## MAT02035 - Modelos para dados correlacionados

#### Modelos lineares de efeitos mistos

Rodrigo Citton P. dos Reis citton.padilha@ufrgs.br

Universidade Federal do Rio Grande do Sul Instituto de Matemática e Estatística Departamento de Estatística

Porto Alegre, 2019



# Formulação de efeitos aleatórios em dois estágios

# Formulação em dois estágios

O modelo linear de efeitos mistos

$$Y_i = X_i \beta + Z_i b_i + \epsilon_i,$$

pode ser motivado por uma formulação **de efeitos aleatórios em dois estágios** do modelo .

- Algumas das principais ideias do modelo de efeitos mistos são melhor compreendidas considerando que o modelo é resultante de uma especificação em dois estágios.
- No entanto, esta formulação introduz algumas restrições desnecessárias no modelo.

No primiero estágio, assume-se que os indivíduos têm cada um a sua própria e única trajetória de resposta média.

$$Y_i = Z_i \beta_i + \epsilon_i, \ \epsilon_i \sim N(0, \sigma^2 I_{n_i}).$$

A ideia essencial do modelo do primeiro estágio é ajustar modelos de regressão em separado para os dados de cada indivíduo, mas com a condição que estas regressões envolvem as mesmas covariáveis, Z<sub>i</sub>.

- A matriz Z<sub>i</sub> especifica como a resposta média do indivíduo muda ao longo do tempo e/ou como a resposta média muda com outras covariáveis tempo-dependente (idade, altura).
  - Por exemplo, pode ser assumido que a trajetória da resposta média é linear, quadrática, ou uma função spline do tempo.
  - **Exemplo:** trajetórias indivíduo-específicas que são lineares no tempo.

$$\begin{pmatrix} Y_{i1} \\ Y_{i2} \\ \vdots \\ Y_{in_i} \end{pmatrix} = \begin{pmatrix} 1 & t_{i1} \\ 1 & t_{i2} \\ \vdots & \vdots \\ 1 & t_{in_i} \end{pmatrix} \begin{pmatrix} \beta_{1i} \\ \beta_{i2i} \end{pmatrix} + \begin{pmatrix} \epsilon_{i1} \\ \epsilon_{i2} \\ \vdots \\ \epsilon_{in_i} \end{pmatrix}.$$

Exercício: repita o exemplo para o caso de trajetórias quadráticas no tempo.

- ▶ Assumimos que os  $\beta_i$  são aleatórios:  $\beta_i \sim D(E[\beta_i], Cov(\beta_i))$ .
- A média e a covariância de  $\beta_i$  são os parâmetros populacionais que são modelados no segundo estágio.
  - A variação de β<sub>i</sub> de um indivíduo para outro é modelada como uma função de um conjunto de covariáveis tempo-invariante (grupo de tratamento).
- ► Em particular,

$$\mathsf{E}(\beta_i) = A_i \beta$$
,

em que  $A_i$  é uma matriz  $q \times p$  de um conjunto de covariáveis tempo-invariante, e

$$Cov(\beta_i) = G.$$

A especificação de um modelo para a média e a covariância de  $\beta_i$ 

Considere o exemplo hipotético de um estudo que compara dois grupos: **tratamento** ( $\operatorname{Grupo}_i = 1$ ) e **controle** ( $\operatorname{Grupo}_i = 0$ ). Assumimos que as mudanças indivíduo-específicas na resposta média são lineares, ou seja, o primeiro estágio do modelo é dado por

$$\begin{pmatrix} Y_{i1} \\ Y_{i2} \\ \vdots \\ Y_{in_i} \end{pmatrix} = \begin{pmatrix} 1 & t_{i1} \\ 1 & t_{i2} \\ \vdots & \vdots \\ 1 & t_{in_i} \end{pmatrix} \begin{pmatrix} \beta_{1i} \\ \beta_{i2i} \end{pmatrix} + \begin{pmatrix} \epsilon_{i1} \\ \epsilon_{i2} \\ \vdots \\ \epsilon_{in_i} \end{pmatrix}.$$

