MAT02035 - Modelos para dados correlacionados

Estimação e inferência estatística

Rodrigo Citton P. dos Reis citton.padilha@ufrgs.br

Universidade Federal do Rio Grande do Sul Instituto de Matemática e Estatística Departamento de Estatística

Porto Alegre, 2021



Introdução

Introdução

Introdução

- Até agora, nossa discussão de modelos para dados longitudinais tem sido muito geral, sem menção de métodos para estimar os coeficientes de regressão ou a covariância entre as medidas repetidas.
- Relembrando: o modelo de regressão linear geral para o vetor de resposta média

$$E(Y_i|X_i) = X_i\beta$$
.

Assumimos que o vetor de respostas, Y_i, tem uma distribuição condicional que é normal multivariada com matriz de covariância

$$Cov(Y_i|X_i) = \Sigma_i = \Sigma_i(\theta).$$

Note que θ é um vetor $q \times 1$ de parâmetros de covariância.

Introdução

- Com dados balanceados $(n_i = n)$, em que uma matriz de covariância "não estruturada" é assumida, temos n variâncias e $\frac{n(n-1)}{2}$ covariâncias como elementos do vetor θ (ou seja, $q = \frac{n(n+1)}{2}$).
- Se a covariância é assumida ter um padrão de "simetria composta"¹, então q = 2 e θ tem dois elementos.
- Nesta aula, consideramos um método de estimação para os parâmetros desconhecidos, β e θ (ou equivalentemente, Σ_i).

¹O padrão de simetria composta assume variância constante e mesma covariância para os pares de medidas repetidas.

Estimação: máxima verossimilhança

Estimação: máxima verossimilhança

O método da máxima verossimilhança

- ▶ Dado que foram feitas suposições completas sobre a distribuição do vetor de respostas, Y_i ($Y_i \sim N(X_i\beta, \Sigma_i(\theta))$), uma abordagem bem geral de estimação é o **método da máxima verossimilhança** (MV).
- A ideia fundamental por trás da estimativa de MV é realmente bastante simples e é transmitida por seu nome: use como estimativas de β e θ os valores que são mais prováveis (ou mais "verossímeis") para os dados que foram realmente observados.
- As estimativas de máxima verossimilhança de β e θ são aqueles valores de β e θ que maximizam a probabilidade conjunta das variáveis resposta **avaliadas em seus valores observados**.

Estimação: máxima verossimilhança

- A probabilidade das variáveis resposta avaliadas no conjunto fixo de valores observados e consideradas como função de β e $\Sigma_i(\theta)$ é conhecida como **função de verossimilhança**.
 - Assim, a estimativa de β e θ provém **por maximizar** a função de verossimilhança.
- Os valores de β e θ que maximizam a função de verossimilhança são chamados de **estimativas de máxima verossimilhança** de β e θ , e geralmente são indicados por $\hat{\beta}$ e $\hat{\theta}$ (ou $\hat{\Sigma}_i$, $\Sigma_i(\hat{\theta})$).

- Suponha que os dados provém de uma série de estudos transversais que são repetidos em n ocasiões diferentes.
- Em cada ocasião, os dados são obtidos em uma amostra de N indivíduos.
 - Aqui é razoável supor que as observações sejam independentes umas das outras, uma vez que cada indivíduo é medido em apenas uma ocasião.
- Além disso, para facilitar a exposição, assumimos que a variância é constante, digamos σ².
- ▶ A resposta média está relacionada às covariáveis através do seguinte modelo de regressão linear:

$$\mathsf{E}(Y_{ij}|X_{ij}) = X'_{ij}\beta.$$

- Para obter estimativas de máxima verossimilhança de β , devemos encontrar os valores dos parâmetros de regressão que maximizem a **função de densidade de probabilidade normal conjunta**² de todas as observações, avaliados nos valores observados da resposta e considerados como uma função de β (e σ^2).
- **Lembrando** que a função de densidade de probabilidade normal (ou gaussiana) univariada para Y_{ij} , dado X_{ij} , pode ser expressa como

$$f(y_{ij}) = (2\pi\sigma^2)^{-1/2} \exp\left\{-\frac{1}{2}(y_{ij} - \mu_{ij})^2/\sigma^2\right\}, \ -\infty < y_{ij} < \infty.$$

²Aqui, implicitamente, estamos assumindo $e_{ii} \stackrel{iid}{\sim} N(0, \sigma^2)$.

