.02	0	0	0.033	0.28	0	0.038	0.469	0.067	0	1.000	-0.045	1.332
TCGA-A2-A0EQ	0	0	0.018	0.266	0	0.111	0.105	0	0.049	0	0.451	0	0	0.000	0.164	1.184
TCGA-A2-A0ER	0.334	0.407	0	0.111	0	0.128	0	0.02	0	0	0	0	0	0.000	0.465	0.984
TCGA-A2-A0ES	0.051	0	0.097	0.069	0.115	0	0	0.199	0	0.299	0	0.17	0	0.000	0.080	1.213
TCGA-A2-A0ET	0.224	0.093	0.124	0.187	0	0.173	0	0.076	0	0	0.123	0	0	0.000	0.247	1.109
TCGA-A2-A0EU	0.275	0.339	0	0.089	0.026	0.014	0.164	0.072	0	0	0	0.021	0	0.000	0.309	1.084
TCGA-A2-A0EV	0	0.199	0.023	0.149	0	0.106	0	0.163	0	0.243	0.119	0	0	0.000	0.180	1.145
TCGA-A2-A0EW	0	0	0.167	0	0	0.18	0	0.215	0	0.242	0.089	0.106	0	0.000	-0.021	1.269

Input Sample	bc_01	BC_02	BC_03	BC_03LN	BC_04	BC_05	BC_06	BC_07	BC_07LN	BC_08	BC_09	BC_10	BC_11	P-value	Pearson	
															Correlation	RMSE
TCGA-A2-A0EX	0.11	0	0.025	0	0	0.177	0.11	0.183	0.016	0.379	0	0	0	0.000	0.135	1.177
TCGA-A2-A0EY	0	0	0.033	0	0	0.451	0.069	0.044	0.223	0.087	0.093	0	0	0.000	0.199	1.145
TCGA-A2-A0ST	0	0	0	0.146	0	0	0.119	0	0.175	0	0.508	0	0.052	0.000	0.143	1.217
TCGA-A2-A0SU	0.366	0.195	0.064	0.071	0.186	0	0.086	0.026	0	0.006	0	0	0	0.000	0.276	1.104
TCGA-A2-A0SV	0.03	0	0	0.089	0	0.213	0	0.003	0	0.277	0.352	0.036	0	0.000	0.216	1.114
TCGA-A2-A0SW	0.022	0	0.224	0	0	0.02	0	0.029	0.238	0	0.467	0	0	0.000	0.160	1.205
TCGA-A2-A0SX	0	0	0	0.15	0	0	0.066	0.035	0.16	0.162	0.283	0.037	0.107	0.000	0.026	1.261
TCGA-A2-A0SY	0.152	0	0.158	0.1	0	0.101	0.016	0.042	0	0.28	0.152	0	0	0.000	0.075	1.204
TCGA-A2-A0T0	0.057	0	0	0.078	0	0.149	0	0	0	0.151	0.126	0.341	0.098	0.000	0.278	1.079
TCGA-A2-A0T1	0	0	0.088	0	0.242	0	0.142	0.003	0.08	0	0.444	0	0	0.000	0.122	1.212
TCGA-A2-A0T2	0.074	0	0	0	0	0.108	0	0	0.086	0.248	0.198	0.236	0.05	0.000	0.246	1.095
TCGA-A2-A0T3	0.286	0.026	0.064	0.148	0.093	0.166	0	0.064	0	0.153	0	0	0	0.000	0.245	1.107
TCGA-A2-A0T4	0.256	0.166	0.156	0	0	0	0	0.048	0	0.141	0.234	0	0	0.000	-0.011	1.268
TCGA-A2-A0T5	0.224	0	0	0.17	0.07	0.227	0	0	0	0.255	0	0.053	0	0.000	0.210	1.130
TCGA-A2-A0T6	0	0	0.055	0.114	0	0	0	0.218	0	0.376	0.148	0.089	0	0.000	-0.025	1.282
TCGA-A2-A0T7	0.127	0	0	0	0	0.055	0	0.171	0	0.441	0	0.173	0.034	0.000	0.086	1.222
TCGA-A2-A0YC	0.222	0.302	0	0.037	0	0.215	0	0.044	0	0.082	0.098	0	0	0.000	0.230	1.133
TCGA-A2-A0YD	0.082	0	0.137	0	0	0	0	0.259	0	0.355	0.106	0.061	0	0.000	0.031	1.243
TCGA-A2-A0YE	0	0	0	0.136	0.095	0.097	0	0	0	0.383	0	0.137	0.152	0.000	0.235	1.122
TCGA-A2-A0YF	0.187	0.331	0	0.165	0.13	0.025	0	0.065	0	0	0	0.097	0	0.000	0.350	1.045
TCGA-A2-A0YG	0.106	0	0.022	0.143	0.086	0.502	0.071	0.029	0	0.04	0	0	0	0.000	0.428	0.985
TCGA-A2-A0YH	0	0.228	0.102	0.05	0	0.036	0.119	0	0	0.038	0.427	0	0	0.000	0.127	1.191
TCGA-A2-A0YI	0.236	0.03	0.07	0.08	0	0	0.032	0.335	0	0	0.216	0	0	0.000	0.066	1.228
TCGA-A2-A0YJ	0.043	0	0	0	0.114	0.035	0.146	0	0	0.216	0	0.308	0.139	0.000	0.301	1.075
TCGA-A2-A0YK	0	0	0.175	0.077	0	0	0.099	0.221	0.158	0	0.271	0	0	0.000	0.014	1.288
TCGA-A2-A0YL	0	0	0.075	0.114	0	0.088	0	0.224	0	0.333	0.035	0.094	0.037	0.000	0.063	1.226
TCGA-A2-A0YM	0	0	0	0.139	0.082	0.031	0.081	0	0	0.224	0.1	0.115	0.228	0.000	0.149	1.174
TCGA-A2-A0YT	0.27	0.092	0.101	0.061	0	0.18	0	0	0	0.119	0.178	0	0	0.000	0.317	1.049
TCGA-A2-A1FV	0.262	0.111	0.131	0.005	0	0.284	0	0	0	0.144	0	0.063	0	0.000	0.237	1.129
TCGA-A2-A1FW	0.273	0	0.02	0.303	0	0.248	0	0	0	0.087	0.068	0	0	0.000	0.245	1.112
TCGA-A2-A1FX	0.155	0.365	0.146	0.12	0	0.044	0	0	0	0	0.04	0.13	0	0.000	0.231	1.140
TCGA-A2-A1FZ	0.345	0.003	0	0	0	0.002	0	0.291	0	0.199	0.033	0.127	0	0.000	0.157	1.161
TCGA-A2-A1G0	0.103	0.105	0.207	0.065	0	0.069	0	0.045	0.014	0.325	0.067	0	0	0.000	0.108	1.195
TCGA-A2-A1G1	0.085	0	0	0.182	0.128	0.009	0.026	0.056	0	0.155	0.263	0	0.096	0.000	0.136	1.176
TCGA-A2-A1G4	0.088	0.318	0	0.257	0	0.219	0	0	0.08	0	0.039	0	0	0.000	0.314	1.078
TCGA-A2-A1G6	0.102	0	0.103	0	0	0	0.096	0.25	0	0.227	0	0.172	0.05	0.000	0.081	1.209
TCGA-A2-A2S9	0.214	0.025	0.233	0	0	0	0.264	0.19	0	0.033	0	0	0.041	1.000	-0.059	1.302
TCGA-A2-A25A	0	0	0.193	0	0	0	0	0.246	0	0.316	0.108	0.138	0	0.000	0.045	1.238
TCGA-A2-A25B	0.266	0	0	0.237	0.027	0.159	0	0.002	0	0.103	0.205	0	0	0.000	0.287	1.067
TCGA-A2-A25C	0.084	0.199	0.082	0.271	0	0.142	0	0.013	0	0.207	0.004	0	0	0.000	0.246	1.117
TCGA-A2-A25D	0	0.058	0.306	0.082	0	0	0.005	0.06	0	0	0.468	0	0	0.000	0.217	1.169
TCGA-A2-A25E	0.339	0	0.064	0.242	0.082	0.105	0.044	0	0	0.091	0.033	0	0	0.000	0.393	1.001
TCGA-A2-A25F	0	0	0.13	0.082	0	0	0.088	0.105	0	0	0.595	0	0	0.000	0.161	1.216
TCGA-A2-A3KC	0.084	0	0.103	0	0	0.217	0	0.128	0	0.301	0	0.168	0	0.000	0.116	1.189
TCGA-A2-A3KD	0.233	0.092	0.04	0	0	0.221	0	0.077	0	0.105	0.166	0.065	0	0.000	0.246	1.093
TCGA-A2-A3XS	0	0	0.114	0.065	0	0	0.218	0	0.03	0.302	0.002	0.245	0.023	0.000	0.088	1.213
TCGA-A2-A3XT	0	0	0	0.256	0	0.016	0	0.002	0	0.202	0.199	0.117	0.208	0.000	0.091	1.218
TCGA-A2-A3XU	0.031	0	0	0.142	0.008	0.099	0	0	0	0.151	0	0.401	0.168	0.000	0.313	1.070
TCGA-A2-A3XV	0.012	0	0	0	0.076	0.339	0	0.03	0.402	0.037	0.079	0.024	0	0.000	0.311	1.076
TCGA-A2-A3XW	0.05	0	0.077	0	0	0.07	0	0.035	0	0.385	0.187	0.196	0	0.000	0.049	1.227
TCGA-A2-A3XX	0	0	0	0.072	0	0	0.152	0	0.121	0.216	0	0.407	0.032	0.000	0.166	1.174
TCGA-A2-A3XY	0	0	0	0.085	0	0	0.047	0	0.055	0.398	0.113	0.141	0.16	0.000	0.024	1.263
TCGA-A2-A3XZ	0	0	0	0.142	0.19	0.108	0.256	0.069	0.026	0	0.208	0	0	0.000	0.098	1.201
TCGA-A2-A3Y0	0	0	0	0.108	0	0	0.088	0	0	0	0.55	0	0.244	0.000	0.172	1.210
TCGA-A2-A4RW	0.107	0	0.232	0	0	0.112	0	0.069	0	0.314	0.114	0.052	0	0.000	0.012	1.245
TCGA-A2-A4RX	0	0	0	0.085	0	0	0.095	0.135	0.077	0.307	0	0.113	0.188	0.000	0.105	1.214
TCGA-A2-A4RY	0	0	0.132	0.01	0	0	0.128	0	0.29	0.44	0	0	0	0.000	-0.002	1.287
TCGA-A2-A4S0	0.394	0.275	0	0.04	0	0.163	0	0	0	0	0.083	0.044	0	0.000	0.268	1.123
TCGA-A2-A4S1	0.065	0	0	0	0.037	0	0	0.03	0	0.247	0.426	0.181	0.014	0.000	0.100	1.205
TCGA-A2-A4S2	0	0.21	0.095	0	0	0.111	0	0.039	0	0.178	0.366	0	0	0.000	0.188	1.140
TCGA-A2-A4S3	0	0	0.093	0.175	0	0.306	0	0	0	0.014	0.431	0	0	0.000	0.198	1.147
TCGA-A7-A0CD	0.248	0.351	0.074	0.008	0	0.169	0	0	0	0.15	0	0	0	0.000	0.397	1.028
TCGA-A7-A0CE	0	0	0	0.017	0	0	0	0.298	0	0.285	0.102	0.298	0	0.000	-0.010	1.284
TCGA-A7-A0CG	0	0	0.119	0	0	0.154	0	0.211	0.243	0.052	0.221	0	0	0.000	0.056	1.250

Input Sample	Pearson														P-value	Correlation	RMSE
	BC_01	BC_02	BC_03	BC_03LN	BC_04	BC_05	BC_06	BC_07	BC_07LN	BC_08	BC_09	BC_10	BC_11				
TCGA-A7-A0CH	0	0	0	0	0	0	0	0	0.299	0.292	0.149	0.26	0	0.000	-0.016	1.290	
TCGA-A7-A0CJ	0.235	0.156	0.03	0.069	0.074	0.13	0	0	0	0.099	0.166	0.04	0	0.000	0.278	1.075	
TCGA-A7-A0D9	0.031	0	0.028	0	0.03	0	0	0	0	0.452	0.139	0.288	0.033	0.000	0.019	1.269	
TCGA-A7-A0DA	0.072	0	0	0.014	0	0.065	0	0	0	0.306	0	0.27	0.273	0.000	0.286	1.101	
TCGA-A7-A0DB	0	0	0.049	0	0	0	0	0	0	0.506	0.397	0.048	0	0.000	0.054	1.250	
TCGA-A7-A0DC	0.305	0.346	0	0.081	0.037	0.138	0	0	0	0.083	0	0.009	0	0.000	0.405	1.022	
TCGA-A7-A13D	0	0	0	0.147	0.108	0.067	0	0	0	0.36	0	0.156	0.162	0.000	0.245	1.116	
TCGA-A7-A13E	0	0	0	0.012	0	0.131	0.062	0	0	0.205	0	0.3	0.29	0.000	0.252	1.124	
TCGA-A7-A13F	0.272	0.153	0.139	0.141	0	0.107	0	0.109	0	0.08	0	0	0	0.000	0.354	1.038	
TCGA-A7-A13G	0.128	0.25	0	0.159	0	0.269	0	0.166	0	0	0	0.027	0	0.000	0.322	1.066	
TCGA-A7-A13H	0.055	0	0	0.062	0	0.172	0	0.148	0	0.16	0.36	0.043	0	1.000	-0.061	1.290	
TCGA-A7-A26E	0.253	0.037	0.083	0.072	0	0.252	0	0.036	0	0.12	0.002	0.146	0	0.000	0.229	1.120	
TCGA-A7-A26F	0.043	0	0	0.034	0.086	0.04	0.077	0.144	0	0.196	0.244	0.008	0.128	0.000	0.095	1.201	
TCGA-A7-A26G	0.008	0	0	0.214	0	0	0.011	0.247	0.06	0.256	0.016	0	0.187	0.000	0.158	1.187	
TCGA-A7-A26H	0.169	0.111	0.002	0	0	0.114	0	0.092	0	0.157	0.271	0.085	0	0.000	0.182	1.130	
TCGA-A7-A26I	0.054	0	0	0.097	0	0.189	0	0	0	0.271	0.02	0.223	0.145	0.000	0.202	1.140	
TCGA-A7-A26J	0.307	0.018	0.047	0.132	0.016	0.105	0	0	0	0.297	0.071	0.008	0	0.000	0.314	1.054	
TCGA-A7-A2KD	0	0	0.011	0.172	0.064	0.363	0	0	0	0.16	0.23	0	0	0.000	0.177	1.145	
TCGA-A7-A3IY	0.075	0.179	0	0	0	0	0	0.073	0	0.107	0.212	0.355	0	0.000	0.157	1.157	
TCGA-A7-A3IZ	0.113	0.372	0	0.168	0	0.29	0	0.024	0	0	0	0.033	0	0.000	0.301	1.102	
TCGA-A7-A3J0	0.354	0	0	0.23	0.031	0.187	0	0	0	0	0.197	0	0	0.000	0.149	1.171	
TCGA-A7-A3J1	0	0	0.05	0.006	0	0.217	0.175	0	0.052	0.018	0.482	0	0	0.000	0.043	1.243	
TCGA-A7-A3RF	0.342	0.196	0	0.126	0	0.16	0	0	0	0.061	0.079	0.032	0	0.000	0.226	1.135	
TCGA-A7-A425	0	0.17	0	0	0	0.214	0	0	0.055	0.22	0.165	0.176	0	0.000	0.012	1.246	
TCGA-A7-A426	0.02	0.015	0.168	0	0	0.191	0	0.025	0	0.44	0.141	0	0	0.000	0.022	1.246	
TCGA-A7-A45A	0.089	0	0.213	0.008	0	0.18	0	0	0	0.178	0.332	0	0	0.000	-0.027	1.270	
TCGA-A7-A45B	0.124	0.122	0	0.173	0	0.303	0	0	0.02	0.258	0	0	0	0.000	0.298	1.077	
TCGA-A7-A45C	0.082	0	0	0	0	0.322	0	0.224	0.135	0.223	0.014	0	0	0.000	0.047	1.243	
TCGA-A7-A45D	0	0	0	0.174	0.043	0	0	0.002	0	0.192	0.338	0.024	0.227	0.000	0.137	1.198	
TCGA-A7-A45E	0.008	0	0	0.153	0.027	0	0.142	0.02	0	0.256	0.009	0.035	0.35	0.000	0.142	1.198	
TCGA-A7-A45F	0.111	0.093	0.028	0.143	0.054	0.342	0.079	0	0	0.086	0.065	0	0	0.000	0.250	1.105	
TCGA-A7-A56D	0	0.18	0	0.121	0	0.117	0	0	0	0.261	0.249	0.072	0	0.000	0.242	1.097	
TCGA-A7-A5ZV	0.007	0	0	0.181	0.029	0.05	0	0	0	0.238	0	0.283	0.212	0.000	0.154	1.182	
TCGA-A7-A5ZW	0.126	0	0.097	0.014	0.023	0	0	0.322	0	0.367	0	0.051	0	0.000	0.064	1.230	
TCGA-A7-A5ZX	0	0	0.044	0	0	0.306	0	0.111	0	0.432	0	0.108	0	0.000	0.138	1.189	
TCGA-A7-A6VV	0.044	0	0	0.057	0.048	0	0	0.072	0.011	0.123	0.031	0.392	0.222	0.000	0.199	1.155	
TCGA-A7-A6VW	0	0	0	0.184	0.074	0.06	0	0	0	0.219	0.106	0.202	0.155	0.000	0.146	1.172	
TCGA-A7-A6VX	0.07	0.153	0	0.086	0	0.228	0	0.183	0	0.279	0	0	0	0.000	0.276	1.086	
TCGA-A7-A6VY	0	0	0	0.16	0.05	0	0	0	0.016	0.015	0.286	0.219	0.254	0.000	0.107	1.218	
TCGA-A8-A06N	0.049	0.438	0.034	0.102	0	0.264	0	0	0	0.042	0.07	0	0	0.000	0.378	1.036	
TCGA-A8-A06O	0.103	0.229	0	0.264	0	0.083	0.037	0	0	0.136	0.088	0.06	0	0.000	0.381	1.006	
TCGA-A8-A06P	0.123	0	0.151	0	0	0.142	0	0	0	0.39	0.061	0.132	0	0.000	0.113	1.190	
TCGA-A8-A06Q	0.305	0	0	0.138	0	0.378	0.079	0.035	0.022	0.032	0	0	0.012	0.000	0.359	1.038	
TCGA-A8-A06R	0	0	0	0.167	0.099	0.031	0	0	0.067	0.247	0.354	0.034	0	0.000	0.172	1.158	
TCGA-A8-A06T	0.228	0.316	0.005	0.18	0	0.04	0	0	0	0.03	0.201	0	0	0.000	0.349	1.041	
TCGA-A8-A06U	0.224	0.132	0	0.04	0.124	0.03	0.091	0.082	0	0	0.272	0	0.005	0.000	0.324	1.039	
TCGA-A8-A06X	0.111	0.108	0	0.229	0.04	0.114	0	0	0	0.181	0.216	0	0	0.000	0.308	1.051	
TCGA-A8-A06Y	0.311	0.245	0	0.063	0.06	0.162	0	0.017	0.025	0.056	0	0.06	0	0.000	0.351	1.051	
TCGA-A8-A06Z	0.143	0.282	0	0.052	0	0.305	0	0	0	0.139	0.079	0	0	0.000	0.430	0.981	
TCGA-A8-A075	0	0	0	0.247	0.128	0.192	0	0	0.036	0	0.313	0.084	0	0.000	0.124	1.189	
TCGA-A8-A076	0.004	0	0	0.062	0.139	0.465	0	0	0	0.211	0.12	0	0	0.000	0.234	1.117	
TCGA-A8-A079	0.177	0.035	0	0.188	0	0.322	0	0	0	0.119	0.126	0.033	0	0.000	0.289	1.070	
TCGA-A8-A07B	0.085	0	0	0.062	0	0.5	0.018	0.166	0	0.137	0	0.033	0	0.000	0.345	1.044	
TCGA-A8-A07C	0.006	0	0	0.303	0	0.147	0.004	0	0.037	0.029	0.281	0.047	0.146	0.000	0.157	1.176	
TCGA-A8-A07E	0.196	0	0.055	0	0	0.091	0	0.219	0	0.352	0.088	0	0	0.000	-0.026	1.270	
TCGA-A8-A07F	0.191	0.077	0	0.104	0	0.145	0.044	0.172	0	0.077	0.022	0.167	0	0.000	0.174	1.144	
TCGA-A8-A07G	0.345	0	0	0	0	0.045	0	0.091	0.183	0.336	0	0	0	0.000	0.159	1.169	
TCGA-A8-A07I	0.127	0.145	0	0.213	0.098	0.07	0	0	0	0.141	0.207	0	0	0.000	0.246	1.096	
TCGA-A8-A07J	0.204	0	0	0	0	0.09	0	0	0	0.473	0.233	0	0	0.000	0.045	1.231	
TCGA-A8-A07L	0.237	0.138	0	0.203	0	0.131	0	0	0	0.237	0	0.02	0.034	0.000	0.300	1.075	
TCGA-A8-A07O	0.075	0	0	0.14	0.147	0.083	0	0	0	0.047	0.113	0.184	0.209	0.000	0.159	1.162	
TCGA-A8-A07P	0.266	0.16	0.185	0.106	0	0.18	0	0	0	0.058	0	0.045	0	0.000	0.392	1.016	
TCGA-A8-A07R	0	0	0	0.155	0.019	0.179	0	0	0.007	0.134	0	0.262	0.245	0.000	0.243	1.118	
TCGA-A8-A07S	0.123	0.109	0	0.113	0	0.438	0	0	0	0	0.023	0.195	0	0.000	0.279	1.098	

