MAT02035 - Modelos para dados correlacionados

Modelos lineares de efeitos mistos (continuação)

Rodrigo Citton P. dos Reis citton.padilha@ufrgs.br

Universidade Federal do Rio Grande do Sul Instituto de Matemática e Estatística Departamento de Estatística

Porto Alegre, 2022



Formulação de efeitos aleatórios em dois estágios

Formulação de efeitos aleatórios em dois estágios

Formulação em dois estágios

O modelo linear de efeitos mistos

$$Y_i = X_i \beta + Z_i b_i + \epsilon_i$$

pode ser motivado por uma formulação de efeitos aleatórios em dois estágios do modelo.

- Algumas das principais ideias do modelo de efeitos mistos são melhor compreendidas considerando que o modelo é resultante de uma especificação em dois estágios.
- No entanto, esta formulação introduz algumas restrições desnecessárias no modelo.

No primiero estágio, assume-se que os indivíduos têm cada um a sua própria e única trajetória de resposta média.

$$Y_i = Z_i \beta_i + \epsilon_i, \ \epsilon_i \sim N(0, \sigma^2 I_{n_i}).$$

A ideia essencial do modelo do primeiro estágio é ajustar modelos de regressão em separado para os dados de cada indivíduo, mas com a condição que estas regressões envolvem o mesmo conjunto de covariáveis, Z_i.

- A matriz Z_i especifica como a resposta média do indivíduo muda ao longo do tempo e/ou como a resposta média muda com outras covariáveis tempo-dependente (idade, altura).
 - Por exemplo, pode ser assumido que a trajetória da resposta média é linear, quadrática, ou uma função spline do tempo.
 - Exemplo: trajetórias indivíduo-específicas (assumidas) lineares no tempo.

$$\begin{pmatrix} Y_{i1} \\ Y_{i2} \\ \vdots \\ Y_{in_i} \end{pmatrix} = \begin{pmatrix} 1 & t_{i1} \\ 1 & t_{i2} \\ \vdots & \vdots \\ 1 & t_{in_i} \end{pmatrix} \begin{pmatrix} \beta_{1i} \\ \beta_{2i} \end{pmatrix} + \begin{pmatrix} \epsilon_{i1} \\ \epsilon_{i2} \\ \vdots \\ \epsilon_{in_i} \end{pmatrix}.$$

Exercício: repita o exemplo para o caso de trajetórias quadráticas no tempo.

- Assumimos que os β_i são aleatórios: $\beta_i \sim D(\mathsf{E}[\beta_i], \mathsf{Cov}(\beta_i))$, em que D é uma distribuição de probabilidade a ser especificada pelo pesquisador.
- A média e a covariância de β_i são os parâmetros populacionais que são modelados no segundo estágio.
 - A variação de β_i de um indivíduo para outro é modelada como uma função de um conjunto de covariáveis **tempo-invariante** (grupo de tratamento).

► Em particular,

$$\mathsf{E}\left(\beta_{i}\right)=A_{i}\beta,$$

em que A_i é uma matriz $q \times p$ de um conjunto de covariáveis tempo-invariante, e

$$Cov(\beta_i) = G.$$

A especificação de um modelo para a média e a covariância de β_i completa o segundo estágio da formulação do modelo.

Considere o exemplo hipotético de um estudo que compara dois grupos: tratamento (Grupo_i = 1) e controle (Grupo_i = 0). Assumimos que as mudanças indivíduo-específicas na resposta média são lineares, ou seja, o primeiro estágio do modelo é dado por

$$\begin{pmatrix} Y_{i1} \\ Y_{i2} \\ \vdots \\ Y_{in_i} \end{pmatrix} = \begin{pmatrix} 1 & t_{i1} \\ 1 & t_{i2} \\ \vdots & \vdots \\ 1 & t_{in_i} \end{pmatrix} \begin{pmatrix} \beta_{1i} \\ \beta_{2i} \end{pmatrix} + \begin{pmatrix} \epsilon_{i1} \\ \epsilon_{i2} \\ \vdots \\ \epsilon_{in_i} \end{pmatrix}.$$