Quando todas as respostas são independentes umas das outras, a função de verossimilhança é simplesmente o produto das funções individuais de densidade de probabilidade normal univariada para Y_{ij} dado X_{ij},

$$L = \prod_{i=1}^{N} \prod_{j=1}^{n} f(y_{ij}).$$

- É mais comum trabalhar com a função log-verossimilhança, que envolverá somas, em vez de produtos, das funções individuais de densidade de probabilidade normal univariada para Y_{ii}.
 - Observe que maximizar a verossimilhança é equivalente a maximizar o logaritmo da verossimilhança (indicado por ℓ).
- Portanto, o objetivo é maximizar

$$\ell = \log \left\{ \prod_{i=1}^{N} \prod_{j=1}^{n} f(y_{ij}) \right\} = -\frac{K}{2} \log(2\pi\sigma^{2}) - \frac{1}{2} \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{n} (y_{ij} - X'_{ij}\beta)^{2} / \sigma^{2}$$

avaliado nos valores numéricos observados dos dados, em relação aos parâmetros de regressão, β .

Aqui $K = n \times N$, o número total de observações.

- lacktriangle Observe que eta não aparece no primeiro termo da log-verossimilhança.
 - ightharpoonup Como resultado, esse termo pode ser ignorado ao maximizar a log-verossimilhança em relação a β .
- Além disso, como o segundo termo tem um sinal negativo, maximizar a log-verossimilhança em relação a β é equivalente a minimizar a seguinte função:

$$\sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{n} (y_{ij} - X'_{ij}\beta)^{2}.$$

Comentários

- Maximizar ou minimizar uma função é um problema matemático comum que pode ser resolvido usando o cálculo.
- Especificamente, a estimativa de máxima verossimilhança de β pode ser obtida igualando a derivada da log-verossimilhança, frequentemente chamada de **função escore**, a zero e encontrando a solução para a equação resultante.
- No entanto, no exemplo considerado aqui, n\u00e3o h\u00e1 necessidade real de recorrer ao c\u00e1lculo.
- A obtenção da estimativa de máxima verossimilhança de β é equivalente a encontrar a estimativa de mínimos quadrados ordinários (MQO) de β, ou seja, o valor de β que minimiza a soma dos quadrados dos resíduos.

 Usando a notação vetorial, a solução dos mínimos quadrados pode ser escrita como

$$\hat{\beta} = \left\{ \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{n} (X_{ij} X'_{ij}) \right\}^{-1} \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{n} (X_{ij} y_{ij}).$$



Observações independentes $(\hat{\beta})$

▶ Dado K observações (X_{ij}, y_{ij}) , queremos encontrar:

$$\hat{\beta} = \arg\min_{\beta} \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{n} (y_{ij} - X'_{ij}\beta)^{2}.$$

- ▶ Lembrando que y_{ij} é um escalar, X'_{ij} é um vetor $1 \times p$ e β um vetor $p \times 1$.
- Assim, queremos encontrar $\hat{\beta}$ para o qual

$$\frac{\partial}{\partial \beta} \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{n} (y_{ij} - X'_{ij}\beta)^2 = 0.$$

Observações independentes $(\hat{\beta})$

$$\frac{\partial}{\partial \beta} \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{n} (y_{ij} - X'_{ij}\beta)^{2} = \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{n} \frac{\partial}{\partial \beta} (y_{ij} - X'_{ij}\beta)^{2}
= \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{n} 2 \times (y_{ij} - X'_{ij}\beta) \times (-X'_{ij})
= 2 \times \left[\sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{n} X'_{ij}\beta X'_{ij} - \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{n} y_{ij}X'_{ij} \right]
= 2 \times \left[\sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{n} (X_{ij}X'_{ij})\beta - \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{n} (X_{ij}y_{ij}) \right],$$

pois
$$(X'_{ij}\beta)X'_{ij} = (\beta'X_{ij})X'_{ij} = X_{ij}(\beta'X_{ij})' = X_{ij}X'_{ij}\beta$$
 e $y_{ij}X'_{ij} = X_{ij}y_{ij}$.