Input Sample	Pearson													P-value	Correlation	RMSE
	BC_01	BC_02	BC_03	BC_03LN	BC_04	BC_05	BC_06	BC_07	BC_07LN	BC_08	BC_09	BC_10	BC_11			
TCGA-A8-A07U	0	0	0	0.228	0	0	0.052	0	0.096	0	0.565	0	0.06	0.000	0.198	1.193
TCGA-A8-A07W	0	0.174	0	0.177	0	0.323	0	0	0	0.02	0.176	0.13	0	0.000	0.226	1.115
TCGA-A8-A07Z	0.255	0.291	0.006	0.088	0	0.124	0	0	0	0.096	0.141	0	0	0.000	0.287	1.087
TCGA-A8-A081	0	0.092	0.171	0.071	0	0.283	0	0	0	0	0.383	0	0	0.000	0.143	1.180
TCGA-A8-A082	0.125	0.162	0	0.219	0	0.282	0	0.016	0	0.176	0.006	0.015	0	0.000	0.239	1.121
TCGA-A8-A083	0.188	0.254	0	0.102	0	0.183	0.007	0	0	0.154	0.113	0	0	0.000	0.328	1.051
TCGA-A8-A084	0	0.212	0	0.02	0	0.379	0	0.148	0.083	0.064	0.066	0	0.028	0.000	0.305	1.072
TCGA-A8-A085	0.323	0.122	0	0.143	0.099	0.157	0	0	0	0.102	0	0.029	0.025	0.000	0.274	1.098
TCGA-A8-A086	0.121	0.334	0	0.029	0	0.149	0.02	0	0	0.28	0.052	0	0.014	0.000	0.249	1.121
TCGA-A8-A08A	0.151	0.082	0.077	0	0	0.26	0	0.188	0	0	0.045	0.198	0	0.000	0.153	1.164
TCGA-A8-A08B	0	0	0	0.046	0.16	0.436	0.171	0	0.05	0.018	0.119	0	0	0.000	0.405	0.990
TCGA-A8-A08C	0.236	0	0	0.076	0	0.341	0	0.03	0.074	0.134	0.109	0	0	0.000	0.278	1.077
TCGA-A8-A08F	0	0.282	0	0.133	0.002	0.134	0	0	0	0	0.433	0.017	0	0.000	0.134	1.190
TCGA-A8-A08G	0.206	0.351	0	0.023	0	0.13	0	0	0	0.122	0.169	0	0	0.000	0.301	1.078
TCGA-A8-A08H	0	0	0	0	0	0	0.123	0	0	0.107	0.687	0.163	0	0.000	0.060	1.260
TCGA-A8-A08I	0	0.179	0	0.143	0	0	0	0	0.058	0	0.619	0	0	0.000	0.145	1.221
TCGA-A8-A08J	0	0.049	0.1	0.073	0.305	0.276	0	0	0	0.11	0.04	0.047	0	0.000	0.274	1.092
TCGA-A8-A08L	0.074	0	0.008	0.17	0.103	0.241	0	0	0.036	0	0.327	0.04	0	0.000	0.047	1.231
TCGA-A8-A08O	0.209	0.126	0	0.164	0	0.192	0	0	0	0.308	0	0	0	0.000	0.339	1.047
TCGA-A8-A08P	0	0	0.021	0.046	0.008	0.179	0	0	0	0.048	0.698	0	0	0.000	0.310	1.100
TCGA-A8-A08R	0	0	0	0.2	0	0	0.042	0	0.039	0.012	0.394	0.19	0.123	0.000	0.142	1.193
TCGA-A8-A08S	0.105	0.23	0	0.174	0	0.356	0	0	0	0.101	0.034	0	0	0.000	0.325	1.066
TCGA-A8-A08T	0.256	0.106	0	0.161	0	0.226	0	0.037	0	0.106	0	0.108	0	0.000	0.283	1.086
TCGA-A8-A08X	0	0	0	0.057	0	0	0.227	0.087	0.247	0.219	0.099	0.065	0	0.000	0.186	1.150
TCGA-A8-A08Z	0.076	0	0	0.166	0.076	0.06	0	0	0	0.314	0.125	0.163	0	0.000	0.093	1.196
TCGA-A8-A090	0.154	0.248	0	0.007	0	0.147	0	0	0	0.086	0.323	0.035	0	0.000	0.215	1.119
TCGA-A8-A091	0.058	0.391	0	0.029	0	0.408	0	0	0	0	0.114	0	0	0.000	0.231	1.151
TCGA-A8-A092	0.092	0.008	0	0.164	0.091	0.343	0.128	0	0	0.082	0.061	0.032	0	0.000	0.363	1.018
TCGA-A8-A093	0.169	0.279	0.002	0.038	0	0.242	0	0.004	0	0.221	0	0.045	0	0.000	0.310	1.082
TCGA-A8-A094	0	0	0	0.001	0.047	0.218	0	0.247	0	0	0.487	0	0	0.000	0.173	1.180
TCGA-A8-A095	0.24	0	0	0.201	0	0.214	0	0.138	0	0.207	0	0	0	0.000	0.195	1.138
TCGA-A8-A096	0.155	0.011	0.017	0	0.06	0	0	0.156	0	0.104	0.497	0	0	0.000	0.084	1.226
TCGA-A8-A097	0	0	0.004	0.089	0.391	0.265	0	0	0	0.248	0.003	0	0	0.000	0.248	1.119
TCGA-A8-A099	0.376	0.171	0	0.043	0	0.258	0	0.031	0.059	0	0.016	0.045	0	0.000	0.347	1.057
TCGA-A8-A09A	0.151	0	0.37	0	0	0.159	0	0.026	0	0.166	0.127	0	0	0.000	0.230	1.116
TCGA-A8-A09B	0.17	0.392	0.089	0.071	0	0.094	0	0.028	0	0.086	0	0.071	0	0.000	0.330	1.072
TCGA-A8-A09C	0.269	0.155	0.08	0.093	0	0.131	0	0.023	0	0.104	0	0.145	0	0.000	0.305	1.072
TCGA-A8-A09D	0.134	0	0	0.113	0	0.101	0	0	0	0.282	0.238	0.096	0.037	0.000	0.040	1.222
TCGA-A8-A09E	0.133	0.391	0.039	0.09	0.01	0.191	0	0	0	0.108	0	0.039	0	0.000	0.479	0.952
TCGA-A8-A09G	0	0	0	0	0	0.345	0.098	0.187	0.26	0	0.111	0	0	0.000	0.268	1.102
TCGA-A8-A09I	0	0	0	0.18	0.122	0.399	0	0.007	0	0.022	0.27	0	0	0.000	0.332	1.044
TCGA-A8-A09K	0.253	0.045	0.126	0.154	0	0.119	0	0	0	0	0.361	0	0	0.000	0.174	1.154
TCGA-A8-A09M	0.143	0.235	0	0.268	0	0.057	0	0	0	0	0.296	0	0	0.000	0.283	1.086
TCGA-A8-A09N	0.346	0	0.013	0.079	0	0.247	0	0.052	0	0.07	0.193	0	0	0.000	0.233	1.106
TCGA-A8-A09Q	0.121	0	0.106	0.15	0	0.075	0	0	0.069	0	0.336	0.143	0	0.000	0.118	1.186
TCGA-A8-A09R	0	0.199	0.096	0	0.199	0.033	0.074	0.014	0	0.015	0.325	0.044	0	0.000	0.156	1.164
TCGA-A8-A09T	0.106	0.19	0	0.199	0	0.192	0	0.021	0	0.119	0	0.173	0	0.000	0.310	1.063
TCGA-A8-A09V	0.16	0.17	0	0.138	0	0.198	0	0	0.059	0.191	0	0.084	0	0.000	0.173	1.161
TCGA-A8-A09W	0.098	0	0	0.193	0	0.412	0	0.072	0	0.152	0.051	0	0.021	0.000	0.274	1.087
TCGA-A8-A09X	0.012	0	0.072	0	0	0.108	0.031	0.015	0.248	0.08	0.433	0	0	0.000	0.081	1.231
TCGA-A8-A09Z	0.064	0.009	0	0.178	0.062	0.087	0	0	0	0.112	0.488	0	0	0.000	0.251	1.111
TCGA-A8-A0A1	0.138	0.074	0	0	0	0.14	0	0.136	0	0.067	0.444	0	0	0.000	0.030	1.243
TCGA-A8-A0A2	0.195	0.385	0.046	0.166	0	0.103	0	0.019	0	0	0.136	0.029	0	0.000	0.217	1.138
TCGA-A8-A0A4	0.001	0.158	0	0.099	0	0.274	0	0	0	0.453	0	0.015	0	0.000	0.108	1.216
TCGA-A8-A0A6	0	0	0.032	0.088	0	0.09	0.047	0.239	0	0	0.504	0	0	0.000	0.172	1.191
TCGA-A8-A0A7	0	0	0.169	0.074	0	0.003	0.113	0	0.108	0.013	0.519	0	0	0.000	0.217	1.161
TCGA-A8-A0A9	0.114	0.354	0	0.001	0.032	0.138	0	0	0	0.204	0.156	0	0	0.000	0.306	1.070
TCGA-A8-A0AB	0.06	0.22	0	0.11	0.035	0.368	0	0	0	0.06	0	0.146	0	0.000	0.285	1.095
TCGA-A8-A0AD	0.214	0.225	0	0.095	0	0.07	0	0.131	0	0.081	0.055	0.128	0	0.000	0.191	1.142
TCGA-AC-A23C	0.158	0	0.001	0.082	0	0.285	0.143	0	0.04	0.084	0.206	0	0	0.000	0.191	1.126
TCGA-AC-A23E	0.172	0	0.018	0.03	0	0.204	0	0.111	0	0.391	0.03	0.044	0	0.000	0.195	1.137
TCGA-AC-A23G	0.13	0	0.015	0	0	0	0	0.166	0	0.472	0.018	0.199	0	0.000	0.059	1.241
TCGA-AC-A23H	0.049	0	0	0	0	0	0	0	0	0.466	0.095	0.185	0.204	0.000	0.007	1.290
TCGA-AC-A2B8	0	0	0.069	0.02	0	0.07	0	0.138	0	0.358	0.197	0.148	0	0.000	0.017	1.248

Input Sample	BC													P-value	Pearson	
	01	02	03	03LN	04	05	06	07	07LN	08	09	10	11		Correlation	RMSE
TCGA-AC-A2BK	0	0	0	0.24	0.028	0.131	0	0.053	0	0.134	0	0.133	0.281	0.000	0.257	1.109
TCGA-AC-A2BM	0.203	0.431	0.023	0.171	0	0	0	0	0	0	0.172	0	0	0.000	0.276	1.111
TCGA-AC-A2FB	0	0	0.11	0.08	0	0.093	0.174	0.061	0	0.027	0.455	0	0	0.000	0.092	1.220
TCGA-AC-A2FE	0	0	0.298	0	0	0.06	0	0.169	0	0.085	0.38	0.007	0	0.000	0.086	1.234
TCGA-AC-A2FF	0.013	0	0	0.016	0	0.064	0.055	0.048	0.065	0.262	0.171	0.15	0.156	0.000	-0.030	1.283
TCGA-AC-A2FG	0.031	0.242	0	0	0	0.134	0.102	0.189	0.014	0.258	0	0	0.031	0.000	0.104	1.205
TCGA-AC-A2FK	0	0	0	0	0	0	0.073	0.231	0.237	0.178	0	0.108	0.173	0.000	0.085	1.244
TCGA-AC-A2FM	0	0	0.089	0	0	0	0.006	0.234	0	0.185	0.063	0.376	0.046	0.000	0.059	1.237
TCGA-AC-A2FO	0	0	0.319	0.106	0	0	0	0.134	0	0.16	0.281	0	0	0.000	0.051	1.255
TCGA-AC-A2QH	0.09	0	0	0	0.139	0	0	0	0	0.439	0	0.143	0.188	0.000	0.110	1.219
TCGA-AC-A2QI	0.005	0	0.004	0	0	0.239	0	0.054	0.112	0.353	0.129	0.104	0	0.000	0.020	1.247
TCGA-AC-A2QJ	0	0	0	0	0	0	0.03	0.059	0	0.236	0.442	0.233	0	0.000	0.101	1.213
TCGA-AC-A3BB	0.019	0	0.179	0	0	0	0	0.181	0.075	0.168	0.377	0	0	0.000	0.004	1.283
TCGA-AC-A3EH	0	0.04	0	0.071	0	0.504	0	0.078	0	0.178	0.013	0.116	0	0.000	0.250	1.115
TCGA-AC-A3HN	0	0	0	0.024	0	0.208	0	0.072	0.106	0.232	0.292	0.067	0	1.000	-0.075	1.298
TCGA-AC-A3OD	0.038	0	0.134	0	0	0	0.155	0.082	0	0	0.59	0	0	0.000	0.050	1.276
TCGA-AC-A3QP	0	0	0	0	0	0.082	0.084	0.13	0	0.272	0.212	0.22	0	0.000	0.120	1.180
TCGA-AC-A3QQ	0	0.084	0	0.149	0.151	0.255	0.109	0	0	0.127	0.076	0.049	0	0.000	0.235	1.106
TCGA-AC-A3TM	0.065	0.04	0.041	0.088	0	0.26	0	0	0	0.096	0.228	0.182	0	0.000	0.130	1.165
TCGA-AC-A3TN	0.136	0.202	0.041	0.015	0	0.389	0	0.043	0	0.098	0	0.076	0	0.000	0.296	1.091
TCGA-AC-A3W5	0	0	0.011	0	0	0.183	0.035	0.236	0.047	0.304	0.184	0	0	0.000	0.006	1.256
TCGA-AC-A3W6	0.02	0	0.229	0	0	0.064	0	0.145	0	0.32	0.223	0	0	1.000	-0.098	1.319
TCGA-AC-A3W7	0.092	0.065	0	0	0.011	0.383	0	0.192	0.111	0.146	0	0	0	0.000	0.193	1.151
TCGA-AC-A3YI	0	0	0	0	0.117	0.006	0	0.176	0	0.348	0.012	0.34	0	0.000	0.080	1.233
TCGA-AC-A3YJ	0.346	0.306	0	0.104	0	0.074	0	0.052	0	0	0.077	0.041	0	0.000	0.306	1.086
TCGA-AC-A4ZE	0.184	0.103	0.151	0	0	0.379	0	0	0.007	0.131	0.045	0	0	0.000	0.201	1.151
TCGA-AC-A5EH	0.094	0	0	0	0	0.322	0	0.061	0	0.389	0.012	0.12	0	0.000	0.103	1.211
TCGA-AC-A5XS	0	0.07	0.1	0.091	0	0.126	0	0.085	0	0.206	0.322	0	0	0.000	0.108	1.190
TCGA-AC-A5XU	0.096	0.244	0.012	0.235	0.145	0	0	0	0	0.115	0	0.153	0	0.000	0.066	1.230
TCGA-AC-A62V	0.097	0.24	0.096	0.107	0	0.097	0	0	0	0.118	0	0.243	0	0.000	0.251	1.109
TCGA-AC-A62X	0	0	0	0	0	0.233	0	0	0.021	0.098	0	0.341	0.368	0.000	0.339	1.062
TCGA-AC-A62Y	0.091	0.358	0	0.079	0	0	0	0.146	0	0	0.143	0.183	0	0.000	0.262	1.096
TCGA-AC-A6IV	0	0	0.09	0	0	0	0	0.048	0	0.351	0.432	0.08	0	1.000	-0.095	1.336
TCGA-AC-A6IW	0.008	0	0	0.138	0.018	0	0.096	0	0.019	0	0.482	0.154	0.165	0.000	0.100	1.220
TCGA-AC-A6IX	0.07	0	0.083	0	0	0.243	0	0.052	0	0.275	0.098	0.18	0	0.000	0.030	1.235
TCGA-AC-A6IX.1	0.07	0	0.083	0	0	0.243	0	0.052	0	0.275	0.098	0.18	0	0.000	0.030	1.235
TCGA-AC-A6NO	0.057	0.135	0	0.197	0	0.426	0	0	0	0.184	0	0	0	0.000	0.207	1.151
TCGA-AC-A7VB	0	0.365	0	0.117	0	0.228	0	0	0	0.201	0.149	0	0	0.000	0.362	1.022
TCGA-AC-A7YC	0	0	0	0.251	0.121	0	0	0.06	0	0.452	0.034	0.058	0.024	0.000	0.087	1.219
TCGA-AC-A8OP	0.135	0	0.141	0.008	0	0.269	0	0	0.053	0.263	0.115	0.017	0	0.000	0.096	1.194
TCGA-AC-A8OQ	0	0	0	0.296	0	0	0	0	0.036	0.299	0.262	0.017	0.09	0.000	-0.022	1.292
TCGA-AC-A8OR	0.326	0.258	0	0.048	0.075	0.008	0	0	0	0.037	0.099	0.149	0	0.000	0.317	1.063
TCGA-AC-A8OS	0.02	0	0.058	0	0	0.293	0	0	0.349	0.167	0.114	0	0	1.000	-0.056	1.307
TCGA-AN-A03X	0.171	0.167	0.04	0	0.021	0.077	0	0	0	0.327	0.055	0.142	0	0.000	0.215	1.129
TCGA-AN-A03Y	0.019	0.122	0.103	0.16	0	0.295	0	0.015	0	0	0.11	0.176	0	0.000	0.272	1.084
TCGA-AN-A041	0.159	0	0	0.268	0.148	0.202	0	0.032	0	0.19	0	0	0	0.000	0.221	1.123
TCGA-AN-A046	0.093	0.071	0.063	0.05	0	0	0	0.186	0.003	0.053	0.48	0	0	0.000	0.284	1.096
TCGA-AN-A049	0.255	0.203	0	0.024	0.043	0.068	0.027	0	0	0.167	0.213	0	0	0.000	0.385	0.998
TCGA-AN-A04A	0.282	0.142	0	0.154	0.151	0	0	0	0	0.171	0	0.1	0	0.000	0.363	1.024
TCGA-AN-A04C	0	0	0	0	0.211	0.296	0.216	0.163	0.079	0	0	0.036	0	0.000	0.367	1.022
TCGA-AN-A04D	0	0	0	0.131	0	0.238	0.026	0	0.082	0.112	0	0.256	0.155	0.000	0.286	1.082
TCGA-AN-A0AJ	0.126	0	0	0.257	0.009	0.063	0	0.035	0	0.03	0.479	0	0	0.000	0.153	1.187
TCGA-AN-A0AK	0.223	0	0	0.231	0.084	0.195	0	0	0	0.032	0.191	0.043	0	0.000	0.259	1.086
TCGA-AN-A0AL	0	0	0	0.37	0	0	0.016	0	0.202	0.201	0.071	0.141	0	0.000	0.115	1.208
TCGA-AN-A0AM	0.086	0	0	0.111	0.02	0.133	0	0	0	0.119	0.482	0	0.05	0.000	0.180	1.154
TCGA-AN-A0AR	0.056	0	0.072	0.027	0	0.089	0	0	0.02	0.254	0	0.326	0.155	0.000	0.243	1.119
TCGA-AN-A0AS	0.036	0.06	0	0	0	0.111	0	0.021	0	0.38	0.234	0.158	0	0.000	0.210	1.123
TCGA-AN-A0AT	0.073	0	0	0.209	0.105	0.036	0.128	0	0	0	0.112	0.058	0.28	0.000	0.144	1.182
TCGA-AN-A0FD	0.246	0.262	0	0.118	0.011	0	0	0.01	0	0.249	0.103	0	0	0.000	0.285	1.085
TCGA-AN-A0FF	0.234	0.385	0	0.163	0	0.056	0	0	0	0.057	0.144	0	0	0.000	0.332	1.059
TCGA-AN-A0FJ	0.118	0	0	0.037	0	0.218	0	0	0.186	0.027	0	0.188	0.225	0.000	0.087	1.222
TCGA-AN-A0FK	0.196	0.189	0	0.068	0	0.312	0	0	0.161	0.073	0	0	0	0.000	0.336	1.056
TCGA-AN-A0FL	0.055	0	0	0.054	0	0.17	0.071	0.051	0	0.224	0	0.311	0.064	0.000	0.304	1.067
TCGA-AN-A0FN	0.057	0	0.188	0.034	0	0	0	0.17	0.058	0.224	0.269	0	0	1.000	-0.055	1.301



