

Programação Probabilística

Projetos

HP protein folding

Given a protein sequence,

Find a configuration
with the highest number
of H-H pairs (red line)

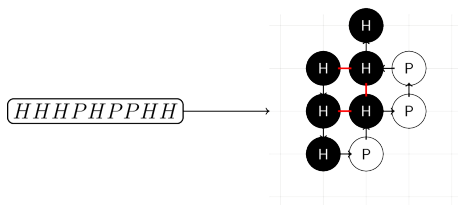


Figure 1: Exemplo

Recursos

- Apresentação sobre o modelo
- Exemplos de proteínas para 2D e 3D
- Exemplos de proteínas para 2D
- Artigo com exemplos para 3D

Tarefa

- Deve ser capaz de descobrir uma boa configuração para uma proteína

Pineapple Open Face Chinese Poker



Figure 2: Exemplo

- Regras
- Deve ser capaz de jogar de forma inteligente

Profile HMMs

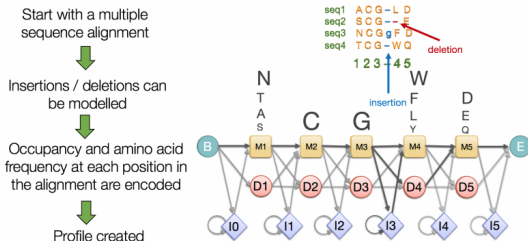


Figure 3: Exemplo

Profile HMMs em WebPPL

- Recebe uma família de proteínas
- Deve ser capaz de estimar a probabilidade de uma proteína pertencer à família