

Projekt z Projektowania Efektywnych Algorytmów

Jakub Grelowski - 262754

grupa K00-58e

środa - 11:15

18 grudnia 2022

prowadzący: dr inż. Jarosław Mierzwa

Zadanie projektowe nr 3

*Rozwiązanie problemu komiwojażera za pomocą algorytmu
genetycznego*

Spis treści

1	Wstęp	3
1.1	Cel projektu	3
1.2	Sposób przechowywania grafów	3
1.3	Testowany algorytm	3
1.4	Rodzaje mutacji	3
1.5	Metody krzyżowania	3
1.6	Implementacja	3
2	Problem komiwojażera	3
2.1	Asymetryczny problem komiwojażera	3
3	Algorytm genetyczny	4
3.1	Opis krokowy	4
3.2	Selekcja	4
3.3	Krzyżowanie	4
3.4	Mutacja	4
4	Implementacja	5
4.1	Najważniejsze klasy w programie	5
5	Pomiary błędu względnego	5
5.1	W zależności od czasu	5
5.1.1	ftv47.atsp	5
5.1.2	ftv170.atsp	6
5.1.3	rgb403.atsp	7
5.2	W zależności od populacji	8
5.2.1	Transposition	8
5.2.2	Inverse	9
6	Porównanie z przeszukiwaniem tabu	9
7	Wnioski	9
8	Literatura	10

1 Wstęp

1.1 Cel projektu

Celem projektu było napisanie programu umożliwiającego analize efektywności algorytmów genetycznych rozwiązujących asymetryczny problem komiwojażera.

1.2 Sposób przechowywania grafów

- Macierz incydencji

1.3 Testowany algorytm

- Algorytm genetyczny

1.4 Rodzaje mutacji

- Transpozycja
- Odwracanie

1.5 Metody krzyżowania

- OX - Order crossover

1.6 Implementacja

Do wykonania projektu wykorzystany został język C# oraz środowisko programistyczne .NET Framework w wersji 4.8.

2 Problem komiwojażera

Problem komiwojażera to problem obliczeniowy polegający na znalezieniu w grafie cyklu Hamiltona o najmniejszej wadze. Cykl Hamiltona to taki cykl, w którym każdy wierzchołek pojawia się dokładnie raz.

2.1 Asymetryczny problem komiwojażera

Kiedy przeszukiwany graf jest skierowany - czyli waga ścieżki z punktu A do punktu B jest taka sama jak waga ścieżki z punktu B do punktu A - mówimy wtedy o symetrycznym problemie komiwojażera. Tematem projektu jest jednak asymetryczny problem komiwojażera, czyli sytuacja przeciwna - waga ścieżki z punktu A do punktu B nie jest równa wadze ścieżki z punktu B do punktu A .

3 Algorytm genetyczny

Algorytm genetyczny jest metodą rozwiązywania problemu komiwojażera, polegającą na symulowaniu działania procesu ewolucyjnego. W algorytmie tym, rozwiązania reprezentowane są przez tzw. chromosomy (np. permutacje miast), a ich jakość jest oceniana przez funkcję celu (np. długość trasy).

3.1 Opis krokowy

1. Inicjalizacja populacji - losowo generowane są początkowe rozwiązania
2. Ocena jakości rozwiązań - na podstawie funkcji celu (waga ścieżki) oceniana jest jakość każdego chromosomu
3. Selekcja - na podstawie ocen jakości wybierane są najlepsze rozwiązania, które przechodzą do kolejnej generacji
4. Krzyżowanie - wybrane rozwiązania są krzyżowane ze sobą, tworząc nowe chromosomy
5. Mutacja - losowe zmiany w chromosomach, mające na celu wprowadzenie nowych cech
6. Powtarzaj kroki 2-5 aż nie zajdzie własność stopu (ograniczenie czasowe)

3.2 Selekcja

Wykorzystana selekcja losowo wybiera dwa chromosomy i wybiera najlepszy z nich do kolejnej generacji.

3.3 Krzyżowanie

Order Crossover (OX) polega na losowym wyborze dwóch fragmentów (podciągów) z jednego chromosomu rodzica, a następnie składaniu ich w nowy chromosom potomny.