Observações independentes $(\hat{\beta})$

$$\begin{split} & \frac{\partial}{\partial \beta} \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{n} \left(y_{ij} - X'_{ij} \beta \right)^{2} = 0 \\ & \Rightarrow \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{n} \left(X_{ij} X'_{ij} \right) \hat{\beta} = \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{n} \left(X_{ij} y_{ij} \right) \\ & \Rightarrow \left\{ \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{n} \left(X_{ij} X'_{ij} \right) \right\}^{-1} \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{n} \left(X_{ij} X'_{ij} \right) \hat{\beta} = \left\{ \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{n} \left(X_{ij} X'_{ij} \right) \right\}^{-1} \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{n} \left(X_{ij} y_{ij} \right) \\ & \Rightarrow \hat{\beta} = \left\{ \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{n} \left(X_{ij} X'_{ij} \right) \right\}^{-1} \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{n} \left(X_{ij} y_{ij} \right) , \end{split}$$

$$\text{pois } \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{n} (X_{ij} X_{ij}') \text{ \'e matriz } p \times p, \text{ e portanto } \left\{ \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{n} (X_{ij} X_{ij}') \right\}^{-1} \sum_{i=1}^{N} \sum_{j=1}^{n} (X_{ij} X_{ij}') = I_{p}.$$

Comentários

- Essa estimativa de mínimos quadrados é o valor produzido por qualquer software estatístico padrão para regressão linear (por exemplo, PROC GLM ou PROC REG no SAS, a função 1m no R e o comando regress no Stata).
 - Exercício: considere o modelo dos dados de nível de chumbo no sangue (considerando observações independentes); compare as estimativas através de uma implementação sua de $\hat{\beta}$ com a função lm; poste no fórum geral do Moodle.
- Além disso, note que até agora apenas focamos na estimativa de β , ignorando a estimativa de σ^2 ; a seguir, também consideramos a estimativa da matriz de covariância.

- Quando há n_i medidas repetidas no mesmo indivíduo, não se pode assumir que essas medidas repetidas são independentes.
 - Como resultado, precisamos considerar a função de densidade de probabilidade conjunta para o vetor de medidas repetidas.
- Observe, no entanto, que os vetores de medidas repetidas são assumidos como independentes uns dos outros.
 - Assim, a função log-verossimilhança, \(\ell, \) pode ser expressa como uma soma das funções multivariadas individuais da densidade de probabilidade normal para \(Y_i \) dado \(X_i \).

$$\ell = \log \left\{ \prod_{i=1}^{N} f(y_i) \right\} = \sum_{i=1}^{N} \log f(y_i),$$

em que

$$f(y_i) = (2\pi)^{-n_i/2} |\Sigma_i|^{-1/2} \exp\left\{-\frac{1}{2} (y_i - \mu_i)' \Sigma_i^{-1} (y_i - \mu_i)\right\}.$$

- Primeiro assumimos que Σ_i (ou θ) é conhecido (e, portanto, não precisa ser estimado); depois, relaxaremos essa suposição muito irrealista.
- Dado que assumimos que o vetor de respostas $Y_i = (Y_{i1}, Y_{i2}, \dots, Y_{in_i})'$ segue uma distribuição condicional que é normal multivariada, devemos maximizar a seguinte função de log-verossimilhança:

$$\ell = -\frac{K}{2}\log(2\pi) - \frac{1}{2}\sum_{i=1}^{N}\log|\Sigma_{i}| - \frac{1}{2}\left\{\sum_{i=1}^{N}(y_{i} - X_{i}\beta)'\Sigma_{i}^{-1}(y_{i} - X_{i}\beta)\right\}$$

em que $K = \sum_{i=1}^{N} n_i$ é o número total de observações.