Input Sample	BC													P-value	Pearson	
	01	02	03	03LN	04	05	06	07	07LN	08	09	10	11		Correlation	RMSE
TCGA-AN-A0F5	0.138	0.089	0.024	0	0	0.254	0	0.171	0	0.255	0	0.069	0	0.000	0.159	1.165
TCGA-AN-A0FT	0	0	0.234	0	0.155	0.446	0	0	0.008	0.124	0	0.033	0	0.000	0.303	1.081
TCGA-AN-A0FV	0.068	0	0	0.116	0.057	0.464	0	0	0	0.278	0	0	0.016	0.000	0.284	1.092
TCGA-AN-A0FW	0.465	0	0.13	0	0.117	0	0	0.114	0	0.098	0.037	0.038	0	0.000	0.264	1.097
TCGA-AN-A0FX	0	0	0.01	0	0	0.076	0.026	0	0.019	0.274	0	0.281	0.314	0.000	0.189	1.177
TCGA-AN-A0FY	0.12	0	0	0.226	0	0.273	0	0	0	0.19	0.001	0.189	0	0.000	0.202	1.136
TCGA-AN-A0FZ	0.073	0.144	0	0.194	0.009	0.254	0	0	0	0.326	0	0	0	0.000	0.315	1.064
TCGA-AN-A0G0	0.008	0	0	0.215	0.093	0.155	0	0	0	0.128	0.021	0.17	0.21	0.000	0.205	1.137
TCGA-AN-A0XL	0.14	0	0.123	0	0.024	0.247	0	0	0.018	0.39	0	0.058	0	0.000	0.055	1.237
TCGA-AN-A0XN	0.073	0	0	0.083	0.061	0	0	0.09	0	0.391	0.142	0.114	0.046	0.000	0.226	1.114
TCGA-AN-A0XO	0.188	0.127	0	0.098	0	0.191	0	0.156	0	0.203	0	0.038	0	0.000	0.290	1.074
TCGA-AN-A0XP	0.117	0.291	0	0	0	0.362	0	0.076	0	0.099	0.052	0	0.003	0.000	0.367	1.036
TCGA-AN-A0XR	0	0.198	0	0.175	0	0.387	0	0.012	0	0.038	0.073	0	0.116	0.000	0.402	1.000
TCGA-AN-A0XS	0	0.152	0.094	0.192	0	0	0	0	0.065	0.173	0.188	0.137	0	0.000	0.055	1.225
TCGA-AN-A0XT	0.252	0.278	0.19	0.034	0	0.101	0	0	0	0.12	0	0.011	0.013	0.000	0.302	1.094
TCGA-AN-A0XU	0.018	0	0	0.112	0.022	0.059	0	0	0.079	0	0.18	0.178	0.353	0.000	0.170	1.178
TCGA-AN-A0XV	0.343	0.185	0.087	0	0	0.032	0	0.193	0	0.108	0.051	0	0	0.000	0.255	1.107
TCGA-AN-A0XW	0.11	0	0.08	0	0.064	0	0	0.265	0	0	0.48	0	0	0.000	0.193	1.172
TCGA-AO-A03L	0.801	0	0	0.159	0.118	0.386	0.025	0.064	0	0.154	0.071	0	0.041	0.000	0.242	1.107
TCGA-AO-A03M	0.096	0	0.192	0.175	0	0	0	0.027	0	0	0.51	0	0	0.000	0.232	1.152
TCGA-AO-A03N	0.164	0	0	0.011	0.103	0.226	0	0.062	0.139	0.166	0	0.129	0	0.000	0.235	1.108
TCGA-AO-A03O	0.051	0	0	0.133	0	0.354	0	0.03	0	0	0.399	0	0.033	0.000	0.278	1.083
TCGA-AO-A03P	0.258	0.186	0	0.254	0.112	0.064	0	0	0	0.096	0.028	0	0	0.000	0.436	0.972
TCGA-AO-A03R	0.139	0.034	0.116	0.162	0	0.165	0	0.082	0	0	0.303	0	0	0.000	0.258	1.095
TCGA-AO-A03T	0.083	0.337	0.119	0.112	0.145	0	0	0	0	0	0.121	0	0.084	0.000	0.345	1.047
TCGA-AO-A03U	0.008	0	0	0	0	0.096	0	0.189	0	0.211	0.319	0.121	0.055	0.000	0.135	1.179
TCGA-AO-A03V	0.274	0	0	0.075	0	0.328	0	0.012	0	0.255	0	0	0.057	0.000	0.228	1.129
TCGA-AO-A0J2	0	0	0	0.086	0.019	0.278	0	0.039	0.102	0	0.312	0	0.165	0.000	0.296	1.076
TCGA-AO-A0J3	0.082	0.501	0	0.265	0	0.139	0	0	0	0	0	0.013	0	0.000	0.316	1.103
TCGA-AO-A0J4	0	0	0.029	0.122	0	0	0.333	0	0.055	0.081	0.152	0.029	0.199	0.000	0.083	1.219
TCGA-AO-A0J5	0.206	0	0	0.108	0	0.225	0	0	0	0.428	0	0.033	0	0.000	0.176	1.162
TCGA-AO-A0J6	0.004	0	0	0	0.207	0	0	0	0	0.023	0.436	0.06	0.27	0.000	0.241	1.144
TCGA-AO-A0J7	0.342	0.152	0	0.163	0	0.211	0	0	0	0.132	0	0	0	0.000	0.349	1.052
TCGA-AO-A0J8	0.18	0.06	0	0.103	0	0.276	0	0.088	0	0.1	0.193	0	0	0.000	0.121	1.175
TCGA-AO-A0J9	0.122	0	0.132	0	0.027	0	0	0.077	0	0.185	0.337	0.119	0	0.000	0.017	1.242
TCGA-AO-A0JA	0.07	0	0	0.035	0	0.25	0	0.164	0	0.39	0.091	0	0	0.000	0.145	1.168
TCGA-AO-A0JB	0.072	0	0.002	0	0	0.213	0	0.025	0	0.175	0.231	0.207	0.075	0.000	0.141	1.162
TCGA-AO-A0JC	0	0	0.08	0.248	0	0	0.205	0	0.095	0	0.373	0	0	0.000	0.176	1.178
TCGA-AO-A0JD	0.11	0.035	0	0.219	0.107	0.194	0.037	0.119	0	0	0.139	0.007	0.032	0.000	0.251	1.096
TCGA-AO-A0JE	0	0	0.072	0	0	0.105	0	0.274	0	0.127	0.422	0	0	0.000	0.136	1.198
TCGA-AO-A0JF	0.186	0	0.099	0	0	0.067	0	0.138	0	0.19	0.12	0	0	0.000	-0.016	1.268
TCGA-AO-A0JG	0.237	0	0.299	0.008	0	0	0	0	0.125	0.002	0.329	0	0	0.000	0.142	1.187
TCGA-AO-A0JJ	0.358	0.251	0	0.219	0	0.136	0	0	0	0.036	0	0	0	0.000	0.231	1.155
TCGA-AO-A0JJ	0.102	0	0.223	0.024	0	0	0.13	0.089	0.021	0.125	0.285	0	0	0.000	-0.002	1.259
TCGA-AO-A0JL	0	0	0	0	0.011	0.215	0	0	0.1	0.236	0	0.391	0.086	0.000	0.269	1.104
TCGA-AO-A0JM	0.177	0	0	0.033	0.217	0.209	0	0.148	0	0.191	0.024	0	0	0.000	0.278	1.079
TCGA-AO-A124	0.028	0	0	0.144	0	0.149	0.013	0	0.03	0.056	0.007	0.281	0.292	0.000	0.241	1.123
TCGA-AO-A125	0.222	0.247	0	0.118	0.01	0.22	0	0.056	0	0	0	0.126	0	0.000	0.436	0.978
TCGA-AO-A126	0.245	0	0.094	0	0	0.135	0	0	0	0.342	0.058	0.127	0	0.000	0.140	1.173
TCGA-AO-A128	0	0	0	0.063	0	0	0	0	0.055	0	0.72	0	0.161	0.000	0.302	1.144
TCGA-AO-A129	0	0	0	0.207	0	0	0.074	0	0	0.218	0.255	0.112	0.135	0.000	0.039	1.243
TCGA-AO-A12A	0.199	0.017	0	0.096	0	0.059	0	0.31	0	0.26	0.032	0	0.028	0.000	0.104	1.197
TCGA-AO-A12B	0.383	0.169	0	0.06	0	0.184	0	0	0	0.152	0.053	0	0	0.000	0.336	1.060
TCGA-AO-A12C	0.235	0	0	0.086	0.053	0.125	0.045	0.037	0	0.413	0	0	0.004	0.000	0.234	1.116
TCGA-AO-A12D	0	0	0.026	0	0.205	0.217	0.075	0.1	0.199	0.05	0.128	0	0	0.000	0.210	1.133
TCGA-AO-A12E	0.002	0.17	0.133	0	0	0.235	0	0	0	0.18	0.105	0.119	0.056	0.000	0.083	1.209
TCGA-AO-A12F	0	0	0.031	0.034	0	0.108	0.017	0	0	0.436	0	0.211	0.162	0.000	0.303	1.084
TCGA-AO-A12G	0.087	0	0.182	0	0	0.31	0.037	0.076	0	0.263	0	0.044	0	0.000	0.263	1.093
TCGA-AO-A12H	0.495	0.297	0	0.004	0	0.047	0	0	0	0.001	0.038	0.118	0	0.000	0.442	1.001
TCGA-AO-A1K0	0.137	0	0.026	0.04	0	0.015	0	0.185	0	0.218	0	0.139	0.24	0.000	0.158	1.174
TCGA-AO-A1KP	0.074	0.313	0	0.143	0	0.384	0	0.031	0	0.133	0	0.002	0	0.000	0.450	0.970
TCGA-AO-A1KQ	0.122	0.135	0.124	0.164	0.01	0.04	0	0	0	0	0.406	0	0	0.000	0.198	1.150
TCGA-AO-A1KR	0.108	0	0	0.086	0.01	0.124	0	0	0	0.094	0.217	0.181	0.18	0.000	0.179	1.142
TCGA-AO-A1KS	0.274	0	0.007	0.051	0	0.396	0	0	0	0.034	0.146	0.092	0	0.000	0.278	1.083

Input Sample	Pearson														P-value	Correlation	RMSE
	BC_01	BC_02	BC_03	BC_03LN	BC_04	BC_05	BC_06	BC_07	BC_07LN	BC_08	BC_09	BC_10	BC_11				
TCGA-AQ-A1KT	0.103	0.161	0	0.156	0.02	0.088	0	0.051	0	0.277	0.001	0.143	0	0.000	0.266	1.091	
TCGA-AQ-A04H	0.312	0.106	0.186	0.044	0.023	0.21	0	0	0	0.082	0.036	0	0	0.000	0.343	1.050	
TCGA-AQ-A04J	0	0	0	0.279	0	0	0.214	0.027	0.17	0	0.08	0.079	0.151	0.000	0.127	1.204	
TCGA-AQ-A04L	0.115	0	0	0.001	0	0.311	0	0	0.303	0.169	0	0.102	0	0.000	0.285	1.083	
TCGA-AQ-A0Y5	0.049	0	0.129	0.028	0.251	0.237	0	0.027	0	0.2	0	0.079	0	0.000	0.167	1.161	
TCGA-AQ-A1H2	0.294	0.355	0	0.005	0	0.215	0	0	0	0.018	0.113	0	0	0.000	0.488	0.945	
TCGA-AQ-A1H3	0.028	0	0	0.281	0.19	0.257	0.123	0	0.046	0.075	0	0	0	0.000	0.097	1.214	
TCGA-AQ-A54N	0.06	0	0	0	0	0.188	0	0	0	0.245	0.013	0.286	0.208	0.000	0.290	1.089	
TCGA-AQ-A54O	0.257	0.272	0	0.109	0	0	0.055	0.114	0	0.14	0.038	0.016	0	0.000	0.237	1.120	
TCGA-AQ-A7U7	0.016	0	0.136	0.202	0	0	0	0	0.104	0.172	0.37	0	0	0.000	0.002	1.285	
TCGA-AR-A0TP	0	0	0	0	0.026	0	0	0	0.128	0.199	0	0.43	0.217	0.000	0.283	1.110	
TCGA-AR-A0TQ	0.175	0	0.131	0.051	0	0.081	0.104	0	0	0.157	0.3	0	0	0.000	0.232	1.099	
TCGA-AR-A0TR	0.402	0.225	0.085	0.126	0	0.11	0	0	0.051	0	0	0	0	0.000	0.363	1.055	
TCGA-AR-A0TS	0	0	0.086	0.18	0	0	0.281	0	0.297	0.018	0.119	0.018	0	0.000	0.083	1.238	
TCGA-AR-A0TT	0	0	0	0.407	0	0	0.045	0	0.028	0	0.52	0	0	0.000	0.195	1.200	
TCGA-AR-A0TU	0	0	0	0.129	0	0.08	0	0.106	0	0.093	0.336	0	0.257	0.000	0.216	1.146	
TCGA-AR-A0TV	0.09	0.311	0.167	0.049	0	0	0.003	0	0	0.008	0.373	0	0	0.000	0.245	1.120	
TCGA-AR-A0TW	0.332	0	0	0.158	0	0	0	0	0.01	0	0.501	0	0	0.000	0.267	1.101	
TCGA-AR-A0TX	0	0	0.098	0	0	0.196	0.179	0.102	0.08	0.018	0.327	0	0	0.000	0.097	1.199	
TCGA-AR-A0TY	0.326	0	0.043	0.304	0.055	0.178	0	0	0	0.091	0	0.004	0	0.000	0.256	1.112	
TCGA-AR-A0TZ	0.352	0.129	0	0.223	0	0.193	0	0	0	0.103	0	0	0	0.000	0.363	1.041	
TCGA-AR-A0U0	0.006	0	0	0.066	0.011	0	0	0	0	0	0.622	0.092	0.204	0.000	0.292	1.126	
TCGA-AR-A0U2	0.141	0	0	0.195	0.062	0.301	0.026	0.002	0	0	0.225	0	0.049	0.000	0.059	1.222	
TCGA-AR-A0U3	0.148	0.23	0	0.206	0	0.248	0	0.16	0.008	0	0	0	0	0.000	0.322	1.067	
TCGA-AR-A0U4	0.059	0	0	0.186	0	0	0	0.059	0	0.093	0.183	0.189	0.231	0.000	0.089	1.216	
TCGA-AR-A1AH	0.035	0	0	0.033	0	0.237	0.064	0	0	0.066	0	0.306	0.259	0.000	0.305	1.078	
TCGA-AR-A1AJ	0	0	0	0.11	0	0.004	0	0	0.016	0	0.432	0.102	0.335	0.000	0.197	1.183	
TCGA-AR-A1AJ	0	0	0	0.187	0	0	0.031	0	0	0	0.609	0	0.174	0.000	0.193	1.206	
TCGA-AR-A1AK	0	0.181	0.006	0.003	0	0	0	0	0	0.16	0.532	0.118	0	0.000	0.152	1.181	
TCGA-AR-A1AL	0.067	0	0.085	0.101	0	0.185	0	0.227	0	0.242	0	0.093	0	0.000	0.014	1.250	
TCGA-AR-A1AM	0	0	0	0	0	0.4	0.062	0.253	0	0.271	0.014	0	0	0.000	0.092	1.215	
TCGA-AR-A1AN	0.185	0	0	0.081	0	0.072	0	0.327	0.005	0.264	0	0.024	0.042	0.000	0.127	1.185	
TCGA-AR-A1AO	0	0	0	0	0	0	0.041	0.16	0	0.144	0.656	0	0	0.000	0.141	1.235	
TCGA-AR-A1AP	0.032	0	0	0	0.164	0.122	0	0	0	0.29	0.189	0.203	0	0.000	0.180	1.141	
TCGA-AR-A1AQ	0	0	0	0.226	0	0	0.07	0	0	0	0.495	0.015	0.194	0.000	0.180	1.195	
TCGA-AR-A1AR	0.058	0	0	0.183	0	0	0	0.104	0	0.099	0.387	0.036	0.133	0.000	0.155	1.183	
TCGA-AR-A1AS	0.107	0.069	0	0.054	0.069	0.351	0	0	0.075	0	0.029	0.244	0	0.000	0.329	1.049	
TCGA-AR-A1AT	0	0	0	0.115	0.021	0.361	0	0	0.101	0	0.402	0	0	0.000	0.232	1.120	
TCGA-AR-A1AU	0.239	0.264	0	0.096	0	0.037	0	0.013	0	0.182	0	0.168	0	0.000	0.196	1.155	
TCGA-AR-A1AV	0.133	0.375	0	0	0.088	0.059	0.075	0.082	0.051	0	0	0.137	0	0.000	0.292	1.086	
TCGA-AR-A1AW	0	0	0.009	0.356	0	0	0.053	0	0.07	0	0.513	0	0	0.000	0.264	1.143	
TCGA-AR-A1AX	0	0	0.124	0.22	0	0.1	0.09	0	0.051	0	0.415	0	0	0.000	0.075	1.243	
TCGA-AR-A1AY	0.015	0	0	0.14	0	0.113	0	0	0.022	0.183	0	0.231	0.297	0.000	0.243	1.124	
TCGA-AR-A24H	0.051	0	0	0.243	0.008	0.394	0	0	0	0	0.304	0	0	0.000	0.271	1.090	
TCGA-AR-A24K	0.281	0.074	0	0.259	0.033	0.166	0	0.061	0	0.061	0	0.062	0.003	0.000	0.377	1.015	
TCGA-AR-A24L	0.31	0.022	0.034	0.168	0.066	0.108	0	0	0	0.258	0	0	0.034	0.000	0.196	1.144	
TCGA-AR-A24M	0.006	0.146	0	0.108	0	0.32	0	0.194	0	0.189	0	0	0.036	0.000	0.199	1.144	
TCGA-AR-A24N	0.074	0.123	0	0.223	0	0.156	0	0	0	0.32	0.091	0	0.013	0.000	0.226	1.115	
TCGA-AR-A24O	0.197	0	0	0	0	0.032	0	0.324	0	0.26	0.187	0	0	0.000	0.074	1.212	
TCGA-AR-A24P	0.163	0	0.007	0.122	0.126	0.147	0	0.079	0	0.338	0	0.017	0	0.000	0.156	1.162	
TCGA-AR-A24Q	0.028	0	0	0.219	0	0	0	0	0.06	0.226	0.05	0.168	0.249	0.000	0.120	1.204	
TCGA-AR-A24R	0.093	0.239	0.008	0.239	0	0.113	0	0.052	0	0.033	0.223	0	0	0.000	0.263	1.095	
TCGA-AR-A24S	0.141	0	0	0.063	0	0.037	0	0.129	0	0.27	0.36	0	0	0.000	0.138	1.170	
TCGA-AR-A24T	0.182	0	0.072	0	0	0.212	0	0	0	0.383	0.054	0.097	0	0.000	0.068	1.222	
TCGA-AR-A24U	0	0	0.062	0	0	0	0.294	0.063	0.077	0.152	0.353	0	0	0.000	0.042	1.239	
TCGA-AR-A24V	0	0.259	0.075	0	0	0.085	0	0.018	0	0.409	0.155	0	0	0.000	0.208	1.134	
TCGA-AR-A24W	0.234	0.141	0.027	0	0	0	0	0.332	0	0.241	0	0	0.025	0.000	0.198	1.145	
TCGA-AR-A24X	0.261	0	0	0.123	0	0.277	0	0.067	0.123	0.117	0.006	0.025	0	0.000	0.239	1.111	
TCGA-AR-A24Z	0	0.324	0	0.027	0	0.385	0	0	0.065	0.057	0.109	0	0.032	0.000	0.370	1.028	
TCGA-AR-A250	0.128	0	0.142	0.074	0.04	0.132	0	0	0	0.253	0.183	0.047	0	0.000	0.131	1.165	
TCGA-AR-A251	0.121	0	0	0.08	0.028	0	0.066	0.096	0	0.213	0	0.195	0.201	0.000	0.145	1.177	
TCGA-AR-A252	0.062	0	0.152	0	0	0	0.138	0.095	0	0	0.554	0	0	0.000	0.134	1.212	
TCGA-AR-A254	0.034	0	0	0.048	0.292	0.225	0	0	0	0.043	0.312	0.046	0	0.000	0.208	1.130	
TCGA-AR-A255	0.19	0.069	0.04	0.176	0	0.147	0	0.115	0	0.035	0.222	0	0.006	0.000	0.201	1.128	