 No segundo estágio podemos permitir que β<sub>i</sub> dependa do grupo de tratamento

$$E(\beta_{1i}) = \beta_1 + \beta_3 Grupo_i,$$
  

$$E(\beta_{2i}) = \beta_2 + \beta_4 Grupo_i.$$

- Neste modelo,  $\beta_1$  é o intercepto médio no grupo controle, enquanto que  $\beta_1 + \beta_3$  é o intercepto médio do grupo tratamento.
  - $ightharpoonup eta_3$  representa a **diferença** do grupo tratamento **no intercepto médio**.
- ▶ Similarmente,  $\beta_2$  é a inclinação média, ou taxa de mudança na resposta média ao longo do tempo, no grupo controle, enquanto que  $\beta_2 + \beta_4$  é a inclinação média no grupo tratamento.
  - $\beta_4$  tem a interpretação em termos de uma diferença do grupo tratamento na inclinação média.

Neste modelo a matriz de delineamento  $A_i$  de covariáveis invariantes no tempo tem a seguinte forma:

$$A_i = \left(\begin{array}{ccc} 1 & 0 & \operatorname{Grupo}_i & 0 \\ 0 & 1 & 0 & \operatorname{Grupo}_i \end{array}\right).$$

Assim, para o grupo controle, o modelo para média é

$$\mathsf{E}\left(\begin{array}{c}\beta_{1i}\\\beta_{2i}\end{array}\right) = \left(\begin{array}{ccc}1 & 0 & 0 & 0\\0 & 1 & 0 & 0\end{array}\right) \left(\begin{array}{c}\beta_{1}\\\beta_{2}\\\beta_{3}\\\beta_{4}\end{array}\right) = \left(\begin{array}{c}\beta_{1}\\\beta_{2}\end{array}\right);$$

similarmente, para o grupo tratamento, o modelo para média é

$$\mathsf{E}\left(\begin{array}{c}\beta_{1i}\\\beta_{2i}\end{array}\right) = \left(\begin{array}{ccc}1 & 0 & 1 & 0\\0 & 1 & 0 & 1\end{array}\right) \left(\begin{array}{c}\beta_1\\\beta_2\\\beta_3\\\beta_4\end{array}\right) = \left(\begin{array}{c}\beta_1 + \beta_3\\\beta_2 + \beta_4\end{array}\right).$$

► Também é assumido que a variação residual em  $\beta_i$ , que não pode ser explicada pelo efeito de grupo, é

$$G = \left(\begin{array}{cc} g_{11} & g_{12} \\ g_{21} & g_{22} \end{array}\right),$$

em que  $g_{11} = \text{Var}(\beta_{1i}), g_{22} = \text{Var}(\beta_{2i})$  e  $g_{12} = g_{21} = \text{Cov}(\beta_{1i}, \beta_{2i})$ .

•  $g_{11}$  é a variância de  $\beta_{1i}$ , depois de ajustar pelo efeito de grupo de tratamento.

# Formulação em dois estágios

Reescrevendo

$$\beta_i = A_i \beta + b_i,$$

em que  $b_i$  tem uma distribuição multivariada com média zero e matriz de covariância G, podemos combinar os dois componentes do modelo em dois estágios, obtemos

$$Y_{i} = Z_{i}\beta_{i} + \epsilon_{i}$$

$$= Z_{i}(A_{i}\beta + b_{i}) + \epsilon_{i}$$

$$= (Z_{i}A_{i})\beta + Z_{i}b_{i} + \epsilon_{i}$$

$$= X_{i}\beta + Z_{i}b_{i} + \epsilon_{i},$$

em que  $X_i = Z_i A_i$ .

## Formulação em dois estágios: comentários

- ► Embora este modelo seja bastante similar àquele apresentado anteriormente, há uma importante diferença.
- ▶ O modelo de dois estágios impõe uma restrição na escolha da matriz de delineamento dos efeitos fixos, que requer a estrutura  $X_i = Z_i A_i$ , em que  $A_i$  contém apenas covariáveis invariantes no tempo e  $Z_i$  contém apenas covariáveis variantes no tempo.
- Isso implica que qualquer covariável tempo-dependente deve ser especificada como efeito aleatório, o que é uma restrição desnecessária e, em algumas situações, inconveniente!