- Note que β não aparece nos dois primeiros termos na log-verossimilhança.
 - Esses dois termos podem ser ignorados ao maximizar a log-verossimilhança em relação a β.
- Além disso, como o terceiro termo tem um sinal negativo, maximizar a log-verossimilhança em relação a β é equivalente a minimizar

$$\sum_{i=1}^{N} (y_i - X_i \beta)' \Sigma_i^{-1} (y_i - X_i \beta).$$

▶ O estimador de β que minimiza essa expressão é conhecido como estimador de **mínimos quadrados generalizados (MQG)** de β e pode ser expresso como

$$\hat{\beta} = \left\{ \sum_{i=1}^{N} (X_i' \Sigma_i^{-1} X_i) \right\}^{-1} \sum_{i=1}^{N} (X_i' \Sigma_i^{-1} y_i).$$

Veja a função gls do pacote nlme do R.

Observações correlacionadas $(\hat{\beta})$

$$\frac{\partial}{\partial \beta} \sum_{i=1}^{N} (y_i - X_i \beta)' \Sigma_i^{-1} (y_i - X_i \beta) = \sum_{i=1}^{N} \frac{\partial}{\partial \beta} \left[(y_i - X_i \beta)' \Sigma_i^{-1} (y_i - X_i \beta) \right]
= \sum_{i=1}^{N} (y_i - X_i \beta)' \times \left[\Sigma_i^{-1} + (\Sigma_i^{-1})' \right] \times (-X_i)
= \sum_{i=1}^{N} \left[y_i' - (X_i \beta)' \right] \times \left(2\Sigma_i^{-1} \right) \times (-X_i)
= 2 \times \left\{ \sum_{i=1}^{N} \left[(X_i \beta)' \Sigma_i^{-1} X_i \right] - \sum_{i=1}^{N} (y_i' \Sigma_i^{-1} X_i) \right\}
= 2 \times \left[\sum_{i=1}^{N} (X_i' \Sigma_i^{-1} X_i) \beta - \sum_{i=1}^{N} (X_i' \Sigma_i^{-1} y_i) \right].$$

Note que Σ_i é simétrica, e portanto, Σ_i^{-1} também é simétrica; ou seja, $(\Sigma_i^{-1})' = \Sigma_i^{-1}$.

Observações correlacionadas $(\hat{\beta})$

$$\frac{\partial}{\partial \beta} \sum_{i=1}^{N} (y_i - X_i \beta)' \Sigma_i^{-1} (y_i - X_i \beta) = 0$$

$$\Rightarrow \sum_{i=1}^{N} (X_i' \Sigma_i^{-1} X_i) \hat{\beta} = \sum_{i=1}^{N} (X_i' \Sigma_i^{-1} y_i)$$

$$\Rightarrow \hat{\beta} = \left\{ \sum_{i=1}^{N} (X_i' \Sigma_i^{-1} X_i) \right\}^{-1} \sum_{i=1}^{N} (X_i' \Sigma_i^{-1} y_i).$$

A primeira propriedade muito notável é que, para **qualquer escolha** de Σ_i , a estimativa MQG de β é **não enviesada**. Ou seja,

$$\mathsf{E}\left[\hat{\beta}\right] = \beta.$$

$$\begin{split} \mathsf{E} \left[\hat{\beta} \right] &= \mathsf{E} \left[\left\{ \sum_{i=1}^{N} \left(X_{i}^{\prime} \Sigma_{i}^{-1} X_{i} \right) \right\}^{-1} \sum_{i=1}^{N} \left(X_{i}^{\prime} \Sigma_{i}^{-1} Y_{i} \right) \right] \\ &= \left\{ \sum_{i=1}^{N} \left(X_{i}^{\prime} \Sigma_{i}^{-1} X_{i} \right) \right\}^{-1} \sum_{i=1}^{N} \left(X_{i}^{\prime} \Sigma_{i}^{-1} \mathsf{E} \left[Y_{i} \right] \right) \\ &= \left\{ \sum_{i=1}^{N} \left(X_{i}^{\prime} \Sigma_{i}^{-1} X_{i} \right) \right\}^{-1} \sum_{i=1}^{N} \left(X_{i}^{\prime} \Sigma_{i}^{-1} X_{i} \right) \beta \\ &= I_{p} \beta = \beta. \end{split}$$