Input Sample	Pearson													P-value	Correlation	RMSE
	BC_01	BC_02	BC_03	BC_03LN	BC_04	BC_05	BC_06	BC_07	BC_07LN	BC_08	BC_09	BC_10	BC_11			
TCGA-AR-A256	0.082	0	0	0	0	0	0	0	0.022	0	0	0.403	0.493	0.000	0.331	1.094
TCGA-AR-A2LE	0.328	0	0	0.014	0.002	0.358	0	0.013	0	0.086	0.201	0	0	0.000	0.198	1.136
TCGA-AR-A2LH	0	0	0.039	0	0	0	0.277	0.326	0.003	0.038	0.318	0	0	0.000	0.091	1.222
TCGA-AR-A2LJ	0	0	0.055	0.029	0	0.1	0.077	0	0	0.304	0.304	0.13	0	0.000	0.081	1.202
TCGA-AR-A2LK	0.172	0.159	0	0.198	0	0.173	0	0	0	0.121	0.053	0.125	0	0.000	0.261	1.094
TCGA-AR-A2LL	0.228	0.103	0	0.168	0	0.123	0.151	0	0	0.108	0.054	0.066	0	0.000	0.168	1.153
TCGA-AR-A2LM	0.059	0	0.066	0	0	0.155	0	0.162	0	0.474	0	0.083	0	0.000	0.036	1.251
TCGA-AR-A2LN	0.06	0	0.027	0.115	0	0.021	0	0.286	0	0.406	0	0.087	0	1.000	-0.045	1.300
TCGA-AR-A2LO	0	0	0.446	0.079	0	0	0	0.051	0	0.16	0.19	0.075	0	0.000	0.043	1.258
TCGA-AR-A2LQ	0	0	0	0	0	0	0.027	0.293	0.143	0.537	0	0	0	0.000	0.096	1.241
TCGA-AR-A2LR	0	0	0.066	0.015	0	0.026	0	0	0.067	0.314	0	0.258	0.253	0.000	0.039	1.270
TCGA-AR-A5QM	0.212	0	0.206	0	0	0	0	0.204	0	0.239	0	0.141	0	0.000	-0.013	1.267
TCGA-AR-A5QN	0	0.333	0.043	0.037	0	0.183	0	0.193	0	0.178	0.033	0	0	0.000	0.236	1.123
TCGA-AR-A5QP	0.209	0	0	0.108	0.034	0	0	0.186	0	0.35	0	0.112	0	0.000	0.119	1.186
TCGA-AR-A5QQ	0	0	0	0.044	0	0	0.037	0	0.175	0	0.623	0.119	0	0.000	0.139	1.230
TCGA-B6-A0I1	0.087	0	0	0	0	0.149	0.072	0	0.008	0.212	0	0.287	0.186	0.000	0.315	1.067
TCGA-B6-A0I2	0.025	0	0	0.075	0.05	0	0	0	0.02	0	0.523	0.053	0.253	0.000	0.287	1.118
TCGA-B6-A0I5	0.187	0	0	0.107	0.183	0.153	0	0	0.101	0.114	0	0.155	0	0.000	0.251	1.096
TCGA-B6-A0I6	0	0	0	0.16	0	0.102	0	0	0	0.253	0	0.266	0.219	0.000	0.222	1.136
TCGA-B6-A0I8	0.181	0.127	0.018	0	0.055	0.299	0	0	0.068	0.251	0	0	0	0.000	0.256	1.109
TCGA-B6-A0I9	0.039	0	0	0.187	0.179	0.467	0	0	0	0.066	0.062	0	0	0.000	0.284	1.091
TCGA-B6-A0IA	0.269	0.2	0	0.098	0	0.247	0	0.035	0	0.135	0	0.018	0	0.000	0.439	0.977
TCGA-B6-A0IB	0.109	0.189	0	0.11	0	0.3	0	0	0	0.265	0.028	0	0	0.000	0.307	1.072
TCGA-B6-A0IC	0.257	0.206	0	0.13	0	0.286	0	0	0	0.101	0.02	0	0	0.000	0.385	1.023
TCGA-B6-A0IE	0.277	0.092	0.146	0.091	0	0.099	0	0	0.079	0.172	0	0.035	0.009	0.000	0.267	1.096
TCGA-B6-A0IG	0	0	0	0.136	0.071	0.569	0.069	0	0	0.156	0	0	0	0.000	0.432	0.985
TCGA-B6-A0IH	0	0	0.034	0	0	0.133	0.058	0.316	0	0.319	0.14	0	0	1.000	-0.045	1.291
TCGA-B6-A0IJ	0	0	0	0.307	0	0	0.112	0	0	0	0.286	0.078	0.216	0.000	0.207	1.153
TCGA-B6-A0IK	0.177	0	0	0.006	0.169	0.155	0.085	0.215	0.183	0	0	0	0.01	0.000	0.253	1.106
TCGA-B6-A0IM	0.108	0.482	0	0.206	0	0.074	0	0.008	0	0.091	0	0	0.032	0.000	0.375	1.047
TCGA-B6-A0IN	0.096	0	0.265	0.048	0	0	0.274	0	0.061	0	0.215	0.04	0	0.000	0.101	1.202
TCGA-B6-A0IO	0.316	0.408	0	0.118	0	0.045	0	0.045	0	0	0.068	0	0	0.000	0.368	1.051
TCGA-B6-A0IP	0.203	0.019	0	0.221	0	0.238	0	0	0.168	0.151	0	0	0	0.000	0.183	1.153
TCGA-B6-A0IQ	0.027	0	0	0.216	0	0.143	0	0	0	0.133	0.081	0.136	0.264	0.000	0.193	1.147
TCGA-B6-A0RE	0.009	0	0	0.16	0	0.111	0	0	0	0.25	0	0.229	0.241	0.000	0.240	1.123
TCGA-B6-A0RG	0.294	0.308	0	0.151	0.045	0.038	0	0.012	0	0.152	0	0	0	0.000	0.355	1.051
TCGA-B6-A0RH	0.067	0	0	0.072	0.006	0.499	0	0.055	0	0.22	0.033	0	0.046	0.000	0.318	1.063
TCGA-B6-A0RI	0.15	0.145	0	0.18	0.006	0.157	0	0.025	0	0.128	0	0.17	0.038	0.000	0.165	1.161
TCGA-B6-A0RL	0.035	0.547	0	0.2	0	0.162	0	0	0	0	0	0.055	0	0.000	0.416	1.021
TCGA-B6-A0RM	0.124	0.299	0.12	0.067	0	0.322	0	0	0	0.055	0	0.012	0	0.000	0.251	1.136
TCGA-B6-A0RN	0.096	0.04	0.051	0.115	0	0.288	0	0.027	0	0.215	0	0.167	0	0.000	0.259	1.096
TCGA-B6-A0RO	0.235	0.168	0.049	0.041	0	0.194	0	0.084	0	0.167	0	0.062	0	0.000	0.323	1.058
TCGA-B6-A0RP	0.021	0.381	0	0.002	0	0.172	0	0.147	0.061	0.096	0.119	0	0	0.000	0.182	1.158
TCGA-B6-A0RQ	0	0.157	0	0	0	0	0.18	0.044	0.07	0.145	0	0.241	0.163	0.000	0.179	1.158
TCGA-B6-A0RS	0.032	0	0	0	0	0.22	0	0.204	0.215	0.027	0.2	0.101	0	0.000	0.216	1.129
TCGA-B6-A0RT	0	0	0.124	0.132	0	0	0.099	0	0.082	0	0.563	0	0	0.000	0.197	1.185
TCGA-B6-A0RU	0.037	0	0	0.033	0	0.078	0.061	0	0.019	0.111	0	0.239	0.422	0.000	0.237	1.142
TCGA-B6-A0RV	0.092	0.09	0.069	0.134	0	0.272	0	0.017	0	0.094	0.232	0	0	0.000	0.233	1.105
TCGA-B6-A0WS	0.203	0	0.196	0	0	0	0.091	0	0.026	0.129	0.355	0	0	0.000	0.110	1.187
TCGA-B6-A0WT	0.178	0.312	0	0.332	0.019	0.007	0	0	0	0.114	0	0.038	0	0.000	0.219	1.150
TCGA-B6-A0VW	0.293	0.269	0	0.067	0	0.249	0	0	0	0.122	0	0	0	0.000	0.444	0.986
TCGA-B6-A0VWV	0.047	0.35	0	0.136	0	0.255	0	0	0	0.103	0	0.11	0	0.000	0.432	0.985
TCGA-B6-A0WYX	0	0	0.126	0.053	0	0	0.131	0	0.094	0.33	0	0.204	0.062	0.000	0.132	1.187
TCGA-B6-A0WY	0	0.199	0.279	0	0	0.025	0	0.032	0	0.25	0.123	0	0.093	0.000	0.171	1.162
TCGA-B6-A0WZ	0.122	0.212	0	0.027	0	0.387	0	0.11	0.091	0.041	0.009	0	0	0.000	0.361	1.038
TCGA-B6-A0X0	0.288	0	0	0.124	0.123	0.365	0.033	0.038	0	0.03	0	0	0	0.000	0.293	1.087
TCGA-B6-A0X1	0.116	0	0	0.134	0.029	0.041	0	0	0	0.006	0.343	0.03	0.297	0.000	0.221	1.139
TCGA-B6-A0X4	0.409	0.234	0	0.102	0.03	0.111	0	0.082	0.009	0.022	0	0	0	0.000	0.334	1.071
TCGA-B6-A0X5	0.311	0.148	0	0.189	0.071	0.176	0	0	0	0	0	0.105	0	0.000	0.292	1.089
TCGA-B6-A0X7	0.038	0.104	0	0.083	0	0.376	0	0.019	0	0.318	0	0.063	0	0.000	0.167	1.172
TCGA-B6-A1KC	0.217	0.244	0.079	0.168	0	0.181	0	0	0	0.102	0	0.009	0	0.000	0.300	1.089
TCGA-B6-A1KF	0	0	0.002	0.07	0	0.33	0	0	0	0.197	0	0.27	0.13	0.000	0.384	1.014
TCGA-B6-A1KI	0.147	0.198	0	0.121	0	0.279	0	0.12	0	0.077	0	0.059	0	0.000	0.187	1.156
TCGA-B6-A1KN	0.04	0.007	0.076	0.105	0.141	0.386	0.018	0	0	0.182	0.045	0	0	0.000	0.413	0.984



Input Sample	Pearson													P-value	Correlation	RMSE
	BC_01	BC_02	BC_03	BC_03LN	BC_04	BC_05	BC_06	BC_07	BC_07LN	BC_08	BC_09	BC_10	BC_11			
TCGA-B6-A2IU	0.165	0.335	0.06	0.071	0	0.26	0	0.02	0	0.056	0	0.032	0	0.000	0.361	1.051
TCGA-B6-A3ZX	0.021	0	0.029	0.252	0	0	0.209	0	0.214	0.009	0.205	0	0.06	0.000	0.130	1.203
TCGA-B6-A400	0	0	0	0.06	0.116	0	0.14	0	0	0.355	0	0.112	0.217	0.000	0.035	1.260
TCGA-B6-A401	0	0.096	0.043	0	0	0.227	0	0.091	0.017	0.408	0.106	0.012	0	0.000	0.020	1.250
TCGA-B6-A402	0	0	0	0	0.047	0.002	0.147	0	0.024	0.29	0	0.371	0.119	0.000	0.307	1.082
TCGA-B6-A408	0	0.32	0.047	0.083	0	0.021	0.082	0	0	0.088	0.359	0	0	0.000	0.147	1.175
TCGA-B6-A409	0	0	0.015	0.003	0.087	0.039	0	0	0	0.327	0	0.376	0.153	0.000	0.241	1.135
TCGA-B6-A40B	0.158	0.122	0	0.119	0.063	0.054	0	0.183	0	0.166	0	0.135	0	0.000	0.151	1.162
TCGA-B6-A40C	0	0.068	0.071	0.088	0	0.326	0	0.081	0	0.168	0.111	0.087	0	0.000	0.062	1.217
TCGA-BH-A0AU	0.317	0	0.14	0.085	0	0.062	0	0	0	0.229	0.167	0	0	0.000	0.178	1.143
TCGA-BH-A0AV	0.051	0	0	0.115	0.057	0.009	0	0	0	0.312	0	0.205	0.25	0.000	0.247	1.121
TCGA-BH-A0AW	0	0	0.193	0	0	0.125	0.057	0.156	0	0.009	0.46	0	0	0.000	0.102	1.223
TCGA-BH-A0AY	0.008	0	0.116	0	0	0	0	0.13	0.046	0.284	0	0.24	0.176	0.000	0.045	1.254
TCGA-BH-A0AZ	0.297	0	0.093	0	0.033	0	0	0.066	0	0.465	0.002	0.045	0	0.000	0.157	1.174
TCGA-BH-A0B0	0	0.023	0.072	0	0	0.111	0	0.32	0	0.308	0.166	0	0	0.000	-0.003	1.269
TCGA-BH-A0B1	0.068	0.322	0	0.061	0	0.053	0	0.106	0	0.308	0.081	0	0	0.000	0.260	1.101
TCGA-BH-A0B3	0	0	0	0.265	0.006	0.007	0	0.012	0	0.154	0.251	0.109	0.195	0.000	0.160	1.175
TCGA-BH-A0B4	0.259	0	0.06	0.073	0	0.07	0.078	0.019	0	0.236	0.204	0	0	0.000	0.175	1.135
TCGA-BH-A0B5	0	0	0.082	0	0.052	0	0	0	0	0.386	0.09	0.266	0.123	0.000	0.066	1.239
TCGA-BH-A0B6	0	0	0.191	0.042	0	0	0.113	0	0	0.018	0.636	0	0	0.000	0.205	1.186
TCGA-BH-A0B7	0	0	0.071	0	0	0.293	0.084	0.078	0.322	0.007	0.145	0	0	0.000	0.124	1.199
TCGA-BH-A0B8	0	0	0.123	0	0	0	0	0	0	0.355	0.081	0.289	0.151	0.000	0.063	1.242
TCGA-BH-A0B9	0.015	0	0	0.276	0.035	0	0	0	0.025	0	0.384	0.084	0.171	0.000	0.181	1.179
TCGA-BH-A0BA	0	0.097	0	0	0	0.379	0.008	0.235	0.281	0	0	0	0	0.000	0.071	1.256
TCGA-BH-A0BC	0.01	0	0	0	0	0	0	0.101	0	0.277	0	0.438	0.174	0.000	0.092	1.245
TCGA-BH-A0BD	0	0	0	0.285	0	0.128	0	0.046	0	0.245	0.242	0	0.054	0.000	0.095	1.204
TCGA-BH-A0BF	0	0	0.117	0.104	0	0	0	0	0	0.129	0.65	0	0	0.000	0.125	1.245
TCGA-BH-A0BG	0	0	0.099	0.05	0	0	0	0.001	0	0.092	0.324	0.18	0.254	0.000	0.195	1.156
TCGA-BH-A0BJ	0.179	0	0.054	0	0	0.172	0	0.044	0	0.429	0.106	0	0.017	0.000	0.192	1.137
TCGA-BH-A0BL	0	0	0	0.169	0.017	0	0	0.032	0	0.279	0.325	0.102	0.076	0.000	0.045	1.243
TCGA-BH-A0BM	0.03	0	0.049	0	0	0.022	0	0.135	0.039	0.283	0	0.188	0.253	0.000	0.218	1.143
TCGA-BH-A0BO	0.024	0	0.009	0	0	0	0	0.334	0	0.381	0	0.251	0	0.000	0.046	1.258
TCGA-BH-A0BP	0.263	0.072	0	0	0	0.007	0	0.167	0	0.411	0	0.08	0	0.000	0.105	1.207
TCGA-BH-A0BQ	0.103	0	0.011	0	0.151	0	0	0.193	0	0.392	0.141	0	0.009	0.000	0.104	1.197
TCGA-BH-A0BR	0.146	0	0	0	0.115	0	0	0.226	0	0.304	0.16	0.048	0	0.000	0.098	1.194
TCGA-BH-A0BS	0	0	0.13	0.034	0	0.002	0	0.01	0.107	0.227	0	0.26	0.229	0.000	0.163	1.179
TCGA-BH-A0BT	0.047	0.088	0.019	0	0	0.013	0	0.187	0	0.124	0	0.325	0.197	0.000	0.238	1.124
TCGA-BH-A0BV	0.092	0	0	0.052	0	0.055	0	0.046	0	0.292	0	0.299	0.164	0.000	0.119	1.205
TCGA-BH-A0BW	0	0	0	0.138	0.042	0	0.017	0	0	0.018	0.542	0	0.243	0.000	0.198	1.192
TCGA-BH-A0BZ	0.04	0	0.069	0	0.02	0.076	0	0	0	0.09	0.657	0	0.049	0.000	0.318	1.089
TCGA-BH-A0C0	0	0	0.026	0	0	0.259	0	0.23	0	0.186	0	0.073	0.227	0.000	0.114	1.208
TCGA-BH-A0C1	0.107	0	0	0.038	0.105	0.199	0	0.18	0	0.178	0.125	0.068	0	0.000	0.115	1.177
TCGA-BH-A0C3	0.11	0	0.309	0	0	0	0.015	0.002	0	0.23	0.228	0	0.106	0.000	-0.003	1.267
TCGA-BH-A0C7	0.102	0.081	0	0.261	0	0.2	0.042	0	0	0.236	0.005	0	0.073	0.000	0.205	1.136
TCGA-BH-A0DD	0.19	0.125	0	0.229	0.167	0.085	0	0	0	0.146	0.022	0	0.035	0.000	0.335	1.043
TCGA-BH-A0DE	0.112	0.012	0.31	0	0	0	0	0.09	0	0.272	0	0.204	0	0.000	0.113	1.193
TCGA-BH-A0DG	0.048	0	0.166	0	0	0.076	0.018	0	0.108	0.309	0	0.092	0.182	0.000	0.080	1.223
TCGA-BH-A0DH	0	0	0.195	0	0	0	0	0	0	0.288	0.07	0.299	0.149	0.000	0.031	1.256
TCGA-BH-A0DI	0	0.078	0	0	0	0	0	0	0	0.706	0.216	0	0	0.000	0.059	1.264
TCGA-BH-A0DK	0.075	0	0.148	0	0	0	0.122	0.099	0	0.066	0.43	0	0	0.000	0.074	1.235
TCGA-BH-A0DL	0	0	0	0.035	0	0	0	0.221	0	0.256	0.124	0.117	0.247	0.000	0.012	1.280
TCGA-BH-A0DO	0	0	0.019	0.078	0	0	0	0.237	0	0.266	0	0.18	0.22	0.000	0.114	1.215
TCGA-BH-A0DP	0.125	0.043	0	0.113	0	0.078	0	0.141	0	0.357	0	0.127	0.017	0.000	0.039	1.238
TCGA-BH-A0DQ	0.188	0.095	0.076	0.061	0	0.046	0	0	0	0.423	0	0.113	0	0.000	0.172	1.165
TCGA-BH-A0DS	0.132	0.013	0	0.027	0.021	0.122	0	0.069	0.014	0.237	0.235	0.131	0	0.000	0.211	1.110
TCGA-BH-A0DT	0.054	0	0	0	0	0.146	0	0.165	0.084	0.266	0	0.124	0.159	0.000	0.165	1.168
TCGA-BH-A0DV	0.019	0	0	0	0	0.131	0	0.203	0.16	0.239	0	0.133	0.115	0.000	0.173	1.167
TCGA-BH-A0DX	0.098	0	0	0	0	0.164	0	0.156	0.036	0.361	0.078	0.107	0	0.000	0.032	1.238
TCGA-BH-A0DZ	0.079	0	0	0.167	0.156	0.085	0	0.093	0	0.147	0.148	0.126	0	0.000	0.300	1.053
TCGA-BH-A0E0	0.028	0	0	0.073	0	0.221	0.124	0.007	0.017	0.293	0.04	0.196	0	0.000	0.130	1.179
TCGA-BH-A0E1	0.343	0.148	0	0.126	0	0.177	0	0.054	0	0.152	0	0	0	0.000	0.357	1.040
TCGA-BH-A0E2	0.513	0	0.092	0.099	0.052	0	0	0.018	0	0.202	0	0.003	0.022	0.000	0.160	1.184
TCGA-BH-A0E6	0	0	0	0.207	0	0.08	0.044	0	0.093	0.185	0.057	0.209	0.125	0.000	0.092	1.209
TCGA-BH-A0E7	0.147	0.39	0.083	0.065	0	0.11	0	0	0	0.178	0	0.037	0	0.000	0.333	1.069