No segundo estágio podemos permitir que β_i dependa do grupo de tratamento

$$E(\beta_{1i}) = \beta_1 + \beta_3 Grupo_i,$$

$$E(\beta_{2i}) = \beta_2 + \beta_4 Grupo_i.$$

- Neste modelo, β_1 é o intercepto médio no grupo controle, enquanto que $\beta_1 + \beta_3$ é o intercepto médio do grupo tratamento.
 - $ightharpoonup eta_3$ representa a **diferença** do grupo tratamento **no intercepto médio**.
- Similarmente, β_2 é a inclinação média, ou taxa de mudança na resposta média ao longo do tempo, no grupo controle, enquanto que $\beta_2 + \beta_4$ é a inclinação média no grupo tratamento.
 - β₄ tem a interpretação em termos de uma diferença do grupo tratamento na inclinação média.

Neste modelo a matriz de delineamento A_i de covariáveis invariantes no tempo tem a seguinte forma:

$$A_i = \left(\begin{array}{ccc} 1 & 0 & \operatorname{Grupo}_i & 0 \\ 0 & 1 & 0 & \operatorname{Grupo}_i \end{array}\right).$$

Assim, para o grupo controle, o modelo para média é

$$\mathsf{E}\left(\begin{array}{c}\beta_{1i}\\\beta_{2i}\end{array}\right) = \left(\begin{array}{ccc}1 & 0 & 0 & 0\\0 & 1 & 0 & 0\end{array}\right) \left(\begin{array}{c}\beta_1\\\beta_2\\\beta_3\\\beta_4\end{array}\right) = \left(\begin{array}{c}\beta_1\\\beta_2\end{array}\right);$$

similarmente, para o grupo tratamento, o modelo para média é

$$\mathsf{E}\left(\begin{array}{c}\beta_{1i}\\\beta_{2i}\end{array}\right) = \left(\begin{array}{ccc}1 & 0 & 1 & 0\\0 & 1 & 0 & 1\end{array}\right) \left(\begin{array}{c}\beta_1\\\beta_2\\\beta_3\\\beta_4\end{array}\right) = \left(\begin{array}{c}\beta_1 + \beta_3\\\beta_2 + \beta_4\end{array}\right).$$

► Também é assumido que a variação residual em β_i , que não pode ser explicada pelo efeito de grupo, é

$$G = \left(\begin{array}{cc} g_{11} & g_{12} \\ g_{21} & g_{22} \end{array}\right),$$

em que
$$g_{11} = \text{Var}(\beta_{1i})$$
, $g_{22} = \text{Var}(\beta_{2i})$ e $g_{12} = g_{21} = \text{Cov}(\beta_{1i}, \beta_{2i})$.

• g_{11} é a variância de β_{1i} , depois de ajustar pelo efeito de grupo de tratamento.

Formulação em dois estágios

Reescrevendo

$$\beta_i = A_i \beta + b_i,$$

em que b_i tem uma distribuição multivariada com média zero e matriz de covariância G, podemos combinar os dois componentes do modelo em dois estágios, obtemos

$$Y_{i} = Z_{i}\beta_{i} + \epsilon_{i}$$

$$= Z_{i}(A_{i}\beta + b_{i}) + \epsilon_{i}$$

$$= (Z_{i}A_{i})\beta + Z_{i}b_{i} + \epsilon_{i}$$

$$= X_{i}\beta + Z_{i}b_{i} + \epsilon_{i},$$

em que
$$X_i = Z_i A_i$$
.

Formulação em dois estágios: comentários

- Embora este modelo seja bastante similar àquele apresentado anteriormente, há uma importante diferença.
- ▶ O modelo de dois estágios impõe uma restrição na escolha da matriz de delineamento dos efeitos fixos, que requer a estrutura $X_i = Z_i A_i$, em que A_i contém apenas covariáveis invariantes no tempo e Z_i contém apenas covariáveis variantes no tempo.
- Isso implica que qualquer covariável tempo-dependente deve ser especificada como efeito aleatório, o que é uma restrição desnecessária e, em algumas situações, inconveniente!