# Formulação em dois estágios: comentários

- Por outro lado, uma estrutura simples para a covariância impõe uma estrutura bastante simples para a média!
- Vimos que uma covariância simetria composta é obtida do modelo com interceptos aleatórios,

$$Y_i = Z_i \beta_i + \epsilon_i$$

sendo  $Z_i$  um vetor  $n_i \times 1$  de "uns".

▶ Tal modelo impede qualquer dependência da resposta no tempo, isto é,

$$\mathsf{E}(Y_i) = (Z_i A_i)\beta$$

não pode depender do tempo, pois o tempo, como variável intra-indivíduo, não foi incluído em  $Z_i$  no primeiro estágio.

Inferência para o modelo linear de efeitos mistos

Inferência para o modelo linear de efeitos mistos

# Inferência para o modelo misto

Considere o modelo

$$Y_i = X_i \beta + Z_i b_i + \epsilon_i,$$

em que,  $b_i \sim N_q(0, G(\alpha))$  e  $\epsilon_{ij} \sim N(0, \sigma^2)$ ,  $b_i$  e  $\epsilon_{ij}$  independentes.

- ► Tem-se: p efeitos fixos e  $\frac{q(q+1)}{2} + 1$  efeitos aleatórios.
- ▶ Inferência estatística para  $\theta = (\beta, \alpha, \sigma^2)$ :
  - 1. Máxima verossimilhança.
  - 2. Máxima verossimilhança restrita.

# Inferência para o modelo misto

A função de verossimilhança é dada por:

$$L(\theta|y) = \prod_{i=1}^{N} p(y_i|\theta)$$

$$= \prod_{i=1}^{N} \int p(y_i, b_i|\theta) db_i$$

$$= \prod_{i=1}^{N} \int p(y_i|b_i, \theta) p(b_i|\theta) db_i,$$

em que  $p(y_i|b_i,\theta) \sim N_{n_i}(X_i\beta + Z_ib_i,\sigma^2I_{n_i})$  e  $p(b_i|\theta) \sim N_q(0,G)$ .

▶ Note que  $p(y_i|\theta) \sim N_{n_i}(X_i\beta, Z_iGZ_i' + \sigma^2I_{n_i})$ .

# Escolha entre modelos de covariância de efeitos aleatórios

Embora o modelo lineares de efeitos mistos assume que as respostas longitudinais dependem em uma combinação dos efeitos populacionais e indivíduo-específicos, quando tomamos a média com respeito a distribuição dos efeitos aleatórios

$$\mathsf{E}(Y_i) = X_i\beta,$$

e a covariância entre as respostas tem a estrutura distinta de efeitos aleatórios

$$Cov(Y_i) = Z_i G Z_i' + \sigma^2 I_{n_i}.$$

- ▶ Da perspectiva de modelar a covariância, a estrutura de efeitos aleatórios é atraente porque o **número de parâmetros de covariância**,  $q \times (q+1)/2 + 1$ , é o mesmo, independentemente do número e do momento das ocasiões de medição.
- Em muitas aplicações, será suficiente incluir apenas interceptos aleatórios e inclinações para o tempo (um total de  $2 \times (2+1)/2 + 1 = 4$  parâmetros de covariância), **permitindo** assim a **heterogeneidade nas variâncias** e **correlações** que podem ser expressas **como funções do tempo**.
- ► Em outras aplicações, uma estrutura de efeitos aleatórios mais complexa pode ser necessária.

- Na escolha de um modelo para a covariância, muitas vezes será interessante **comparar** dois modelos aninhados, um com q efeitos aleatórios correlacionados, outro com q+1 efeitos aleatórios correlacionados.
- A diferença no número de parâmetros de covariância entre esses dois modelos é q+1, pois há uma variância adicional e q covariâncias adicionais no modelo "completo".
- Conforme mencionado em aulas anteriores, o teste da razão de verossimilhança fornece um método válido para comparar modelos aninhados para a covariância.
- No entanto, em certos casos, a distribuição nula usual para o teste da razão de verossimilhança não é mais válida.