Input Sample	Pearson														P-value	Correlation	RMSE
	BC_01	BC_02	BC_03	BC_03LN	BC_04	BC_05	BC_06	BC_07	BC_07LN	BC_08	BC_09	BC_10	BC_11				
TCGA-BH-A0E9	0.184	0.077	0.204	0	0	0.12	0	0.149	0.102	0.166	0	0	0	0.000	0.103	1.204	
TCGA-BH-A0EA	0.156	0.009	0	0	0	0.152	0	0.176	0	0.419	0	0.085	0.003	0.000	0.022	1.256	
TCGA-BH-A0EB	0.155	0.049	0	0.138	0	0.052	0	0.148	0	0.166	0.292	0	0	0.000	0.163	1.150	
TCGA-BH-A0EE	0	0	0	0.009	0.2	0.286	0.14	0.191	0.089	0	0	0	0.084	0.000	0.333	1.052	
TCGA-BH-A0EI	0.198	0.414	0	0.055	0	0.06	0	0	0	0.272	0	0	0	0.000	0.317	1.090	
TCGA-BH-A0GY	0.061	0	0	0.097	0.202	0.011	0	0.111	0	0.378	0.051	0.089	0	0.000	0.110	1.193	
TCGA-BH-A0GZ	0.141	0.18	0.086	0.063	0.123	0	0	0	0	0.261	0	0.146	0	0.000	0.255	1.101	
TCGA-BH-A0H0	0.262	0	0.141	0.201	0	0.22	0	0.006	0	0.121	0.015	0.034	0	0.000	0.304	1.070	
TCGA-BH-A0H3	0.222	0	0.09	0	0.108	0.006	0	0.181	0	0.378	0.009	0.006	0	0.000	0.093	1.204	
TCGA-BH-A0H5	0	0	0	0	0	0	0	0.283	0.059	0.172	0	0.229	0.257	0.000	0.130	1.217	
TCGA-BH-A0H6	0.208	0.138	0	0	0.086	0.093	0	0.012	0	0.342	0	0.122	0	0.000	0.250	1.112	
TCGA-BH-A0H7	0	0	0.103	0.016	0	0.122	0	0.039	0	0.4	0	0.205	0.116	0.000	0.156	1.178	
TCGA-BH-A0H9	0.155	0.018	0	0.161	0	0.357	0	0	0	0.255	0.011	0	0.043	0.000	0.287	1.082	
TCGA-BH-A0HA	0.057	0	0.051	0	0	0.094	0	0.008	0.23	0.115	0.037	0.149	0.259	0.000	0.167	1.173	
TCGA-BH-A0HB	0.185	0.149	0.144	0	0.029	0	0.023	0.221	0	0	0.249	0	0	0.000	0.209	1.131	
TCGA-BH-A0HF	0.182	0.128	0	0.055	0.072	0	0	0.304	0	0.185	0.073	0	0	0.000	0.049	1.232	
TCGA-BH-A0HI	0.304	0.208	0	0.064	0	0.201	0	0.102	0.026	0.032	0.011	0.052	0	0.000	0.340	1.053	
TCGA-BH-A0HK	0.066	0	0	0	0	0	0	0.177	0	0.388	0	0.314	0.057	0.000	0.143	1.194	
TCGA-BH-A0HL	0.237	0.305	0	0.147	0.039	0.235	0	0	0	0.021	0	0.016	0	0.000	0.280	1.116	
TCGA-BH-A0HN	0.213	0.237	0	0.072	0	0.248	0	0.075	0	0.007	0	0.149	0	0.000	0.317	1.071	
TCGA-BH-A0HO	0.25	0.279	0	0.089	0	0.203	0	0	0.014	0.003	0.161	0	0	0.000	0.342	1.047	
TCGA-BH-A0HP	0.084	0	0.043	0	0	0.301	0	0.192	0	0.125	0.052	0.204	0	0.000	0.174	1.147	
TCGA-BH-A0HQ	0.151	0.049	0	0.08	0	0.329	0	0.05	0	0.279	0	0.062	0	0.000	0.123	1.194	
TCGA-BH-A0HU	0.246	0	0.007	0.201	0.088	0.244	0	0.099	0	0.115	0	0	0	0.000	0.344	1.035	
TCGA-BH-A0HW	0.243	0.383	0	0.152	0	0.174	0	0	0	0.049	0	0	0	0.000	0.409	1.022	
TCGA-BH-A0HX	0.331	0.275	0.054	0	0.131	0	0.067	0.009	0	0.132	0	0	0	0.000	0.215	1.152	
TCGA-BH-A0HY	0.057	0	0.008	0.016	0.07	0.491	0.068	0	0.032	0.259	0	0	0	0.000	0.467	0.951	
TCGA-BH-A0RX	0	0	0.049	0.118	0	0	0	0	0	0.025	0.569	0.237	0.001	0.000	0.166	1.192	
TCGA-BH-A0W3	0.14	0.274	0	0.194	0	0.36	0	0.02	0	0	0	0.012	0	0.000	0.347	1.063	
TCGA-BH-A0W4	0.217	0.147	0	0.031	0	0.188	0	0.02	0	0.303	0	0.05	0.045	0.000	0.233	1.127	
TCGA-BH-A0W5	0	0	0.228	0.125	0	0	0.226	0	0.155	0.008	0.257	0	0	0.000	0.104	1.219	
TCGA-BH-A0W7	0.066	0	0.134	0.117	0	0	0	0.054	0	0.193	0.437	0	0	0.000	0.064	1.239	
TCGA-BH-A0WA	0	0	0	0.047	0	0	0.088	0.073	0	0.141	0	0.192	0.450	0.000	0.230	1.156	
TCGA-BH-A18F	0.123	0	0	0.385	0	0.045	0	0.191	0	0.229	0.027	0	0	0.000	0.096	1.211	
TCGA-BH-A18G	0	0	0	0	0	0.152	0	0.08	0	0.215	0.008	0.338	0.207	0.000	0.372	1.029	
TCGA-BH-A18H	0.107	0	0.157	0.053	0	0	0	0.075	0	0.055	0.554	0	0	0.000	0.151	1.201	
TCGA-BH-A18I	0.045	0	0.121	0.176	0	0.099	0	0.206	0	0.243	0.111	0	0	0.000	0.004	1.259	
TCGA-BH-A18J	0.194	0	0	0.164	0.006	0.209	0	0.145	0	0.179	0	0.091	0.013	0.000	0.219	1.117	
TCGA-BH-A18K	0	0	0.025	0	0	0.191	0	0.089	0.055	0.262	0	0.178	0.2	0.000	0.068	1.236	
TCGA-BH-A18L	0	0	0.138	0	0	0	0	0.129	0	0.299	0.018	0.267	0.15	0.000	0.066	1.237	
TCGA-BH-A18M	0	0	0.036	0	0	0	0	0.139	0	0.542	0.053	0.195	0.034	0.000	0.015	1.283	
TCGA-BH-A18N	0	0.124	0	0	0	0	0.047	0.172	0	0.22	0.084	0.35	0.002	0.000	-0.010	1.273	
TCGA-BH-A18P	0.069	0	0	0.229	0.151	0.272	0	0.139	0	0.123	0.007	0	0.011	0.000	0.255	1.100	
TCGA-BH-A18Q	0	0	0	0	0	0	0	0.032	0.249	0	0.099	0.212	0.408	0.000	0.207	1.179	
TCGA-BH-A18R	0.071	0	0.095	0	0	0.121	0	0.01	0.138	0.331	0	0.09	0.145	0.000	-0.012	1.280	
TCGA-BH-A18S	0.256	0.178	0	0	0	0.206	0	0.038	0.18	0	0.005	0.136	0	0.000	0.338	1.048	
TCGA-BH-A18T	0.071	0	0	0.188	0.065	0.147	0	0.026	0	0.068	0.121	0.195	0.119	0.000	0.248	1.094	
TCGA-BH-A18U	0	0	0	0.287	0.108	0.43	0	0	0	0.016	0.146	0.013	0	0.000	0.241	1.118	
TCGA-BH-A18V	0	0	0	0.203	0	0	0.062	0	0.04	0	0.574	0	0.121	0.000	0.214	1.181	
TCGA-BH-A18V.1	0	0	0	0.203	0	0	0.062	0	0.04	0	0.574	0	0.121	0.000	0.214	1.181	
TCGA-BH-A1EN	0.227	0	0	0	0.201	0.153	0	0.007	0.139	0.169	0.017	0.086	0	0.000	0.305	1.058	
TCGA-BH-A1EO	0	0	0.109	0	0	0	0	0.113	0	0.388	0.272	0.12	0	0.000	-0.036	1.288	
TCGA-BH-A1ES	0.096	0.229	0	0.228	0	0.196	0	0	0	0.238	0	0	0.012	0.000	0.274	1.098	
TCGA-BH-A1ES.1	0.096	0.229	0	0.228	0	0.196	0	0	0	0.238	0	0	0.012	0.000	0.274	1.098	
TCGA-BH-A1ET	0	0	0.177	0	0	0	0	0.177	0	0.358	0.095	0.166	0.026	0.000	0.031	1.247	
TCGA-BH-A1EU	0.014	0	0.122	0.208	0	0	0	0.213	0	0	0.424	0.02	0	1.000	-0.050	1.343	
TCGA-BH-A1EV	0	0	0	0.162	0.139	0.564	0	0	0	0.134	0	0	0	0.000	0.436	0.983	
TCGA-BH-A1EW	0.257	0	0.087	0.026	0	0	0	0.199	0.052	0.326	0	0	0.052	0.000	0.040	1.241	
TCGA-BH-A1EX	0	0	0	0.047	0.033	0.168	0	0.251	0.031	0.248	0.099	0.122	0	0.000	0.153	1.163	
TCGA-BH-A1EY	0	0	0	0.112	0	0.035	0	0.383	0	0.229	0.241	0	0	0.000	-0.007	1.288	
TCGA-BH-A1F0	0	0	0	0.144	0	0	0.226	0.014	0	0	0.528	0.088	0	0.000	0.124	1.213	
TCGA-BH-A1F2	0.108	0	0	0.126	0.122	0.175	0	0.108	0	0.251	0	0.109	0	0.000	0.194	1.133	
TCGA-BH-A1F5	0.254	0.272	0.052	0.029	0	0.166	0.017	0.007	0	0.186	0	0.017	0	0.000	0.294	1.096	
TCGA-BH-A1F6	0.012	0	0.029	0	0.029	0	0.006	0	0	0.28	0.374	0.21	0.061	0.000	0.164	1.166	

Input Sample	bc_01	BC_02	BC_03	BC_03LN	BC_04	BC_05	BC_06	BC_07	BC_07LN	BC_08	BC_09	BC_10	BC_11	P-value	Pearson	
															Correlation	RMSE
TCGA-BH-A1F8	0.109	0.26	0.087	0.124	0.027	0.163	0	0	0	0.132	0.014	0	0.084	0.000	0.340	1.050
TCGA-BH-A1FB	0	0	0	0	0	0	0	0.314	0	0.383	0	0.286	0.016	0.000	0.100	1.228
TCGA-BH-A1FC	0	0	0.106	0	0	0	0	0.36	0	0.331	0.087	0.084	0.032	0.000	-0.009	1.284
TCGA-BH-A1FD	0	0	0	0.02	0	0	0	0.232	0	0.355	0	0.334	0.059	0.000	0.107	1.222
TCGA-BH-A1FE	0.049	0	0.155	0	0	0	0	0.173	0.07	0.18	0.033	0.072	0.269	0.000	0.138	1.195
TCGA-BH-A1FE.1	0.049	0	0.155	0	0	0	0	0.173	0.07	0.18	0.033	0.072	0.269	0.000	0.138	1.195
TCGA-BH-A1FG	0.075	0	0.14	0	0	0	0	0.241	0	0.213	0	0.191	0.139	0.000	0.167	1.164
TCGA-BH-A1FH	0.011	0	0	0	0.028	0	0	0.199	0	0.379	0.108	0.201	0.074	0.000	0.017	1.267
TCGA-BH-A1FJ	0.239	0.22	0	0.081	0.156	0.151	0	0	0.152	0	0	0	0	0.000	0.305	1.078
TCGA-BH-A1FL	0.079	0.095	0.066	0.146	0	0.308	0	0	0.077	0.074	0	0.154	0	0.000	0.219	1.128
TCGA-BH-A1FM	0.227	0.147	0	0.135	0	0.108	0	0.079	0	0.091	0.105	0.108	0	0.000	0.248	1.095
TCGA-BH-A1FN	0.251	0	0	0.118	0.074	0.122	0	0	0	0.194	0.035	0.091	0.115	0.000	0.219	1.119
TCGA-BH-A1FR	0.416	0.046	0	0.134	0	0.201	0	0	0.022	0	0.139	0.042	0	0.000	0.224	1.126
TCGA-BH-A1FU	0.016	0	0.022	0.025	0.006	0	0.255	0.198	0.196	0.282	0	0	0	0.000	0.123	1.197
TCGA-BH-A201	0.015	0.189	0.097	0	0.186	0	0	0.129	0	0.328	0	0	0.056	0.000	0.255	1.105
TCGA-BH-A202	0	0	0	0.159	0.101	0.374	0	0	0	0.131	0.185	0	0.049	0.000	0.273	1.082
TCGA-BH-A203	0.021	0	0.085	0	0	0	0	0.029	0.094	0.297	0	0.226	0.248	0.000	0.148	1.194
TCGA-BH-A204	0.152	0.29	0	0.161	0	0.274	0	0	0	0.081	0	0.041	0	0.000	0.344	1.058
TCGA-BH-A208	0.032	0	0	0	0.151	0	0	0.263	0.208	0.347	0	0	0	0.000	0.171	1.179
TCGA-BH-A209	0	0	0	0.338	0	0	0.164	0	0.066	0	0.432	0	0	0.000	0.284	1.111
TCGA-BH-A280	0	0	0.123	0.035	0	0.123	0	0.107	0.079	0.295	0	0.126	0.112	0.000	0.031	1.250
TCGA-BH-A28Q	0.239	0.112	0	0.084	0.037	0.168	0	0.044	0.038	0.229	0	0.05	0	0.000	0.186	1.149
TCGA-BH-A2L8	0	0	0.276	0.022	0	0	0	0.015	0	0.122	0.565	0	0	0.000	0.077	1.265
TCGA-BH-A42T	0.059	0.029	0	0.243	0.038	0	0	0.18	0	0.176	0.028	0.247	0	0.000	0.248	1.098
TCGA-BH-A42U	0	0	0.144	0	0	0	0	0.156	0.3	0.222	0.06	0.118	0	0.000	0.045	1.257
TCGA-BH-A42V	0.002	0.061	0.234	0	0	0	0	0.251	0	0.259	0.078	0.115	0	1.000	-0.049	1.295
TCGA-BH-A5IZ	0.037	0	0	0.14	0.08	0.068	0.064	0	0	0.173	0	0.206	0.232	0.000	0.148	1.178
TCGA-BH-A5J0	0.228	0.01	0.037	0	0	0	0	0.147	0	0.134	0.422	0.023	0	0.000	0.111	1.191
TCGA-BH-A6R8	0	0.434	0.228	0.016	0	0.085	0	0	0	0.041	0.196	0	0	0.000	0.372	1.032
TCGA-BH-A6R9	0.051	0	0	0.027	0.091	0	0	0.201	0	0.297	0.245	0.005	0.082	0.000	-0.024	1.283
TCGA-BH-A8FY	0.299	0.332	0	0.038	0	0.143	0	0.062	0	0	0.002	0.123	0	0.000	0.345	1.064
TCGA-BH-A8FZ	0	0	0.098	0	0	0	0.101	0.29	0	0.128	0.257	0.126	0	1.000	-0.089	1.319
TCGA-BH-A8G0	0	0	0	0.17	0	0	0.175	0	0.102	0.337	0.216	0	0	1.000	-0.081	1.312
TCGA-BH-AB28	0	0.081	0	0.143	0	0.094	0.344	0	0.121	0.181	0.036	0	0	0.000	0.129	1.183
TCGA-C8-A12K	0	0	0	0.192	0.023	0	0	0	0	0	0.494	0.051	0.241	0.000	0.240	1.155
TCGA-C8-A12L	0	0	0	0.006	0.06	0.345	0.056	0.242	0.036	0.082	0	0	0.174	0.000	0.214	1.140
TCGA-C8-A12M	0.407	0	0.147	0.22	0.077	0.068	0	0	0	0.006	0.075	0	0	0.000	0.224	1.137
TCGA-C8-A12N	0.208	0.132	0	0.162	0	0.089	0	0	0	0.257	0.05	0.102	0	0.000	0.238	1.109
TCGA-C8-A12O	0.141	0	0	0.147	0.033	0.042	0.017	0	0	0.428	0.191	0	0	0.000	0.076	1.208
TCGA-C8-A12P	0	0	0	0.034	0.233	0.253	0.154	0	0.005	0.195	0.115	0.012	0	0.000	0.282	1.073
TCGA-C8-A12Q	0	0	0	0	0.145	0.377	0	0	0.227	0.251	0	0	0	0.000	0.197	1.152
TCGA-C8-A12T	0.179	0	0	0.144	0.086	0.246	0	0	0	0.206	0.062	0.077	0	0.000	0.115	1.184
TCGA-C8-A12U	0.12	0.078	0.125	0.121	0	0.112	0	0	0	0	0.364	0	0.079	0.000	0.238	1.114
TCGA-C8-A12V	0	0	0	0.15	0	0	0	0	0.016	0	0.644	0	0.19	0.000	0.257	1.167
TCGA-C8-A12W	0.089	0	0	0.149	0	0.194	0	0	0.009	0.258	0.213	0.088	0	0.000	0.112	1.176
TCGA-C8-A12X	0.187	0.323	0	0.052	0	0.145	0.022	0	0	0.114	0.157	0	0	0.000	0.353	1.035
TCGA-C8-A12Y	0.151	0.264	0	0.183	0.026	0.067	0.034	0.089	0	0.144	0.044	0	0	0.000	0.330	1.049
TCGA-C8-A12Z	0.039	0	0	0.043	0.185	0.401	0.03	0	0.124	0	0	0.073	0.045	0.000	0.416	0.992
TCGA-C8-A130	0	0	0.053	0.123	0	0.421	0	0	0	0.062	0.116	0.117	0.109	0.000	0.195	1.141
TCGA-C8-A131	0.054	0	0	0	0.176	0.055	0.03	0.231	0.045	0.141	0.069	0.2	0	0.000	0.150	1.165
TCGA-C8-A132	0	0	0.382	0	0.235	0	0.016	0.033	0	0.086	0.249	0	0	0.000	0.134	1.202
TCGA-C8-A133	0.58	0.231	0	0.125	0	0.05	0	0	0	0.008	0.007	0	0	0.000	0.540	0.921
TCGA-C8-A134	0.072	0	0	0.222	0	0	0.014	0	0	0.111	0.186	0.122	0.272	0.000	0.132	1.191
TCGA-C8-A135	0	0	0.102	0	0.022	0.286	0.069	0.093	0.199	0.161	0	0.069	0	0.000	0.299	1.069
TCGA-C8-A137	0.241	0	0	0.075	0.09	0.445	0	0	0.074	0.046	0	0	0.028	0.000	0.357	1.041
TCGA-C8-A138	0	0	0.184	0.054	0.184	0.032	0	0.129	0	0.086	0.331	0	0	0.000	0.009	1.276
TCGA-C8-A1HE	0.144	0.215	0	0.097	0	0.374	0	0.162	0	0.004	0.005	0	0	0.000	0.361	1.041
TCGA-C8-A1HF	0.038	0	0	0.227	0	0.21	0	0	0	0.011	0.514	0	0	0.000	0.227	1.137
TCGA-C8-A1HG	0.094	0	0.092	0.307	0.015	0	0	0	0	0	0.487	0	0.006	0.000	0.215	1.165
TCGA-C8-A1HI	0.416	0.147	0	0.021	0	0	0.109	0.155	0	0.076	0	0.041	0.035	0.000	0.332	1.053
TCGA-C8-A1HJ	0.084	0	0	0.157	0.025	0	0.12	0.104	0	0.108	0	0.055	0.348	0.000	0.238	1.125
TCGA-C8-A1HK	0	0	0.014	0.005	0.394	0.402	0.079	0	0.107	0	0	0	0	0.000	0.368	1.040
TCGA-C8-A1HL	0.179	0	0.055	0.094	0.27	0.225	0.088	0.089	0	0	0	0	0	0.000	0.304	1.068
TCGA-C8-A1HM	0	0	0	0.081	0	0.134	0	0	0	0	0.786	0	0	0.000	0.398	1.055