1. Losowo wybierane są dwa punkty cięcia na chromosomach rodziców, tworząc dwa fragmenty chromosomów.
2. Z pierwszego chromosomu rodzica kopiuje się fragment pomiędzy punktami cięcia i umieszcza go w odpowiedniej pozycji na chromosomie potomnym.
3. Następnie reszta genów na chromosomie potomnym jest uzupełniana genami z drugiego chromosomu rodzica, w takiej kolejności w jakiej się na nim pojawiają.

3.4 Mutacja

W algorytmie genetycznym mutacja jest procesem, który ma na celu wprowadzenie nowych cech do chromosomów, co pozwala na poszukiwanie nowych rozwiązań i zwiększanie szansy na znalezienie optymalnego rozwiązania.

- Transpozycja: polega na losowym wyborze dwóch genów na chromosomie i ich zamianie miejscami
- Odwracanie: polega na losowym wyborze dwóch punktów cięcia na chromosomie, a następnie odwróceniu kolejności genów pomiędzy tymi punktami.

4 Implementacja

By zaimplementować różne metody mutacji, całość logiki algorytmu zaimplementowano w abstrakcyjnej klasie *Genetic*. Następnie utworzono konkretne implementacje tej klasy, takie jak *GeneticInverseMutation*, przesłaniające abstrakcyjną metodę *Mutate()*.