Além disso, **em grandes amostras** (ou assintoticamente), pode se mostrar que a distribuição amostral de $\hat{\beta}$ é uma **distribuição normal multivariada** com **média** β e **covariância**

$$\operatorname{\mathsf{Cov}}(\hat{eta}) = \left\{ \sum_{i=1}^{N} \left(X_i' \Sigma_i^{-1} X_i \right) \right\}^{-1}.$$

$$\begin{split} & \mathsf{Cov} \left[\hat{\beta} \right] = \mathsf{Var} \left[\left\{ \sum_{i=1}^{N} \left(X_{i}' \Sigma_{i}^{-1} X_{i} \right) \right\}^{-1} \sum_{i=1}^{N} \left(X_{i}' \Sigma_{i}^{-1} Y_{i} \right) \right] \\ & = \left\{ \sum_{i=1}^{N} \left(X_{i}' \Sigma_{i}^{-1} X_{i} \right) \right\}^{-1} \mathsf{Var} \left[\sum_{i=1}^{N} \left(X_{i}' \Sigma_{i}^{-1} Y_{i} \right) \right] \left[\left\{ \sum_{i=1}^{N} \left(X_{i}' \Sigma_{i}^{-1} X_{i} \right) \right\}^{-1} \right]' \\ & = \left\{ \sum_{i=1}^{N} \left(X_{i}' \Sigma_{i}^{-1} X_{i} \right) \right\}^{-1} \sum_{i=1}^{N} \left[X_{i}' \Sigma_{i}^{-1} \mathsf{Var} \left(Y_{i} \right) (X_{i}' \Sigma_{i}^{-1})' \right] \left\{ \sum_{i=1}^{N} \left(X_{i}' \Sigma_{i}^{-1} X_{i} \right) \right\}^{-1} \\ & = \left\{ \sum_{i=1}^{N} \left(X_{i}' \Sigma_{i}^{-1} X_{i} \right) \right\}^{-1} \sum_{i=1}^{N} \left(X_{i}' \Sigma_{i}^{-1} \Sigma_{i} \Sigma_{i}^{-1} X_{i} \right) \right\}^{-1} \\ & = \left\{ \sum_{i=1}^{N} \left(X_{i}' \Sigma_{i}^{-1} X_{i} \right) \right\}^{-1} . \end{split}$$

- Isso é verdade exatamente quando Y_i tem uma distribuição condicional que é multivariada normal e verdadeiro em grandes amostras, mesmo quando a distribuição condicional de Y_i não é normal multivariada.
 - Por "grandes amostras", entendemos que o tamanho da amostra, N, aumenta quando o número de medidas repetidas e parâmetros do modelo permanece fixo.
- Nobserve também que se Σ_i for assumido como uma matriz diagonal, com variância constante σ^2 ao longo da diagonal, o estimador MQG reduz-se ao estimador MQO considerado mais cedo.
 - **Exercício:** demonstre este resultado.
- Finalmente, embora o estimador MQG de β seja não enviesado para qualquer escolha de Σ_i , pode ser mostrado que o estimador MQG mais eficiente de β (ou seja, o estimador com menor variância ou maior precisão) é aquele que usa o valor verdadeiro de Σ_i .

MQG (Σ_i desconhecida)

- Vamos abordar o caso que geralmente ocorre na prática: não conhecemos Σ_i (ou θ).
 - Neste caso precisamos estimar $\Sigma_i(\theta)$ a partir dos dados disponíveis.
- A estimativa da máxima verossimilhança de θ prossegue da mesma maneira que a estimativa de β , maximizando a log-verossimilhança em relação a θ .
- Especificamente, a estimativa de máxima verossimilhança de θ pode ser obtida igualando a derivada da log-verossimilhança em relação a θ (função escore) a zero e encontrando a solução para a equação resultante.
- Entretanto, em geral, essa **equação é não linear** e não é possível escrever expressões simples, de forma fechada, para o estimador de MV de θ .
 - A estimativa de MV deve ser encontrada resolvendo-se essa equação usando uma técnica iterativa.