Input Sample	Pearson														P-value	Correlation	RMSE
	BC_01	BC_02	BC_03	BC_03LN	BC_04	BC_05	BC_06	BC_07	BC_07LN	BC_08	BC_09	BC_10	BC_11				
TCGA-C8-A1HN	0.256	0.184	0	0.159	0.059	0.163	0	0	0	0.091	0.053	0.035	0	0.000	0.368	1.023	
TCGA-C8-A1HO	0.03	0.42	0	0.216	0	0.194	0	0	0	0.069	0.071	0	0	0.000	0.368	1.038	
TCGA-C8-A26V	0.231	0.195	0	0.179	0.011	0.016	0	0.04	0	0	0.101	0.081	0.146	0.000	0.267	1.094	
TCGA-C8-A26W	0.042	0	0.291	0.094	0	0.252	0.011	0	0	0.047	0.254	0	0.01	0.000	0.211	1.133	
TCGA-C8-A26X	0	0	0	0	0	0.022	0	0.063	0.432	0	0.468	0	0.015	0.000	0.149	1.236	
TCGA-C8-A26Y	0.166	0	0	0.142	0	0.169	0	0.068	0.353	0	0.003	0	0.099	0.000	0.176	1.175	
TCGA-C8-A26Z	0.152	0.423	0.014	0.108	0	0.181	0	0	0	0.122	0	0	0	0.000	0.427	1.002	
TCGA-C8-A273	0.258	0.113	0	0.046	0	0.188	0	0	0	0.237	0.121	0	0.036	0.000	0.275	1.082	
TCGA-C8-A274	0.093	0.097	0	0.091	0.066	0.467	0	0.143	0	0.043	0	0	0	0.000	0.291	1.091	
TCGA-C8-A275	0	0	0	0.043	0	0.229	0.079	0.161	0.092	0	0.386	0	0	0.000	0.152	1.176	
TCGA-C8-A278	0	0	0.077	0.027	0	0.278	0.083	0	0.215	0	0.319	0	0	0.000	0.124	1.188	
TCGA-C8-A27A	0.197	0.029	0	0.394	0	0.287	0	0	0	0.085	0	0	0.008	0.000	0.209	1.149	
TCGA-C8-A27B	0.022	0	0	0.243	0.087	0	0	0.132	0	0	0.262	0	0.255	0.000	0.192	1.173	
TCGA-C8-A3M7	0.023	0	0.06	0	0	0.354	0	0.131	0.224	0.208	0	0	0	0.000	0.076	1.231	
TCGA-C8-A3M8	0.272	0.345	0.057	0.105	0.058	0	0.031	0.043	0	0.049	0	0.039	0	0.000	0.302	1.092	
TCGA-C8-A8HP	0	0	0.046	0.086	0.097	0.246	0.003	0	0.096	0.031	0.395	0	0	0.000	0.021	1.257	
TCGA-C8-A8HQ	0.1	0	0.061	0.209	0.077	0	0	0.138	0	0.132	0.176	0.108	0	0.000	0.033	1.234	
TCGA-C8-A8HR	0	0	0	0.05	0	0	0	0.045	0	0.381	0.459	0.065	0	0.000	0.057	1.249	
TCGA-D8-A13Y	0.139	0	0	0.244	0.084	0.163	0	0	0	0.182	0	0.182	0.007	0.000	0.103	1.196	
TCGA-D8-A13Z	0.024	0	0	0	0.455	0.013	0.126	0.205	0.007	0	0.124	0	0.045	0.000	0.142	1.197	
TCGA-D8-A140	0.184	0.245	0.197	0.215	0	0	0	0	0	0	0.16	0	0	0.000	0.228	1.140	
TCGA-D8-A141	0.041	0	0.076	0.027	0	0	0	0.198	0.08	0.108	0.47	0	0	0.000	0.057	1.262	
TCGA-D8-A142	0	0	0	0.17	0.014	0.057	0	0	0	0.321	0	0.385	0.052	0.000	0.163	1.178	
TCGA-D8-A143	0.107	0	0	0.085	0.115	0.179	0.024	0	0.201	0	0.097	0.085	0.108	0.000	0.100	1.198	
TCGA-D8-A145	0.246	0	0	0.19	0	0.006	0.109	0	0.251	0.198	0	0	0	0.000	-0.003	1.271	
TCGA-D8-A146	0.281	0.026	0	0.04	0	0.03	0.106	0.154	0.136	0.226	0	0	0	0.000	0.025	1.245	
TCGA-D8-A147	0	0	0	0.088	0	0.08	0.085	0	0	0.308	0.073	0.017	0.349	0.000	0.115	1.214	
TCGA-D8-A1J8	0.164	0	0.018	0	0.174	0	0	0.234	0	0	0.411	0	0	0.000	0.218	1.138	
TCGA-D8-A1J9	0.045	0	0	0	0.176	0.425	0.127	0.107	0.107	0	0.014	0	0	0.000	0.271	1.100	
TCGA-D8-A1JA	0.124	0	0	0	0.561	0.12	0	0.153	0	0.041	0	0	0	0.000	0.265	1.120	
TCGA-D8-A1JB	0.028	0	0.325	0	0	0	0.1	0.007	0.048	0	0.493	0	0	0.000	0.141	1.213	
TCGA-D8-A1JC	0.131	0.227	0	0.099	0	0.172	0	0	0	0.165	0.205	0	0	0.000	0.187	1.139	
TCGA-D8-A1JD	0.161	0	0	0.26	0	0.191	0	0	0	0.223	0.141	0.025	0	0.000	0.112	1.183	
TCGA-D8-A1JE	0.223	0.234	0	0.198	0	0.082	0	0.042	0	0.11	0.11	0	0	0.000	0.187	1.150	
TCGA-D8-A1JF	0.027	0	0.002	0	0	0.246	0.067	0.093	0.31	0.19	0.064	0	0	0.000	0.194	1.146	
TCGA-D8-A1JG	0	0	0	0.171	0	0.205	0	0	0.223	0	0.401	0	0	0.000	0.095	1.226	
TCGA-D8-A1JH	0.245	0.169	0	0.078	0	0	0	0.174	0	0.241	0.094	0	0	0.000	0.022	1.248	
TCGA-D8-A1JI	0.305	0.231	0.086	0.141	0	0.084	0	0.012	0	0.002	0	0.14	0	0.000	0.280	1.103	
TCGA-D8-A1JJ	0.163	0	0	0.14	0.139	0.107	0	0	0.003	0.237	0.102	0.11	0	0.000	0.255	1.085	
TCGA-D8-A1JK	0.013	0	0	0	0.178	0	0	0.28	0.032	0.024	0.413	0	0.059	0.000	0.158	1.206	
TCGA-D8-A1JL	0	0	0.016	0.078	0	0	0	0.039	0	0.173	0.421	0.129	0.145	0.000	0.133	1.199	
TCGA-D8-A1JM	0.157	0	0	0.154	0.056	0.114	0.022	0	0	0	0.087	0.115	0.297	0.000	0.126	1.191	
TCGA-D8-A1JN	0.012	0.005	0	0	0	0.507	0	0.179	0.231	0.067	0	0	0	0.000	0.334	1.066	
TCGA-D8-A1JP	0.08	0	0	0.236	0	0.127	0	0.073	0	0.213	0.115	0.154	0	0.000	0.108	1.182	
TCGA-D8-A1JS	0.187	0.238	0	0.068	0.028	0.3	0	0.088	0.043	0	0	0.048	0	0.000	0.397	1.010	
TCGA-D8-A1JT	0.142	0.274	0.004	0.158	0	0.126	0	0.031	0	0.089	0.109	0.067	0	0.000	0.374	1.013	
TCGA-D8-A1JU	0.131	0	0.1	0	0	0.007	0	0.226	0	0.267	0.246	0.024	0	1.000	-0.061	1.292	
TCGA-D8-A1X5	0.179	0.163	0	0.114	0	0.292	0	0	0	0.081	0.088	0.083	0	0.000	0.290	1.077	
TCGA-D8-A1X6	0.117	0.221	0.024	0.07	0	0.216	0.049	0	0	0.055	0.14	0.109	0	0.000	0.267	1.086	
TCGA-D8-A1X7	0.25	0.287	0	0.031	0	0.139	0	0.066	0.188	0	0.039	0	0	0.000	0.310	1.076	
TCGA-D8-A1X8	0.323	0.092	0.05	0.044	0	0.179	0	0.171	0	0	0.118	0.023	0	0.000	0.239	1.109	
TCGA-D8-A1X9	0.188	0.246	0.003	0.143	0.093	0.031	0	0	0	0.133	0.164	0	0	0.000	0.266	1.089	
TCGA-D8-A1XA	0.319	0.378	0	0.036	0.029	0	0	0	0	0.021	0.09	0.126	0	0.000	0.250	1.130	
TCGA-D8-A1XB	0.28	0.043	0	0.147	0	0.103	0	0.111	0	0.305	0	0.007	0.005	0.000	0.124	1.187	
TCGA-D8-A1XC	0.312	0.27	0	0.024	0.024	0.121	0	0	0.052	0	0.09	0.107	0	0.000	0.286	1.091	
TCGA-D8-A1XD	0.182	0.083	0	0.211	0	0.187	0	0	0	0.243	0	0.058	0.036	0.000	0.191	1.146	
TCGA-D8-A1XF	0.193	0.197	0	0.35	0	0.156	0.026	0	0	0.079	0	0	0	0.000	0.302	1.085	
TCGA-D8-A1XG	0.256	0.377	0	0.108	0	0.081	0	0	0	0.082	0	0.049	0.047	0.000	0.325	1.082	
TCGA-D8-A1XJ	0.068	0	0	0.068	0.08	0.462	0.068	0	0.029	0.225	0	0	0	0.000	0.278	1.094	
TCGA-D8-A1XK	0	0	0	0.145	0.083	0.002	0	0	0	0	0.234	0.107	0.429	0.000	0.234	1.149	
TCGA-D8-A1XL	0.038	0	0.09	0.203	0	0	0.068	0.011	0	0.036	0.554	0	0	0.000	0.331	1.077	
TCGA-D8-A1XM	0.148	0	0	0.141	0	0.046	0	0.173	0	0.185	0.307	0	0	0.000	0.011	1.248	
TCGA-D8-A1XO	0.027	0.014	0	0.181	0	0.288	0	0.184	0	0.214	0.075	0.014	0.002	0.000	0.189	1.138	
TCGA-D8-A1XQ	0	0	0	0.206	0.058	0	0	0	0	0.097	0.298	0.285	0.056	0.000	0.147	1.174	

Input Sample	Pearson													P-value	Correlation	RMSE
	BC_01	BC_02	BC_03	BC_03LN	BC_04	BC_05	BC_06	BC_07	BC_07LN	BC_08	BC_09	BC_10	BC_11			
TCGA-D8-A1XR	0.196	0.18	0	0.122	0	0.285	0	0.089	0.045	0.083	0	0	0	0.000	0.249	1.116
TCGA-D8-A1XS	0.23	0.054	0.112	0.093	0.018	0.186	0	0	0	0.177	0.084	0.046	0	0.000	0.249	1.097
TCGA-D8-A1XT	0.016	0	0	0.074	0.165	0.203	0	0	0	0.3	0.228	0	0.013	0.000	0.235	1.103
TCGA-D8-A1XU	0.463	0.181	0	0.023	0	0.036	0	0.143	0	0.107	0	0.047	0	0.000	0.325	1.071
TCGA-D8-A1XV	0.329	0.22	0	0.072	0.01	0.102	0	0.033	0.032	0	0.041	0.161	0	0.000	0.297	1.081
TCGA-D8-A1XW	0.074	0	0	0	0	0	0	0.062	0.064	0.177	0.078	0.496	0.049	0.000	0.220	1.137
TCGA-D8-A1XY	0.061	0.116	0.091	0	0.099	0.207	0	0.009	0	0.401	0	0	0.016	0.000	0.255	1.107
TCGA-D8-A1XZ	0.24	0	0.1	0.239	0	0.007	0	0	0	0.149	0.168	0.098	0	0.000	0.167	1.151
TCGA-D8-A1Y0	0.179	0	0.013	0.295	0	0.022	0	0.141	0	0.072	0.277	0	0	0.000	0.067	1.227
TCGA-D8-A1Y1	0.116	0	0	0.044	0.01	0.062	0	0.106	0	0.457	0.063	0.143	0	0.000	0.192	1.143
TCGA-D8-A1Y2	0.078	0	0	0	0	0	0.053	0.036	0	0.141	0.589	0.103	0	0.000	0.178	1.172
TCGA-D8-A1Y3	0.134	0	0	0.22	0	0.28	0	0	0	0	0.299	0.035	0.032	0.000	0.225	1.114
TCGA-D8-A27E	0.455	0.201	0	0.016	0	0.152	0	0.052	0	0	0.125	0	0	0.000	0.307	1.085
TCGA-D8-A27F	0.031	0	0	0.217	0	0	0	0.027	0	0.294	0	0.21	0.222	0.000	0.150	1.186
TCGA-D8-A27G	0	0.058	0.156	0.074	0	0.337	0	0.15	0	0.042	0.183	0	0	0.000	0.063	1.226
TCGA-D8-A27H	0	0	0	0	0.044	0	0.026	0	0.032	0.547	0	0.127	0.224	0.000	0.247	1.142
TCGA-D8-A27I	0	0	0.305	0.005	0	0	0.119	0.077	0	0.344	0.075	0.075	0	1.000	-0.081	1.311
TCGA-D8-A27K	0.156	0	0	0.077	0	0.112	0.162	0.045	0.153	0.125	0.129	0.041	0	0.000	0.078	1.198
TCGA-D8-A27L	0.081	0	0	0	0	0.207	0	0.177	0	0.406	0.129	0	0	1.000	-0.081	1.306
TCGA-D8-A27M	0	0	0	0.261	0	0	0.07	0	0.088	0.109	0.33	0.137	0.004	0.000	0.065	1.232
TCGA-D8-A27N	0.067	0	0.051	0	0.119	0.255	0.006	0.005	0	0.229	0.268	0	0	0.000	0.186	1.131
TCGA-D8-A27P	0.262	0.024	0	0	0	0.424	0	0.093	0.12	0.075	0	0	0	0.000	0.299	1.083
TCGA-D8-A27R	0.121	0.016	0.183	0.048	0	0.105	0.066	0	0	0.253	0.209	0	0	0.000	0.153	1.152
TCGA-D8-A27T	0	0.172	0.046	0	0	0.151	0	0.044	0	0.249	0.336	0	0	0.000	0.066	1.214
TCGA-D8-A27V	0.258	0	0	0	0	0.307	0	0.379	0	0.052	0	0	0.003	0.000	0.230	1.127
TCGA-D8-A27W	0.245	0.061	0.112	0.232	0	0.109	0.049	0	0	0.043	0.149	0	0	0.000	0.222	1.123
TCGA-D8-A3Z5	0.007	0.038	0.009	0	0	0.376	0	0.189	0.05	0.132	0	0.198	0	0.000	0.180	1.157
TCGA-D8-A3Z6	0.074	0.17	0	0.044	0	0.365	0	0.198	0	0.149	0	0	0	0.000	0.251	1.113
TCGA-D8-A4Z1	0.063	0	0.074	0	0	0.165	0	0.24	0.09	0.26	0	0.107	0	0.000	-0.033	1.285
TCGA-D8-A73U	0	0	0.067	0.1	0	0	0	0.018	0.071	0	0.744	0	0	0.000	0.121	1.283
TCGA-D8-A73W	0.027	0.31	0	0	0	0.253	0	0.025	0.107	0.103	0.175	0	0	0.000	0.141	1.177
TCGA-D8-A73X	0	0.158	0	0.142	0	0.378	0	0.094	0	0.199	0	0.028	0	0.000	0.141	1.187
TCGA-E2-A105	0.097	0.217	0	0.174	0.014	0.213	0.084	0	0	0.184	0.016	0	0	0.000	0.278	1.090
TCGA-E2-A106	0.287	0.362	0	0.113	0.019	0.094	0	0.035	0.026	0.064	0	0	0	0.000	0.341	1.069
TCGA-E2-A107	0	0.107	0.103	0.154	0.064	0.333	0	0	0	0.127	0	0.113	0	0.000	0.242	1.115
TCGA-E2-A108	0	0	0.173	0	0	0	0	0.201	0	0.085	0.541	0	0	0.000	0.046	1.288
TCGA-E2-A109	0.159	0.167	0.121	0.22	0	0.193	0	0	0	0.13	0.01	0	0	0.000	0.243	1.122
TCGA-E2-A10A	0.078	0.581	0	0.264	0.073	0.205	0	0	0	0	0	0	0	0.000	0.341	1.069
TCGA-E2-A10B	0.244	0.165	0.118	0.132	0	0.108	0	0	0	0.157	0.037	0.039	0	0.000	0.159	1.174
TCGA-E2-A10C	0	0.044	0.279	0	0	0.275	0.036	0.104	0	0.075	0.185	0	0	0.000	0.195	1.138
TCGA-E2-A10E	0.195	0.151	0	0.176	0	0.263	0	0.131	0	0.042	0.042	0	0	0.000	0.345	1.039
TCGA-E2-A10F	0.224	0.021	0.027	0.08	0	0	0	0.051	0	0.359	0.225	0.014	0	0.000	0.088	1.197
TCGA-E2-A14N	0.097	0	0	0.262	0.028	0.021	0.065	0.116	0	0.025	0.067	0.075	0.245	0.000	0.224	1.128
TCGA-E2-A14O	0.167	0.335	0	0.14	0	0.165	0	0	0	0.024	0.081	0.087	0	0.000	0.379	1.021
TCGA-E2-A14P	0.085	0	0.073	0.032	0.139	0.257	0.116	0	0.1	0.079	0.109	0	0.009	0.000	0.321	1.042
TCGA-E2-A14Q	0.285	0.113	0.071	0.09	0	0.17	0	0.031	0	0.207	0.004	0	0.027	0.000	0.251	1.112
TCGA-E2-A14R	0	0	0	0.204	0	0.115	0.039	0	0	0.093	0.247	0.171	0.13	0.000	0.183	1.143
TCGA-E2-A14S	0.275	0.117	0.039	0.073	0	0.341	0	0	0	0	0.145	0.01	0	0.000	0.246	1.114
TCGA-E2-A14T	0.287	0.228	0.015	0.102	0	0.191	0	0	0	0.053	0.097	0.026	0	0.000	0.244	1.120
TCGA-E2-A14U	0.082	0.169	0.036	0	0	0.299	0.019	0.098	0	0.108	0	0.188	0	0.000	0.181	1.156
TCGA-E2-A14V	0.111	0	0.139	0.061	0.18	0.215	0.043	0	0	0.249	0	0	0	0.000	0.339	1.038
TCGA-E2-A14W	0.269	0.203	0	0.067	0.031	0.145	0	0	0	0.178	0	0.107	0	0.000	0.357	1.039
TCGA-E2-A14X	0	0	0.001	0.221	0	0	0.152	0	0.26	0.011	0.097	0.22	0.037	0.000	0.141	1.188
TCGA-E2-A14Y	0.064	0	0	0.038	0.259	0.115	0.139	0.031	0	0.087	0	0.028	0.238	0.000	0.264	1.097
TCGA-E2-A14Z	0	0	0.066	0.232	0	0.068	0	0.105	0	0.113	0.415	0	0	0.000	0.101	1.223
TCGA-E2-A150	0.091	0	0	0.021	0	0.007	0.019	0.104	0	0.257	0.081	0.228	0.192	0.000	0.224	1.125
TCGA-E2-A152	0.043	0	0	0.021	0.167	0.353	0	0.103	0	0.173	0	0.141	0	0.000	0.263	1.097
TCGA-E2-A153	0	0	0	0	0	0.105	0	0.153	0.306	0.198	0	0.111	0.127	0.000	0.089	1.237
TCGA-E2-A154	0.2	0.223	0	0.05	0	0.29	0	0	0	0.167	0	0.069	0	0.000	0.325	1.069
TCGA-E2-A155	0.313	0.096	0.035	0.198	0.005	0.299	0	0	0	0.054	0	0	0	0.000	0.318	1.077
TCGA-E2-A156	0.212	0.324	0	0.181	0	0.179	0	0.036	0	0	0	0.069	0	0.000	0.342	1.062
TCGA-E2-A158	0	0	0.037	0.166	0	0.188	0.039	0	0	0.273	0	0.18	0.117	0.000	0.171	1.158
TCGA-E2-A159	0.029	0	0	0.031	0	0.128	0	0.13	0.087	0	0.595	0	0	0.000	0.123	1.230
TCGA-E2-A15A	0	0.091	0.161	0.118	0.003	0.164	0	0	0	0.133	0.329	0	0	0.000	0.191	1.140