- ► Estes testes, usualmente, são na **fronteira do espaço de parâmetros**.
  - Neste caso, a estatística da RV não tem, sob H₀, uma distribuição qui-quadrado.
- ► A distribuição neste caso é uma mistura de distribuições qui-quadrado.
  - Ou seja, por exemplo, para  $H_0: \sigma_{b_2} = 0$

$$RV \sim 0.5 \chi_q + 0.5 \chi_{q+1}$$
.

**Exemplo:** - Modelo completo: q=2 (intercepto e inclinação aleatórios) - Modelo restrito: q=1 (somente intercepto aleatório) + Teste usual (errado): nível de significância: 5,99+ Teste correto: $RV\sim0.5\chi_1+0.5\chi_2$  nível é 5,14 (Tabela, Apend. C, Fitzmaurice et al.).

- ▶ **Objetivo:** predizer perfis individuais ou identificar indivíduos acima ou abaixo do perfil médio.
- Deseja-se:

$$\hat{Y}_{i} = \hat{E}(Y_{i}|b_{i}) = X_{i}\hat{\beta} + Z_{i}\hat{b}_{i},$$

e para tal é necessário  $\hat{b}_i$ , o chamado Estimador BLUP ("Best Linear Unbiased Predictor") de  $b_i$ .

- No modelo linear misto, Y<sub>i</sub> e b<sub>i</sub> tem uma distribuição conjunta normal multivariada.
- Usando conhecidas propriedades da normal multivariada, temos que

$$\mathsf{E}(b_i|Y_i,\hat{\beta}) = GZ_i'\Sigma_i^{-1}(Y_i - X_i\hat{\beta})$$

 Usando as estimativas de máxima verossimilhança dos componentes de variância,

$$\hat{b}_i = \hat{G} Z_i' \hat{\Sigma}_i^{-1} (Y_i - X_i \hat{\beta}),$$

- o BLUP de b<sub>i</sub>.
  - ► (Abordagem empirical Bayes)

$$\hat{Y}_i = X_i \hat{\beta} + Z_i \hat{b}_i = (\hat{R}_i \hat{\Sigma}_i^{-1}) X_i \hat{\beta} + (I_{n_i} + \hat{R}_i \hat{\Sigma}_i^{-1}) Y_i,$$

em que  $Var(\epsilon_i) = R_i$ .

▶ Interpretação: média ponderada entre a média populacional  $X_i\hat{\beta}$  e o *i*-ésimo perfil observado. Isto significa que o perfil predito é "encolhido" na direção da média populacional.

- ▶ A quantidade de "encolhimento" (**shrinkage**) depende da magnitude de  $R_i$  e  $\Sigma_i$ .
  - R<sub>i</sub>: variância intra-indivíduo;
  - Σ<sub>i</sub>: variância total (entre e intra-indivíduo).
- ▶ Quando  $R_i$  é relativamente grande, e a variabilidade intra indivíduo é maior que a variabilidade entre indivíduos, mais peso é atribuído a  $X_i\hat{\beta}$ , a média populacional estimada, do que à resposta individual observada.
- Por outro lado, quando a variabilidade entre indivíduos é grande em relação à variabilidade intra indivíduos, mais peso é dado à resposta observada Y<sub>i</sub>.

- ► Finalmente, o grau de "encolhimento" em direção à média populacional também depende de *n<sub>i</sub>*.
- ► Em geral, há maior encolhimento em direção à curva média populacional quando *n<sub>i</sub>* é pequeno.
- Intuitivamente, isso faz sentido já que menos peso deve ser dado à trajetória observada do indivíduo quando menos dados estão disponíveis.

## **Avisos**

#### **Avisos**

- ▶ **Próxima aula (14/11):** Modelos lineares de efeitos mistos exemplos e implementação computacional.
- Para casa: ler o Capítulo 8 do livro "Applied Longitudinal Analysis".
  - ► Caso ainda não tenha lido, leia também os Caps. 1, 2, 3, 4, 5, 6 e 7.

## Bons estudos!