MQG (Σ_i desconhecida)

- ► Felizmente, algoritmos computacionais foram desenvolvidos para encontrar a solução.
- Uma vez obtida a estimativa de MV de θ , simplesmente substituímos a estimativa de $\Sigma_i(\theta)$, digamos $\widehat{\Sigma}_i = \Sigma_i(\widehat{\theta})$, no estimador de mínimos quadrados generalizados de β para obter a estimativa de MV de β :

$$\hat{\beta} = \left\{ \sum_{i=1}^{N} \left(X_i' \widehat{\Sigma}_i^{-1} X_i \right) \right\}^{-1} \sum_{i=1}^{N} \left(X_i' \widehat{\Sigma}_i^{-1} y_i \right).$$

- Curiosamente, **em grandes amostras** (ou assintoticamente), o estimador de β resultante que substitui a estimativa de MV de Σ_i tem todas as **mesmas propriedades** de quando Σ_i é realmente conhecido.
- Assim, em termos de propriedades da distribuição amostral de $\hat{\beta}$, não há penalidade por realmente ter que estimar Σ_i a partir dos dados longitudinais em questão.
- No entanto, por mais reconfortante que esse resultado possa parecer, deve-se ter em mente que esta é uma propriedade de grande amostra (ou seja, quando N se aproxima do infinito) de $\hat{\beta}$.
 - Com tamanhos de amostra da magnitude frequentemente encontrados em muitas áreas de aplicação, pode-se esperar que as propriedades da distribuição amostral de $\hat{\beta}$ sejam adversamente influenciadas pela estimativa de um número muito grande de parâmetros de covariância.

Questões de dados ausentes

Questões de dados ausentes

Questões de dados ausentes

Embora a maioria dos estudos longitudinais seja projetada para coletar dados de cada indivíduo da amostra a cada momento do acompanhamento, muitos estudos têm algumas observações ausentes.

Dados ausentes têm três implicações importantes para a análise longitudinal:

- O conjunto de dados é necessariamente desbalanceado ao longo do tempo, pois nem todos os indivíduos têm o mesmo número de medições repetidas em um conjunto comum de ocasiões.
 - Como resultado, os métodos de análise precisam ser capazes de lidar com os dados desbalanceados sem precisar descartar dados de indivíduos com dados ausentes.

Questões de dados ausentes

- 2. Haverá perda de informações e redução na precisão com que mudanças na resposta média ao longo do tempo pode ser estimado.
 - Essa redução na precisão está diretamente relacionada à quantidade de dados ausentes e também será influenciada em certa medida pela maneira como a análise lida com os dados ausentes.
 - Por exemplo, usar apenas os casos completos (ou seja, aqueles indivíduos sem dados ausentes) geralmente será o método menos eficiente.
- 3. A validade de qualquer método de análise exigirá que certas suposições sobre os motivos de qualquer perda, geralmente chamadas de mecanismo de perda de dados, sejam sustentáveis.
 - Consequentemente, quando há perda de dados, devemos considerar cuidadosamente os motivos da perda.

Mecanismo de perda de dados

- O mecanismo de perda de dados pode ser pensado como um modelo que descreve a probabilidade de uma resposta ser observada ou não (estar ausente) em qualquer ocasião.
- ► Fazemos uma distinção importante entre mecanismos de dados ausentes que são referidos como ausentes completamente ao acaso (missing completely at random MCAR) e ausentes ao acaso (missing at random MAR).
- A distinção entre esses dois mecanismos determina a adequação da estimativa de máxima verossimilhança sob o pressuposto de uma distribuição normal multivariada para as respostas, e o MQG sem exigir suposições sobre o formato da distribuição.

MCAR

- Diz-se que os dados são MCAR quando a probabilidade de perda de respostas não está relacionada aos valores específicos que, em princípio, deveriam ter sido obtidos (as respostas ausentes) ou ao conjunto de respostas observadas.
- Ou seja, dados longitudinais são MCAR quando a perda em Y_i é simplesmente o resultado de um mecanismo aleatório que não depende de componentes observados ou não observados de Y_i.
- A característica essencial do MCAR é que os dados observados podem ser considerados uma amostra aleatória dos dados completos.
 - Como resultado, os momentos (por exemplo, médias, variâncias e covariâncias) e, de fato, a distribuição dos dados observados não diferem dos momentos correspondentes ou da distribuição dos dados completos.