Input Sample	Pearson													P-value	Correlation	RMSE
	BC_01	BC_02	BC_03	BC_03LN	BC_04	BC_05	BC_06	BC_07	BC_07LN	BC_08	BC_09	BC_10	BC_11			
TCGA-E2-A15A.1	0	0.091	0.161	0.118	0.003	0.164	0	0	0	0.133	0.329	0	0	0.000	0.191	1.140
TCGA-E2-A15C	0	0.225	0.072	0.194	0	0.163	0	0	0	0.195	0	0.151	0	0.000	0.173	1.162
TCGA-E2-A15D	0.064	0.022	0.109	0.114	0.183	0.122	0	0	0	0.259	0	0.129	0	0.000	0.101	1.198
TCGA-E2-A15E	0.109	0.057	0	0	0	0.398	0	0.117	0.092	0.226	0	0.002	0	0.000	0.171	1.166
TCGA-E2-A15E.1	0.109	0.057	0	0	0	0.398	0	0.117	0.092	0.226	0	0.002	0	0.000	0.171	1.166
TCGA-E2-A15F	0.271	0.302	0	0.202	0	0.058	0.009	0	0	0.158	0	0	0	0.000	0.264	1.121
TCGA-E2-A15G	0.214	0.34	0	0.068	0	0.254	0	0.037	0	0	0	0.086	0	0.000	0.373	1.044
TCGA-E2-A15H	0.254	0	0	0.155	0.081	0.289	0.013	0.014	0	0.194	0	0	0	0.000	0.425	0.976
TCGA-E2-A15I	0.211	0	0.143	0	0	0.172	0.041	0.254	0	0.031	0.148	0	0	0.000	0.112	1.186
TCGA-E2-A15J	0.148	0.114	0	0.195	0.07	0.267	0	0.04	0	0.094	0	0.072	0	0.000	0.358	1.027
TCGA-E2-A15K	0	0	0.098	0.193	0	0.155	0.203	0.047	0.055	0	0.249	0	0	0.000	0.160	1.165
TCGA-E2-A15K.1	0	0	0.098	0.193	0	0.155	0.203	0.047	0.055	0	0.249	0	0	0.000	0.160	1.165
TCGA-E2-A15L	0.101	0.072	0	0.123	0	0.4	0	0.021	0.064	0.205	0	0	0.014	0.000	0.300	1.076
TCGA-E2-A15M	0.034	0	0.218	0.054	0	0	0.108	0.138	0.005	0.069	0.374	0	0	0.000	0.083	1.227
TCGA-E2-A15O	0.058	0.313	0	0.308	0.064	0.158	0	0	0	0	0	0.098	0	0.000	0.254	1.121
TCGA-E2-A15P	0.342	0.178	0	0.088	0	0.199	0	0.021	0	0.172	0	0	0	0.000	0.354	1.049
TCGA-E2-A15R	0.227	0.267	0.038	0.15	0	0.14	0	0	0	0.079	0	0.1	0	0.000	0.279	1.102
TCGA-E2-A15S	0.164	0.222	0	0.143	0.051	0.34	0	0	0	0.081	0	0	0	0.000	0.274	1.110
TCGA-E2-A15T	0.316	0.272	0	0.187	0.027	0.17	0	0	0.018	0	0	0.01	0	0.000	0.306	1.096
TCGA-E2-A1AZ	0	0	0.027	0.282	0	0	0.096	0	0	0.152	0.347	0	0.095	0.000	0.143	1.190
TCGA-E2-A1B0	0.038	0	0	0	0.239	0.092	0.071	0.171	0.178	0.139	0.072	0	0	0.000	0.220	1.126
TCGA-E2-A1B1	0.028	0	0	0	0.032	0.09	0.133	0.285	0	0.076	0.299	0	0.056	0.000	0.069	1.224
TCGA-E2-A1B4	0.009	0.282	0	0.106	0	0.351	0	0.129	0	0.063	0	0.06	0	0.000	0.375	1.026
TCGA-E2-A1B5	0.028	0	0.244	0.013	0	0	0.237	0.165	0.056	0	0.257	0	0	0.000	0.140	1.185
TCGA-E2-A1B6	0	0	0.079	0.181	0	0	0.129	0	0.177	0	0.433	0	0	0.000	0.208	1.164
TCGA-E2-A1BC	0	0	0.124	0	0.071	0	0	0	0.049	0.362	0.098	0.222	0.075	0.000	0.064	1.229
TCGA-E2-A1BD	0	0.264	0	0.027	0	0.44	0	0	0.064	0.17	0	0.035	0	0.000	0.332	1.068
TCGA-E2-A1E	0.181	0.434	0	0.046	0.02	0.257	0	0	0	0.062	0	0	0	0.000	0.417	1.021
TCGA-E2-A1F	0.264	0	0.086	0	0.011	0.048	0	0.27	0	0.299	0	0.022	0	0.000	0.142	1.173
TCGA-E2-A1G	0.151	0.246	0	0	0.066	0	0	0	0	0.498	0.039	0	0	0.000	0.255	1.120
TCGA-E2-A1IH	0	0	0.41	0.006	0	0	0.032	0.154	0	0.036	0.348	0.014	0	0.000	0.110	1.231
TCGA-E2-A1I	0	0	0	0.313	0	0	0.025	0.049	0	0	0.564	0	0.048	0.000	0.274	1.141
TCGA-E2-A1J	0	0	0.197	0	0	0.041	0	0.343	0.011	0.243	0.166	0	0	1.000	-0.087	1.330
TCGA-E2-A1K	0.339	0.07	0	0.101	0	0.102	0	0.083	0	0	0.306	0	0	0.000	0.202	1.129
TCGA-E2-A1L	0	0.171	0	0	0	0.347	0	0.157	0.075	0.102	0.054	0	0.094	0.000	0.186	1.154
TCGA-E2-A1LN	0.17	0.208	0	0.127	0	0.06	0	0.065	0	0.233	0	0.136	0	0.000	0.237	1.115
TCGA-E2-A1O	0.035	0	0.344	0	0.003	0.048	0	0.099	0	0.373	0.097	0	0	0.000	0.014	1.259
TCGA-E2-A1U	0.242	0.394	0	0.11	0	0.154	0.052	0	0.049	0	0	0	0	0.000	0.360	1.059
TCGA-E2-A1L6	0.196	0.224	0	0.186	0	0.117	0	0.103	0	0.174	0	0	0	0.000	0.304	1.072
TCGA-E2-A1L7	0	0.023	0.016	0	0	0	0	0.156	0	0.212	0.235	0.252	0.105	0.000	0.094	1.211
TCGA-E2-A1L8	0.163	0.164	0.075	0.085	0.027	0	0	0.247	0	0.2	0	0.04	0	0.000	0.218	1.125
TCGA-E2-A1L9	0.186	0.122	0	0.054	0.057	0.003	0	0	0.047	0.229	0.134	0.168	0	0.000	0.163	1.148
TCGA-E2-A1LA	0.124	0.167	0.012	0.106	0.047	0	0	0.124	0	0	0.42	0	0	0.000	0.195	1.149
TCGA-E2-A1LB	0.068	0	0	0	0.095	0.371	0	0.091	0.3	0.075	0	0	0	0.000	0.282	1.095
TCGA-E2-A1LE	0	0	0.216	0	0	0.209	0	0.095	0.13	0.171	0.178	0	0	0.000	0.052	1.229
TCGA-E2-A1LG	0.04	0	0	0.207	0.016	0.124	0.173	0.126	0.064	0.004	0	0.095	0.151	0.000	0.134	1.184
TCGA-E2-A1LH	0	0	0	0	0	0.138	0	0.247	0.121	0.122	0	0.327	0.046	0.000	0.162	1.176
TCGA-E2-A1LI	0	0	0	0.357	0	0	0.014	0	0.086	0.03	0.025	0.288	0.202	0.000	0.206	1.153
TCGA-E2-A1LK	0	0	0	0	0.076	0.072	0.101	0	0	0.24	0	0.285	0.225	0.000	0.256	1.115
TCGA-E2-A1LL	0.101	0	0	0.129	0.197	0.004	0	0	0.082	0.115	0	0.193	0.177	0.000	0.248	1.106
TCGA-E2-A1LS	0	0	0.112	0	0.038	0	0	0	0	0.391	0	0.278	0.182	0.000	0.144	1.199
TCGA-E2-A2P5	0.15	0	0	0.141	0	0.327	0	0.008	0	0.148	0.007	0.218	0	0.000	0.233	1.117
TCGA-E2-A2P6	0	0.362	0	0.203	0	0.344	0	0.073	0	0	0	0.018	0	0.000	0.226	1.154
TCGA-E2-A3DX	0.062	0	0	0.12	0	0	0.106	0.119	0.094	0.157	0.341	0	0	1.000	-0.079	1.314
TCGA-E2-A56Z	0.128	0.532	0.01	0.061	0.088	0.076	0.007	0	0	0.036	0.061	0	0	0.000	0.381	1.043
TCGA-E2-A570	0.21	0.076	0.005	0.083	0	0.087	0	0	0	0.327	0	0.211	0	0.000	0.179	1.157
TCGA-E2-A572	0.23	0.245	0	0.126	0	0.131	0	0	0	0.146	0.123	0	0	0.000	0.345	1.038
TCGA-E2-A573	0	0	0.018	0.113	0	0	0	0.011	0.072	0.088	0.37	0.109	0.218	0.000	0.147	1.195
TCGA-E2-A574	0.099	0	0	0.13	0.136	0.027	0.076	0	0	0.217	0	0.149	0.167	0.000	0.166	1.159
TCGA-E2-A576	0.05	0.134	0.082	0.065	0	0.296	0	0	0	0.219	0.091	0.064	0	0.000	0.175	1.150
TCGA-E2-A9RU	0.056	0.04	0	0.188	0.046	0.141	0	0.004	0	0.236	0.209	0.081	0	0.000	0.270	1.074
TCGA-E9-A1N3	0.447	0.296	0	0.066	0	0.148	0	0	0	0.043	0	0	0	0.000	0.398	1.042
TCGA-E9-A1N4	0.215	0	0	0.204	0	0.048	0	0.144	0	0.178	0.211	0	0	0.000	0.100	1.189
TCGA-E9-A1N5	0.085	0	0	0.175	0	0.152	0	0	0	0.238	0	0.164	0.187	0.000	0.091	1.213

Input Sample	bc_01	bc_02	bc_03	bc_03LN	bc_04	bc_05	bc_06	bc_07	bc_07LN	bc_08	bc_09	bc_10	bc_11	P-value	Pearson	
															Correlation	RMSE
TCGA-E9-A1N6	0.156	0	0	0.076	0	0.254	0	0	0	0.373	0.069	0.018	0.054	0.000	0.249	1.102
TCGA-E9-A1N8	0.008	0	0	0.128	0.094	0.129	0	0	0.062	0.206	0	0.184	0.189	0.000	0.242	1.113
TCGA-E9-A1N9	0.122	0	0.161	0.188	0	0.272	0	0.04	0	0.13	0.028	0	0.058	0.000	0.190	1.147
TCGA-E9-A1NA	0.02	0.159	0	0.257	0	0	0	0.092	0	0.333	0.093	0.046	0	0.000	0.195	1.139
TCGA-E9-A1NC	0	0	0.024	0	0	0	0.049	0	0.01	0.328	0.285	0.187	0.118	0.000	0.098	1.210
TCGA-E9-A1ND	0	0	0	0.063	0.009	0	0	0.122	0	0	0.588	0.119	0.099	0.000	0.245	1.154
TCGA-E9-A1NE	0	0	0.313	0.047	0	0	0	0	0	0	0.621	0	0.018	0.000	0.239	1.176
TCGA-E9-A1NF	0	0	0.035	0	0	0	0	0	0	0.452	0.214	0.232	0.068	0.000	-0.010	1.287
TCGA-E9-A1NG	0	0	0.14	0	0	0	0	0.132	0	0.387	0.153	0.135	0.053	0.000	0.020	1.255
TCGA-E9-A1NH	0.114	0.105	0	0.132	0	0.225	0	0.129	0	0.207	0.016	0.073	0	0.000	0.181	1.145
TCGA-E9-A1NI	0.153	0.291	0	0.131	0	0.028	0	0	0	0.263	0	0.135	0	0.000	0.349	1.044
TCGA-E9-A1OZ	0.017	0	0.375	0.175	0	0	0.013	0	0	0.094	0.325	0	0	0.000	0.105	1.235
TCGA-E9-A1R0	0.187	0.086	0.336	0.106	0	0.092	0	0	0.046	0.149	0	0	0	0.000	0.033	1.267
TCGA-E9-A1R2	0.133	0.018	0.192	0.027	0	0.226	0	0	0	0.289	0.107	0	0.007	0.000	0.207	1.125
TCGA-E9-A1R3	0.137	0.16	0	0.176	0.064	0	0	0.197	0	0.217	0	0.048	0	0.000	0.151	1.168
TCGA-E9-A1R4	0.041	0.132	0.104	0.098	0	0.148	0	0.022	0	0.01	0.444	0	0	0.000	0.170	1.164
TCGA-E9-A1R5	0.224	0.136	0	0.167	0	0.13	0	0	0	0.3	0	0.043	0.001	0.000	0.318	1.062
TCGA-E9-A1R6	0.176	0.388	0	0.158	0	0.145	0	0	0	0.132	0	0	0	0.000	0.369	1.046
TCGA-E9-A1R7	0.171	0.096	0.035	0.054	0.014	0.389	0.034	0	0	0.185	0	0	0.022	0.000	0.304	1.079
TCGA-E9-A1RA	0.244	0.027	0	0.188	0	0.137	0	0.088	0.031	0.285	0	0	0	0.000	0.145	1.172
TCGA-E9-A1RB	0.05	0.092	0	0.232	0	0.158	0	0.056	0	0.106	0.034	0.077	0.196	0.000	0.238	1.113
TCGA-E9-A1RC	0	0	0.004	0	0	0	0	0	0	0.493	0.254	0.189	0.061	0.000	0.016	1.275
TCGA-E9-A1RD	0.192	0.329	0	0.085	0	0.189	0	0.162	0	0.044	0	0	0	0.000	0.337	1.061
TCGA-E9-A1RE	0.198	0.177	0.187	0.19	0	0.199	0	0	0	0.017	0	0.032	0	0.000	0.322	1.074
TCGA-E9-A1RF	0.197	0	0	0.07	0.142	0	0	0.042	0	0.105	0.444	0	0	0.000	0.257	1.098
TCGA-E9-A1RG	0.237	0.169	0	0.161	0	0.036	0	0	0	0.088	0.161	0.148	0	0.000	0.163	1.153
TCGA-E9-A1RH	0.026	0	0	0.143	0.073	0	0	0	0.219	0.242	0	0	0.296	0.000	0.196	1.168
TCGA-E9-A1RI	0.398	0	0.142	0	0	0.092	0	0.028	0	0.313	0.027	0	0	0.000	0.203	1.144
TCGA-E9-A226	0.138	0	0.07	0.043	0	0.208	0	0.174	0	0.367	0	0	0	0.000	0.261	1.093
TCGA-E9-A227	0.254	0	0.129	0	0	0.123	0	0.105	0	0.022	0.367	0	0	0.000	0.130	1.176
TCGA-E9-A228	0.168	0.23	0	0.212	0.029	0.308	0	0	0	0.053	0	0	0	0.000	0.342	1.060
TCGA-E9-A229	0	0.042	0	0.111	0	0.156	0	0	0	0.421	0.263	0	0.007	0.000	0.113	1.188
TCGA-E9-A22A	0.043	0	0.166	0.023	0	0	0	0.096	0	0.236	0.432	0	0.004	0.000	0.150	1.181
TCGA-E9-A22B	0.127	0.436	0.146	0.04	0	0	0	0	0	0.23	0.022	0	0	0.000	0.418	1.005
TCGA-E9-A22D	0	0	0	0.158	0.061	0.029	0.033	0	0	0	0.719	0	0	0.000	0.335	1.106
TCGA-E9-A22E	0.024	0	0.072	0	0.038	0.001	0	0	0.015	0.582	0.24	0	0.029	0.000	0.198	1.151
TCGA-E9-A22G	0.034	0	0	0.181	0.031	0.092	0.098	0	0	0.082	0.002	0.125	0.356	0.000	0.232	1.131
TCGA-E9-A22H	0.175	0.221	0	0.185	0	0.268	0	0.008	0	0	0.125	0	0.019	0.000	0.317	1.064
TCGA-E9-A243	0	0	0	0.149	0	0	0.208	0.075	0	0	0.561	0	0.007	0.000	0.127	1.226
TCGA-E9-A244	0.082	0	0	0.037	0	0.006	0.078	0	0	0.318	0	0.207	0.271	0.000	0.285	1.097
TCGA-E9-A245	0.438	0.183	0	0.104	0	0.112	0	0	0.056	0.04	0.012	0.055	0	0.000	0.190	1.174
TCGA-E9-A247	0.135	0.369	0	0.057	0	0.181	0.061	0	0	0.169	0.047	0.042	0	0.000	0.311	1.071
TCGA-E9-A248	0	0	0	0.146	0.106	0	0.282	0	0.078	0	0.377	0	0.01	0.000	0.160	1.176
TCGA-E9-A249	0.127	0.179	0	0.162	0.051	0.304	0	0.08	0.04	0	0.033	0.023	0	0.000	0.269	1.098
TCGA-E9-A24A	0.184	0.245	0	0.03	0.025	0.071	0	0.108	0.049	0	0.178	0.109	0	0.000	0.244	1.099
TCGA-E9-A295	0.204	0	0.25	0	0	0.089	0.024	0.076	0	0.267	0	0.09	0	0.000	0.135	1.176
TCGA-E9-A2J5	0.045	0.21	0.082	0.063	0	0.313	0	0	0	0.203	0.082	0	0.003	0.000	0.313	1.062
TCGA-E9-A2JT	0	0	0.153	0.255	0	0	0.158	0	0.163	0	0.27	0	0	0.000	0.132	1.211
TCGA-E9-A3HO	0.002	0	0.098	0.06	0	0.419	0	0	0	0.12	0.301	0	0	0.000	0.139	1.172
TCGA-E9-A3O9	0.074	0.398	0	0	0	0	0	0.059	0	0	0.278	0.191	0	0.000	0.087	1.214
TCGA-E9-A3QA	0	0	0	0.314	0	0	0.035	0	0	0.009	0.438	0.039	0.166	0.000	0.147	1.214
TCGA-E9-A3X8	0.025	0	0.238	0	0	0.094	0	0.098	0	0.065	0.301	0.18	0	0.000	0.063	1.218
TCGA-E9-A54X	0.282	0.238	0	0.164	0.096	0.16	0	0	0	0	0	0.06	0	0.000	0.399	1.013
TCGA-E9-A54Y	0.146	0.135	0	0.192	0	0.327	0	0	0.017	0	0.086	0.097	0	0.000	0.327	1.051
TCGA-E9-A5FK	0	0	0.298	0	0	0.002	0.003	0.131	0.01	0.043	0.513	0	0	0.000	0.137	1.227
TCGA-E9-A5FL	0.082	0	0	0.048	0.203	0	0.083	0.119	0	0.292	0	0.049	0.124	0.000	0.054	1.232
TCGA-E9-A5UO	0.215	0.358	0	0.105	0.084	0.188	0	0	0	0.049	0	0	0.002	0.000	0.412	1.012
TCGA-E9-A5UP	0.013	0.426	0	0.022	0.182	0.129	0	0	0.047	0.159	0.022	0	0	0.000	0.209	1.155
TCGA-E9-A6HE	0.065	0.112	0	0.076	0.18	0.038	0	0	0	0.175	0.112	0.242	0	0.000	0.246	1.095
TCGA-EW-A1IW	0.175	0	0.081	0.173	0.052	0.269	0	0	0	0.25	0	0	0	0.000	0.219	1.127
TCGA-EW-A1IX	0.073	0.221	0	0.031	0	0	0	0.129	0	0.479	0.067	0	0	0.000	0.100	1.214
TCGA-EW-A1IY	0.151	0	0	0.132	0.011	0	0	0.249	0.018	0	0.327	0	0.112	0.000	0.098	1.221
TCGA-EW-A1IZ	0.043	0	0.202	0.144	0	0	0	0	0.074	0	0.536	0	0	0.000	0.166	1.209
TCGA-EW-A1J1	0.399	0.285	0.097	0.015	0	0	0	0.049	0	0	0.154	0	0	0.000	0.361	1.043