Formulação em dois estágios: comentários

- ► Por outro lado, uma estrutura simples para a covariância impõe uma estrutura bastante simples para a média!
- Vimos que uma covariância simetria composta é obtida do modelo com interceptos aleatórios,

$$Y_i = Z_i \beta_i + \epsilon_i$$

sendo Z_i um vetor $n_i \times 1$ de "uns".

 Tal modelo impede qualquer dependência da resposta no tempo, isto é,

$$\mathsf{E}(Y_i) = (Z_i A_i) \beta$$

não pode depender do tempo, pois o tempo, como variável intra-indivíduo, não foi incluído em Z_i no primeiro estágio.

Inferência para o modelo linear de efeitos mistos

Inferência para o modelo linear de efeitos mistos

Inferência para o modelo misto

Considere o modelo

$$Y_i = X_i \beta + Z_i b_i + \epsilon_i,$$

em que, $b_i \sim N_q(0, G(\alpha))$ e $\epsilon_{ij} \sim N(0, \sigma^2)$, b_i e ϵ_{ij} independentes.

- ► Tem-se: p efeitos fixos e $\frac{q(q+1)}{2} + 1$ efeitos aleatórios.
- ▶ Inferência estatística para $\theta = (\beta, \alpha, \sigma^2)$:
 - 1. Máxima verossimilhança.
 - 2. Máxima verossimilhança restrita.

Inferência para o modelo misto

A função de verossimilhança é dada por:

$$L(\theta|y) = \prod_{i=1}^{N} p(y_i|\theta)$$

$$= \prod_{i=1}^{N} \int p(y_i, b_i|\theta) db_i$$

$$= \prod_{i=1}^{N} \int p(y_i|b_i, \theta) p(b_i|\theta) db_i,$$

em que $p(y_i|b_i,\theta) \sim N_{n_i}(X_i\beta + Z_ib_i,\sigma^2I_{n_i})$ e $p(b_i|\theta) \sim N_q(0,G)$.

Note que $p(y_i|\theta) \sim N_{n_i}(X_i\beta, Z_iGZ_i' + \sigma^2I_{n_i})$.

Escolha entre modelos de covariância de efeitos aleatórios

Escolha entre modelos de covariância de efeitos aleatórios

Embora o modelo linear de efeitos mistos assume que as respostas longitudinais dependem em uma combinação dos efeitos populacionais e indivíduo-específicos, quando tomamos a média com respeito a distribuição dos efeitos aleatórios

$$\mathsf{E}(Y_i) = X_i\beta,$$

e a covariância entre as respostas tem a estrutura distinta de efeitos aleatórios

$$Cov(Y_i) = Z_i G Z_i' + \sigma^2 I_{n_i}.$$

- Da perspectiva de modelar a covariância, a estrutura de efeitos aleatórios é atraente porque o **número de parâmetros de covariância**, $q \times (q+1)/2 + 1$, é o mesmo, independentemente do número e do momento das ocasiões de medição.
- Em muitas aplicações, será suficiente incluir apenas interceptos e inclinações aleatórios para o tempo (um total de 2 × (2+1)/2+1 = 4 parâmetros de covariância), permitindo assim a heterogeneidade nas variâncias e correlações que podem ser expressas como funções do tempo.
- Em outras aplicações, uma estrutura de efeitos aleatórios mais complexa pode ser necessária.

- Na escolha de um modelo para a covariância, muitas vezes será interessante **comparar** dois modelos aninhados, um com q efeitos aleatórios correlacionados, outro com q+1 efeitos aleatórios correlacionados.
- A diferença no número de parâmetros de covariância entre esses dois modelos é q+1, pois há uma variância adicional e q covariâncias adicionais no modelo "completo".
- Conforme mencionado em aulas anteriores, o teste da razão de verossimilhança fornece um método válido para comparar modelos aninhados para a covariância.
- No entanto, em certos casos, a distribuição nula usual para o teste da razão de verossimilhança não é mais válida.