MCAR: consequências para a análise de dados longitudinais

- Qualquer método de análise que produza inferências válidas na ausência de dados ausentes também produzirá inferências válidas quando o mecanismo de perda de dados for MCAR e a análise for baseada em todos os dados disponíveis, ou mesmo quando estiver restrito aos "completadores" (ou seja, aqueles sem dados ausentes).
- ▶ Dado que estimativas válidas das médias, variâncias e covariâncias podem ser obtidas, o MQG fornece estimativas válidas de β sem exigir nenhuma premissa de distribuição para Y_i .
- ightharpoonup O estimador MQG de eta é válido, desde que o modelo para a resposta média tenha sido especificado corretamente; não requer nenhuma suposição sobre a distribuição conjunta das respostas longitudinais.

MCAR: consequências para a análise de dados longitudinais

- ▶ O estimador de MV de β , pressupondo que as respostas tenham uma distribuição normal multivariada, é também o estimador MQG (com a estimativa MV de $\Sigma_i(\theta)$, por exemplo, $\widehat{\Sigma}_i = \Sigma_i(\widehat{\theta})$, substituída).
- Assim, nessa configuração, os estimadores MV e MQG têm exatamente as mesmas propriedades, independentemente da verdadeira distribuição de Y_i.

MAR

- Ao contrário do MCAR, diz-se que os dados são MAR quando a probabilidade de perda de respostas depende do conjunto de respostas observadas, mas não está relacionada aos valores ausentes específicos que, em princípio, deveriam ter sido obtidos.
- Em outras palavras, se os indivíduos são estratificados com base em valores semelhantes para as respostas observadas, a perda é simplesmente o resultado de um mecanismo aleatório que não depende dos valores das respostas não observadas.
- No entanto, como o mecanismo de perda agora depende das respostas observadas, a distribuição de Y₁ em cada um dos estratos distintos definidos pelos padrões de perda não é o mesmo que a distribuição de Y₁ na população alvo.
- Isso tem consequências importantes para a análise.

MAR: consequências para a análise de dados longitudinais

- Uma destas consequências é que uma análise restrita aos "completadores" não é válida.
 - Em outras palavras, os "completadores" são uma amostra tendenciosa da população alvo.
- Além disso, a distribuição dos componentes observados de Y_i , em cada um dos estratos distintos definidos pelos padrões de perda, não coincide com a distribuição dos mesmos componentes de Y_i na população alvo.
 - Portanto, as médias amostrais, variâncias e covariâncias com base nos "completadores" ou nos dados disponíveis são estimativas tendenciosas dos parâmetros correspondentes na população-alvo.

MAR: consequências para a análise de dados longitudinais

- ightharpoonup Como resultado, o MQG não mais fornece estimativas válidas de eta sem fazer suposições corretas sobre a distribuição conjunta das respostas longitudinais.
- Por outro lado, a estimativa de MV de β é válida quando os dados são MAR, desde que a distribuição normal multivariada tenha sido especificada corretamente.
 - Isso requer a especificação correta não apenas do modelo para a resposta média, mas também do modelo para a covariância entre as respostas.
- ► Em certo sentido, a estimativa de MV permite que os valores ausentes sejam validamente "previstos" ou "imputados" usando os dados observados e um modelo correto para a distribuição conjunta das respostas.

Avisos

- Exercício: (Re)fazer as provas dos resultados discutidos na aula de hoje.
- Para casa: ler o Capítulo 4 do livro "Applied Longitudinal Analysis".
 - Caso ainda não tenha lido, leia também os Caps. 1, 2 e 3.
 - Ver também as referências com respeito à derivadas de vetores, matrizes, etc.
- Próxima aula: Inferência estatística, máxima verossimilhança restrita.

Bons estudos!