Input Sample	Pearson														P-value	Correlation	RMSE
	BC_01	BC_02	BC_03	BC_03LN	BC_04	BC_05	BC_06	BC_07	BC_07LN	BC_08	BC_09	BC_10	BC_11				
TCGA-EW-A1J2	0.077	0.078	0	0	0.078	0	0	0.187	0	0.374	0.135	0.071	0	0.000	0.097	1.199	
TCGA-EW-A1J3	0	0.091	0	0.141	0.136	0.479	0.048	0.105	0	0	0	0	0	0.000	0.395	1.012	
TCGA-EW-A1J5	0.054	0.074	0.19	0.117	0	0.137	0	0	0	0	0.428	0	0	0.000	0.187	1.159	
TCGA-EW-A1J6	0.176	0.217	0.067	0.195	0	0	0	0.027	0	0	0.318	0	0	0.000	0.233	1.122	
TCGA-EW-A1OV	0	0	0.043	0.252	0	0	0.097	0	0.041	0	0.567	0	0	0.000	0.144	1.228	
TCGA-EW-A1OW	0	0	0	0.052	0	0.017	0	0	0.087	0.254	0	0.226	0.365	0.000	0.275	1.118	
TCGA-EW-A1OX	0.318	0.319	0	0.101	0.049	0.123	0	0	0	0.089	0	0.001	0	0.000	0.367	1.050	
TCGA-EW-A1OY	0.375	0.133	0	0.202	0	0.096	0	0	0	0.116	0.061	0.017	0	0.000	0.392	1.008	
TCGA-EW-A1OZ	0.086	0	0	0.14	0.143	0.323	0.082	0	0	0.144	0.065	0.016	0	0.000	0.316	1.051	
TCGA-EW-A1P0	0.142	0.115	0.001	0.183	0	0.278	0	0	0	0.139	0.142	0	0	0.000	0.245	1.101	
TCGA-EW-A1P1	0.017	0	0.143	0	0.034	0	0	0.286	0	0.3	0.072	0.148	0	0.000	0.070	1.223	
TCGA-EW-A1P3	0.02	0.277	0.055	0.15	0	0.153	0	0.104	0	0.112	0	0.128	0	0.000	0.276	1.089	
TCGA-EW-A1P4	0.074	0	0.003	0	0.223	0	0.069	0.108	0	0	0.272	0	0.25	0.000	0.069	1.239	
TCGA-EW-A1P5	0.151	0.303	0	0.154	0	0.079	0	0.079	0	0.094	0.141	0	0	0.000	0.336	1.043	
TCGA-EW-A1P6	0.234	0	0	0.21	0	0.163	0	0	0	0.202	0.003	0.188	0	0.000	0.245	1.105	
TCGA-EW-A1P7	0	0	0.073	0.043	0	0	0.232	0	0.155	0.137	0.308	0	0.052	0.000	0.039	1.244	
TCGA-EW-A1P8	0.051	0	0	0.237	0	0.029	0.003	0.076	0	0.153	0.079	0.236	0.136	0.000	0.166	1.158	
TCGA-EW-A1PA	0.075	0.261	0.159	0.184	0	0.156	0	0	0	0.1	0	0	0.065	0.000	0.209	1.153	
TCGA-EW-A1PB	0	0	0	0.055	0.006	0.045	0	0	0	0	0.713	0.023	0.151	0.000	0.296	1.138	
TCGA-EW-A1PC	0	0	0	0.17	0.048	0.267	0	0.084	0	0.345	0	0	0.085	0.000	0.243	1.111	
TCGA-EW-A1PD	0.372	0	0	0.074	0.013	0.096	0.076	0.063	0	0.236	0	0.07	0	0.000	0.196	1.140	
TCGA-EW-A1PE	0	0.273	0	0	0	0.22	0	0.021	0.156	0.035	0.296	0	0	0.000	0.186	1.144	
TCGA-EW-A1PF	0.43	0.21	0	0.082	0	0	0.035	0.143	0	0.1	0	0	0	0.000	0.194	1.165	
TCGA-EW-A1PG	0.101	0	0.051	0	0.108	0	0	0.148	0	0.357	0	0.095	0.14	0.000	0.303	1.069	
TCGA-EW-A1PH	0	0	0.063	0.031	0.028	0.051	0.143	0	0	0.13	0.117	0.145	0.291	0.000	0.122	1.194	
TCGA-EW-A2FR	0	0	0	0.092	0.231	0.142	0	0	0	0.437	0	0.098	0	0.000	0.148	1.182	
TCGA-EW-A2FS	0.24	0	0.191	0.281	0	0	0.068	0.11	0	0.087	0.022	0	0	0.000	0.193	1.154	
TCGA-EW-A2FV	0.158	0	0.204	0.11	0	0	0	0.123	0	0.116	0.289	0	0	0.000	0.292	1.073	
TCGA-EW-A2FW	0.271	0.2	0	0.137	0	0.259	0	0	0	0.083	0.051	0	0	0.000	0.330	1.062	
TCGA-EW-A3E8	0	0.018	0.227	0.083	0	0.048	0.169	0.102	0	0.07	0.284	0	0	0.000	-0.018	1.279	
TCGA-EW-A3U0	0	0	0.112	0.148	0	0	0.04	0	0.13	0	0.548	0.021	0	0.000	0.123	1.239	
TCGA-EW-A423	0.144	0.063	0.174	0	0	0.286	0	0	0	0.082	0.219	0.032	0	0.000	0.234	1.104	
TCGA-EW-A424	0.099	0	0.025	0.118	0	0.268	0	0	0	0.304	0	0.187	0	0.000	0.185	1.150	
TCGA-EW-A6S9	0.238	0	0	0.127	0.143	0.212	0.033	0	0	0.247	0	0	0	0.000	0.279	1.083	
TCGA-EW-A6SA	0.241	0.195	0	0.185	0	0.255	0	0	0	0.088	0	0.034	0	0.000	0.271	1.109	
TCGA-EW-A6SB	0	0	0	0.194	0	0	0	0	0.198	0	0.292	0.119	0.198	0.000	0.110	1.226	
TCGA-EW-A6SC	0	0.151	0.094	0.07	0	0	0	0.188	0	0.326	0	0.171	0	0.000	0.138	1.180	
TCGA-EW-A6SD	0	0	0	0.233	0.034	0.366	0.015	0	0.097	0.058	0.191	0	0.006	0.000	0.180	1.151	
TCGA-GI-A2C8	0.122	0.048	0	0	0	0.287	0	0.073	0	0.158	0.206	0.107	0	0.000	0.077	1.199	
TCGA-GI-A2C9	0.006	0	0	0.02	0	0	0.045	0.153	0	0.323	0	0.236	0.216	0.000	0.164	1.184	
TCGA-GM-A2D9	0.16	0.233	0	0.033	0	0.252	0	0.154	0	0.083	0.022	0.063	0	0.000	0.336	1.048	
TCGA-GM-A2DA	0	0	0.369	0	0	0.164	0	0.033	0	0.171	0.263	0	0	0.000	0.057	1.233	
TCGA-GM-A2DB	0	0	0	0.102	0	0.117	0	0	0.533	0	0.173	0.075	0	0.000	0.126	1.229	
TCGA-GM-A2DC	0.301	0.243	0.186	0	0	0.177	0	0	0	0.086	0	0.007	0	0.000	0.275	1.119	
TCGA-GM-A2DD	0	0	0	0	0	0	0	0.324	0.293	0.051	0.333	0	0	0.000	0.118	1.252	
TCGA-GM-A2DF	0	0	0	0.253	0	0	0.049	0	0	0.196	0.143	0.299	0.061	0.000	0.054	1.231	
TCGA-GM-A2DH	0	0	0.237	0.096	0	0.157	0.039	0.103	0	0.012	0.356	0	0	0.000	0.092	1.222	
TCGA-GM-A2DI	0	0	0.193	0.06	0	0	0.049	0.191	0	0.001	0.506	0	0	0.000	0.135	1.227	
TCGA-GM-A2DK	0.216	0.271	0.078	0	0.099	0	0	0	0	0.208	0.104	0	0.024	0.000	0.117	1.199	
TCGA-GM-A2DL	0.109	0	0	0	0.103	0	0	0.186	0	0.384	0.046	0.173	0	0.000	0.202	1.136	
TCGA-GM-A2DM	0.423	0.216	0	0.086	0	0	0	0.075	0	0	0.017	0.183	0	0.000	0.337	1.060	
TCGA-GM-A2DN	0.1	0	0	0.281	0.005	0.002	0.032	0.166	0	0.077	0.305	0	0.033	0.000	0.078	1.226	
TCGA-GM-A2DO	0	0	0.082	0.331	0	0	0.174	0	0.026	0	0.387	0	0	0.000	0.251	1.132	
TCGA-GM-A3NW	0.009	0.468	0.133	0.074	0	0.134	0	0.058	0	0.125	0	0	0	0.000	0.276	1.118	
TCGA-GM-A3NY	0.138	0.102	0.035	0.089	0	0.273	0	0.183	0.005	0.038	0	0.137	0	0.000	0.246	1.106	
TCGA-GM-A3XG	0.121	0.002	0	0	0	0.202	0.013	0.201	0	0.328	0	0.133	0	0.000	0.170	1.156	
TCGA-GM-A3XL	0	0	0	0.154	0	0.074	0	0	0	0.018	0.561	0	0.194	0.000	0.222	1.168	
TCGA-GM-A3XN	0	0.227	0.018	0	0	0	0	0.126	0	0.498	0.131	0	0	0.000	0.049	1.247	
TCGA-GM-A4E0	0	0.035	0.167	0	0	0.006	0	0.12	0	0.247	0.306	0.118	0	0.000	-0.009	1.267	
TCGA-GM-A5PV	0.194	0.162	0.034	0	0	0.266	0	0.144	0	0.082	0.049	0.069	0	0.000	0.311	1.061	
TCGA-GM-A5PX	0.121	0	0.141	0	0	0.162	0	0.231	0	0.289	0	0.055	0	0.000	0.117	1.186	
TCGA-HN-A2NL	0	0	0	0.288	0	0.106	0.063	0	0.077	0.036	0.235	0.052	0.143	0.000	0.068	1.232	
TCGA-HN-A2OB	0	0	0.014	0	0	0.267	0	0.115	0	0.525	0	0.079	0	0.000	0.049	1.256	
TCGA-JL-A3YW	0	0	0	0	0.115	0	0	0.127	0.122	0.375	0.261	0	0	0.000	0.059	1.238	

Input Sample	Pearson														P-value	Correlation	RMSE
	BC_01	BC_02	BC_03	BC_03LN	BC_04	BC_05	BC_06	BC_07	BC_07LN	BC_08	BC_09	BC_10	BC_11				
TCGA-JL-A3YX	0.26	0.096	0	0.088	0	0.204	0	0.005	0	0.232	0	0.115	0	0.000	0.209	1.139	
TCGA-LD-A66U	0.115	0.031	0.134	0.101	0	0	0	0.184	0	0.161	0.274	0	0	0.000	0.046	1.234	
TCGA-LD-A74U	0.084	0	0	0	0	0.18	0	0.067	0.081	0.422	0.164	0.001	0	1.000	-0.056	1.290	
TCGA-LD-A7W5	0	0	0.226	0	0	0	0.134	0	0.091	0.13	0.413	0	0	0.000	0.055	1.245	
TCGA-LD-A7W6	0.11	0.198	0.073	0	0	0.256	0	0.07	0	0.156	0.136	0	0	0.000	0.216	1.123	
TCGA-LD-A9QF	0	0	0	0	0.034	0	0.142	0.251	0	0.094	0.48	0	0	0.000	0.070	1.251	
TCGA-LL-A440	0	0	0.05	0	0	0	0	0.151	0	0.565	0.099	0.135	0	1.000	-0.095	1.345	
TCGA-LL-A441	0	0	0.156	0.139	0	0	0.264	0	0.242	0.084	0.116	0	0	0.000	0.105	1.214	
TCGA-LL-A442	0.206	0.361	0.024	0.107	0	0.058	0	0.112	0	0	0	0.132	0	0.000	0.262	1.116	
TCGA-LL-A50Y	0.093	0.104	0	0.251	0	0.235	0	0.175	0	0.005	0.055	0.082	0	0.000	0.219	1.123	
TCGA-LL-A5YL	0.07	0	0	0.111	0	0.149	0.073	0	0.139	0.209	0.215	0.035	0	0.000	0.054	1.214	
TCGA-LL-A5YM	0.217	0.335	0	0.135	0	0.091	0	0	0	0.074	0.121	0.028	0	0.000	0.314	1.070	
TCGA-LL-A5YN	0	0	0.033	0.274	0	0	0.16	0.019	0.046	0.046	0.421	0	0	0.000	0.176	1.179	
TCGA-LL-A5YO	0	0	0.013	0.049	0	0	0.201	0	0.417	0	0.32	0	0	0.000	0.150	1.206	
TCGA-LL-A5YP	0	0	0.065	0.019	0.064	0	0	0	0	0.431	0	0.268	0.152	0.000	0.126	1.212	
TCGA-LL-A6FP	0.241	0.127	0	0.064	0	0.288	0	0.098	0	0.045	0	0.137	0	0.000	0.359	1.032	
TCGA-LL-A6FQ	0.241	0.258	0	0.07	0	0.013	0	0	0	0.204	0.127	0.086	0	0.000	0.391	1.001	
TCGA-LL-A6FR	0	0	0	0.043	0.069	0.028	0	0	0.01	0.3	0	0.411	0.138	0.000	0.280	1.106	
TCGA-LL-A73Y	0	0	0.066	0.044	0	0	0.038	0	0.208	0.288	0	0.181	0.176	0.000	0.036	1.263	
TCGA-LL-A73Z	0	0	0.027	0	0	0.005	0.138	0.327	0	0.191	0.267	0.043	0	0.000	0.148	1.176	
TCGA-LL-A740	0.054	0	0	0	0	0.184	0	0.319	0.168	0.275	0	0	0	0.000	0.080	1.231	
TCGA-LL-A7SZ	0	0.15	0	0.323	0	0.019	0.02	0	0	0	0.474	0.015	0	0.000	0.145	1.206	
TCGA-LL-A7T0	0.118	0	0.004	0.294	0.07	0.2	0.026	0	0	0.114	0.17	0.005	0	0.000	0.222	1.114	
TCGA-LL-A8F5	0	0	0	0.178	0	0	0.007	0	0.03	0.042	0.262	0.141	0.34	0.000	0.171	1.184	
TCGA-LL-A9Q3	0.283	0.142	0.037	0	0	0.227	0	0	0	0.054	0.201	0.055	0	0.000	0.195	1.137	
TCGA-LQ-A4E4	0.293	0	0	0.077	0	0.414	0	0.038	0	0.064	0	0.114	0	0.000	0.197	1.157	
TCGA-MS-A51U	0.128	0	0.173	0	0	0.18	0	0.028	0.13	0.284	0.071	0	0.005	0.000	0.082	1.206	
TCGA-OK-A5Q2	0	0	0.204	0.121	0	0.174	0.196	0	0.15	0.027	0.13	0	0	0.000	-0.006	1.275	
TCGA-OL-A5D6	0	0	0	0	0	0.137	0	0.185	0.404	0.187	0	0.088	0	0.000	0.200	1.168	
TCGA-OL-A5D7	0	0	0	0.293	0	0	0	0	0.099	0	0.388	0.118	0.102	0.000	0.209	1.159	
TCGA-OL-A5D8	0	0.303	0	0.17	0	0.244	0	0	0	0.103	0.104	0.07	0	0.000	0.189	1.151	
TCGA-OL-A5DA	0.106	0.145	0.106	0	0.023	0.32	0	0.065	0	0.063	0.081	0.091	0	0.000	0.228	1.117	
TCGA-OL-A5RU	0.109	0	0.134	0	0	0	0.143	0.19	0.247	0	0.176	0	0	0.000	0.093	1.219	
TCGA-OL-A5RV	0.117	0.099	0	0.033	0	0.28	0	0.213	0	0.246	0	0.012	0	0.000	0.126	1.189	
TCGA-OL-A5RW	0	0	0	0.1	0.034	0	0.16	0.171	0	0.283	0	0.171	0.081	0.000	0.260	1.095	
TCGA-OL-A5RX	0.122	0	0.119	0	0.018	0.09	0.116	0.105	0.138	0.14	0.093	0.058	0	0.000	0.079	1.200	
TCGA-OL-A5RY	0	0	0	0.188	0	0	0.25	0.119	0.136	0.067	0.24	0	0	0.000	0.056	1.240	
TCGA-OL-A5RZ	0.04	0	0.033	0.092	0.222	0.421	0	0	0.007	0.138	0	0.047	0	0.000	0.376	1.021	
TCGA-OL-A5S0	0	0	0.032	0	0	0	0.102	0.166	0	0.324	0.043	0.204	0.129	0.000	0.197	1.146	
TCGA-OL-A66H	0.361	0.117	0	0.019	0	0.106	0	0	0	0.04	0.305	0.052	0	0.000	0.224	1.114	
TCGA-OL-A66I	0	0	0.041	0.159	0	0	0.047	0	0	0	0.517	0	0.237	0.000	0.124	1.241	
TCGA-OL-A66J	0	0.348	0.083	0.017	0	0.087	0	0.009	0	0.255	0.075	0.126	0	0.000	0.210	1.138	
TCGA-OL-A66K	0.113	0	0	0.089	0.067	0.277	0	0.081	0	0.263	0	0.111	0	0.000	0.138	1.175	
TCGA-OL-A66L	0	0.06	0.1	0	0	0.063	0	0	0.06	0.256	0.343	0.113	0	0.000	0.017	1.247	
TCGA-OL-A66N	0.193	0	0	0.076	0	0.099	0.302	0.045	0	0.262	0	0.022	0	0.000	-0.015	1.268	
TCGA-OL-A66O	0.287	0.268	0	0.171	0	0.101	0	0	0	0.152	0	0.02	0	0.000	0.399	1.014	
TCGA-OL-A66P	0	0	0	0.069	0	0.055	0	0	0.27	0	0.606	0	0	0.000	0.146	1.234	
TCGA-OL-A6VO	0	0	0	0.094	0.11	0.094	0.077	0	0	0.14	0.168	0.115	0.201	0.000	0.230	1.112	
TCGA-OL-A6VQ	0.165	0	0.082	0.103	0	0	0	0.309	0	0.342	0	0	0	0.000	0.108	1.200	
TCGA-OL-A6VR	0.103	0.385	0	0.059	0	0.243	0.059	0	0	0.15	0	0	0	0.000	0.347	1.061	
TCGA-OL-A97C	0.24	0	0	0.047	0.127	0	0	0.096	0	0.146	0.207	0	0.137	0.000	0.016	1.245	
TCGA-PE-A5DC	0.042	0.208	0.183	0.134	0	0.188	0	0	0	0.227	0	0.018	0	0.000	0.276	1.096	
TCGA-PE-A5DD	0	0.013	0.039	0.025	0	0.429	0	0.179	0	0.164	0.101	0.049	0	0.000	0.047	1.234	
TCGA-PE-A5DE	0	0	0.141	0.066	0	0	0	0.083	0.119	0	0.53	0	0	0.000	0.176	1.215	
TCGA-PL-A8LV	0	0	0	0.306	0	0	0.241	0.045	0	0.231	0.094	0	0.084	0.000	0.088	1.214	
TCGA-PL-A8LX	0.299	0.393	0	0.098	0	0.089	0	0	0	0.01	0.129	0.041	0	0.000	0.298	1.089	
TCGA-PL-A8LY	0.024	0	0	0.044	0	0.302	0.003	0.084	0	0	0.091	0.303	0.148	0.000	0.145	1.175	
TCGA-PL-A8LZ	0	0	0.098	0.015	0	0	0	0.029	0	0.086	0.716	0.046	0.01	0.000	0.224	1.185	
TCGA-S3-A6ZF	0	0.273	0	0.353	0	0.032	0.17	0	0	0.034	0.139	0	0	0.000	0.203	1.147	
TCGA-S3-A6ZG	0.31	0.104	0	0.208	0.125	0.106	0	0	0	0.088	0	0.06	0	0.000	0.160	1.173	
TCGA-S3-A6ZH	0.133	0.345	0.042	0.164	0.073	0.166	0.076	0	0	0	0	0	0	0.000	0.323	1.076	
TCGA-S3-AA0Z	0	0	0	0.103	0	0.13	0	0	0	0.042	0.24	0.204	0.281	0.000	0.157	1.174	
TCGA-S3-AA10	0	0	0	0.32	0	0	0.035	0	0.009	0.065	0.463	0	0.103	0.000	0.152	1.210	
TCGA-S3-AA11	0.105	0.179	0.014	0.088	0	0.419	0	0	0	0.196	0	0	0	0.000	0.314	1.079	

Input Sample															Pearson	
	BC_01	BC_02	BC_03	BC_03LN	BC_04	BC_05	BC_06	BC_07	BC_07LN	BC_08	BC_09	BC_10	BC_11	P-value	Correlation	RMSE
TCGA-S3-AA12	0.222	0.404	0.033	0.147	0	0.136	0	0	0	0.032	0	0.026	0	0.000	0.401	1.027
TCGA-S3-AA14	0.121	0	0	0.014	0	0.322	0.042	0.14	0.021	0.339	0	0	0	0.000	0.191	1.145
TCGA-S3-AA15	0.001	0	0	0.229	0	0	0.176	0	0.083	0.158	0.353	0	0	0.000	0.002	1.274
TCGA-S3-AA17	0	0.092	0.103	0.188	0	0	0.094	0	0.011	0	0.512	0	0	0.000	0.198	1.171
TCGA-UL-AAZ6	0.014	0.154	0.157	0.001	0.103	0.3	0.067	0	0	0.173	0.03	0	0	0.000	0.333	1.047
TCGA-UU-A93S	0	0	0	0.093	0.096	0.523	0	0	0.088	0.024	0.177	0	0	0.000	0.341	1.043
TCGA-V7-A7HQ	0.012	0.209	0.138	0.003	0	0.231	0	0	0	0.243	0	0.164	0	0.000	0.207	1.141
TCGA-W8-A86G	0.092	0.061	0.006	0	0	0.281	0	0.063	0.028	0.263	0	0.206	0	0.000	0.203	1.140
TCGA-WT-AB41	0	0.167	0.103	0.248	0	0	0.062	0.03	0	0.011	0.378	0	0	0.000	0.188	1.165
TCGA-WT-AB44	0.119	0	0.035	0	0	0.106	0	0.204	0.032	0.327	0	0.177	0	0.000	0.271	1.086
TCGA-XX-A899	0	0	0.052	0.122	0	0	0.013	0	0.193	0.276	0.345	0	0	1.000	-0.083	1.330
TCGA-XX-A89A	0	0	0	0.019	0	0	0	0.184	0	0.367	0.303	0.127	0	0.000	0.026	1.257
TCGA-Z7-A8R5	0	0	0	0	0	0.005	0.085	0.112	0	0.194	0.248	0.356	0	0.000	0.030	1.246
TCGA-Z7-A8R6	0.16	0.025	0	0.247	0.012	0.278	0	0.018	0	0.162	0.063	0.035	0	0.000	0.225	1.116