- Estes testes, usualmente, estão na fronteira do espaço de parâmetros.
 - Neste caso, a estatística da RV, sob H₀, não tem uma distribuição qui-quadrado.
- A distribuição neste caso é uma mistura de distribuições qui-quadrado.
 - Ou seja, por exemplo, para $H_0: \sigma_{b_2} = 0$

$$RV \sim 0.5 \chi_q + 0.5 \chi_{q+1}$$
.

Exemplo

- Modelo completo: q = 2 (intercepto e inclinação aleatórios)
- Modelo restrito: q = 1 (somente intercepto aleatório)
 - Teste usual (errado): nível de significância 5%, o valor crítico é dado por 5.99.
 - ▶ Teste correto: $RV \sim 0.5\chi_1 + 0.5\chi_2$ nível de significância 5%, o valor crítico é dado por 5,14 (Tabela, Apend. C, Fitzmaurice et al.).

- Objetivo: predizer perfis individuais ou identificar indivíduos acima ou abaixo do perfil médio.
- Deseja-se:

$$\widehat{Y}_i = \widehat{E}(Y_i|b_i) = X_i\widehat{\beta} + Z_i\widehat{b}_i,$$

e para tal é necessário \hat{b}_i , o chamado \structure{Estimador BLUP, "Best Linear Unbiased Predictor" de b_i .

- No modelo linear misto, Y_i e b_i tem uma distribuição conjunta normal multivariada.
- ▶ Usando conhecidas propriedades da normal multivariada, temos que

$$\mathsf{E}(b_i|Y_i,\widehat{\beta}) = GZ_i'\Sigma_i^{-1}(Y_i - X_i\widehat{\beta})$$

 Usando as estimativas de máxima verossimilhança dos componentes de variância,

$$\widehat{b}_i = \widehat{G} Z_i' \widehat{\Sigma}_i^{-1} (Y_i - X_i \widehat{\beta}),$$

- o BLUP de bi.
 - ► (Abordagem empirical Bayes)

$$\widehat{Y}_i = X_i \widehat{\beta} + Z_i \widehat{b}_i = (\widehat{R}_i \widehat{\Sigma}_i^{-1}) X_i \widehat{\beta} + (I_{n_i} - \widehat{R}_i \widehat{\Sigma}_i^{-1}) Y_i,$$

em que
$$\operatorname{Var}(\epsilon_i) = R_i$$
, e
 $\widehat{\Sigma}_i \widehat{\Sigma}_i^{-1} = I_{n_i} = (Z_i \widehat{G} Z_i' + \widehat{R}_i) \widehat{\Sigma}_i^{-1} = Z_i \widehat{G} Z_i' \widehat{\Sigma}_i^{-1} + \widehat{R}_i \widehat{\Sigma}_i^{-1}$.

- ▶ **Interpretação:** média ponderada entre a média populacional $X_i\widehat{\beta}$ e o *i*-ésimo perfil observado.
 - Isto significa que o perfil predito é "encolhido" na direção da média populacional.

- A quantidade de "encolhimento" (*shrinkage*) depende da magnitude de R_i e Σ_i .
 - R_i: variância intra-indivíduo;
 - $\triangleright \Sigma_i$: variância total (entre e intra-indivíduo).
- P Quando R_i é relativamente grande, e a variabilidade intra indivíduo é maior que a variabilidade entre indivíduos, mais peso é atribuído a $X_i\widehat{\beta}$, a média populacional estimada, do que à resposta individual observada.
- Por outro lado, quando a variabilidade entre indivíduos é grande em relação à variabilidade intra-indivíduos, mais peso é dado à resposta observada Y_i.

- Finalmente, o grau de "encolhimento" em direção à média populacional também depende de n_i .
- Em geral, há maior encolhimento em direção à curva média populacional quando n; é pequeno.
- Intuitivamente, isso faz sentido já que menos peso deve ser dado à trajetória observada do indivíduo quando menos dados estão disponíveis.

Avisos

- Próxima aula: Modelos lineares de efeitos mistos exemplos e implementação computacional.
- ▶ Para casa: ler o Capítulo 8 do livro "Applied Longitudinal Analysis".
 - Caso ainda não tenha lido, leia também os Caps. 1, 2, 3, 4, 5, 6 e 7.

Bons estudos!