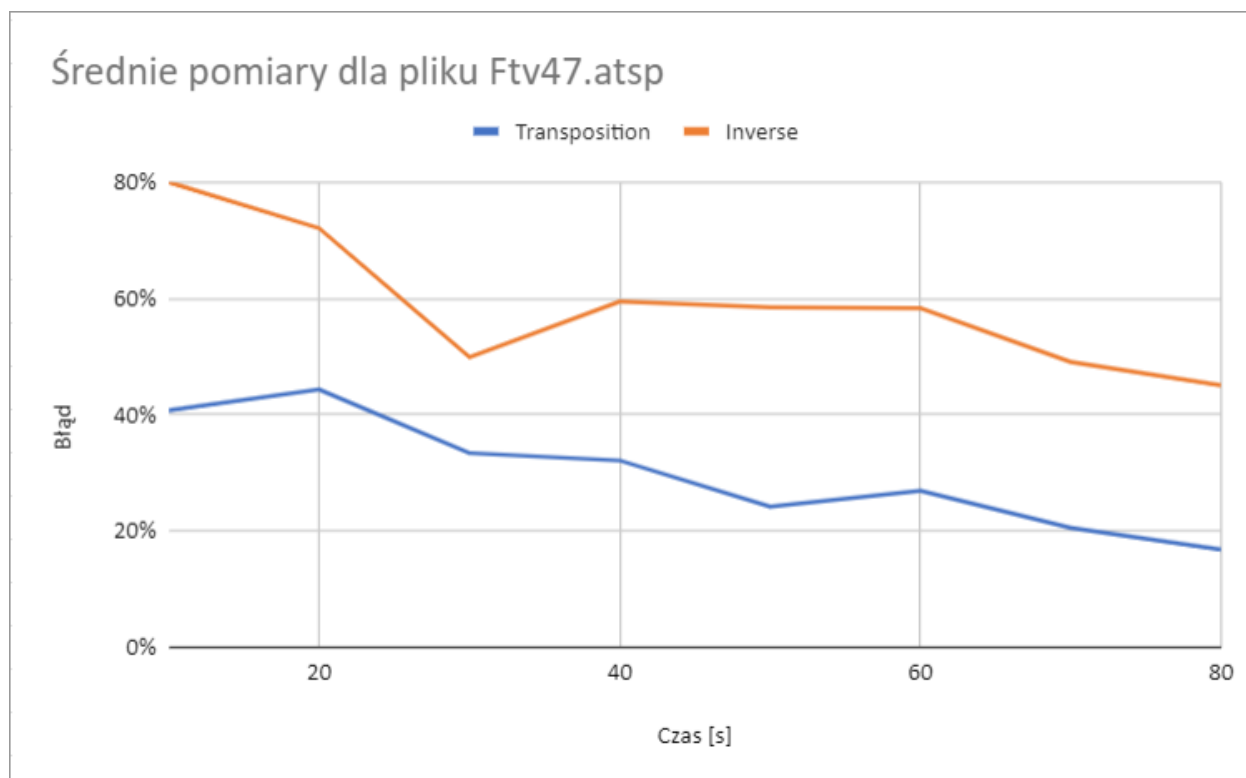
4.1 Najważniejsze klasy w programie

- *Genetic* - abstrakcyjna klasa przechowująca większość logiki.
- *GeneticInverseMutation* - implementacja *Genetic* implementująca odwracanie pozycji.
- *GeneticTranspositionMutation* - implementacja *Genetic* implementująca zamianę pozycjami.
- *Graph* - klasa przechowująca graf w postaci macierzy sąsiedztw oraz jego rozmiar.
- *GraphFactory* - klasa generująca losowy graf bądź ładująca graf z pliku tekstowego.

5 Pomiary błędu względnego

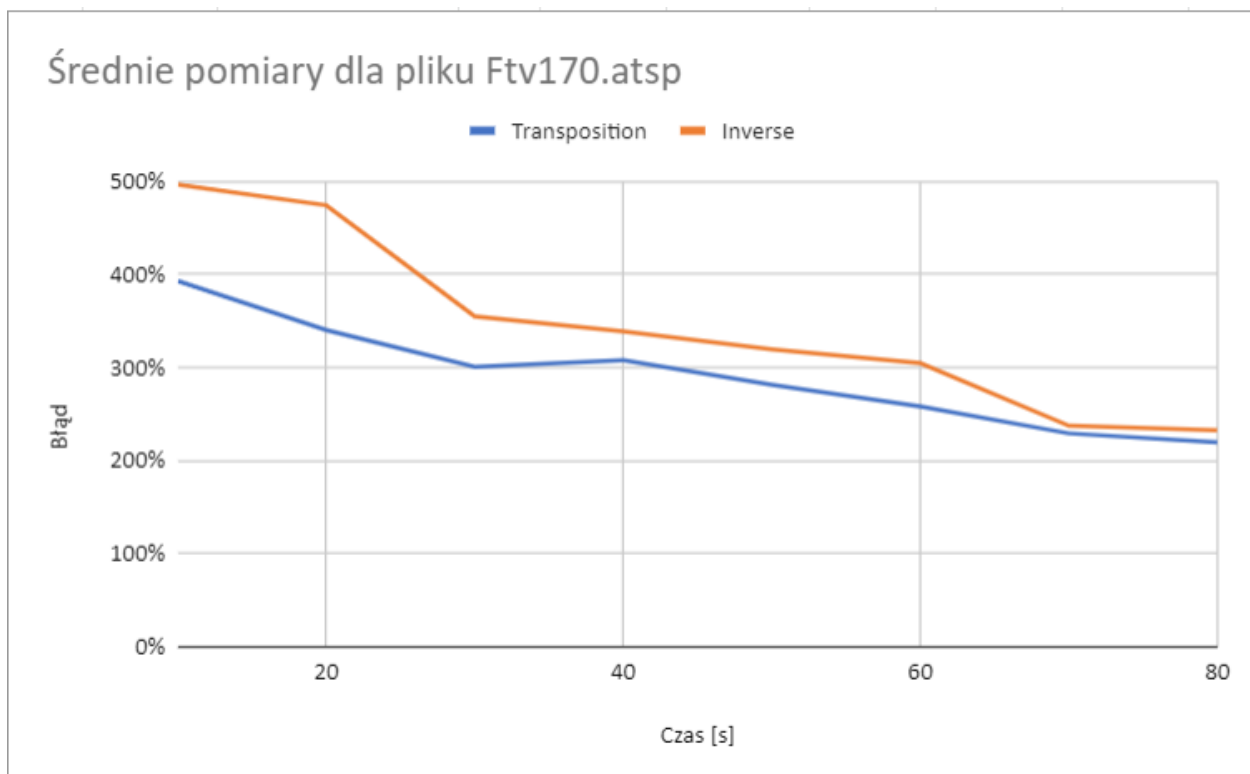
5.1 W zależności od czasu

5.1.1 ftv47.atsp



Wykres 1: Błąd względny w zależności od czasu - graf ftv47.atsp

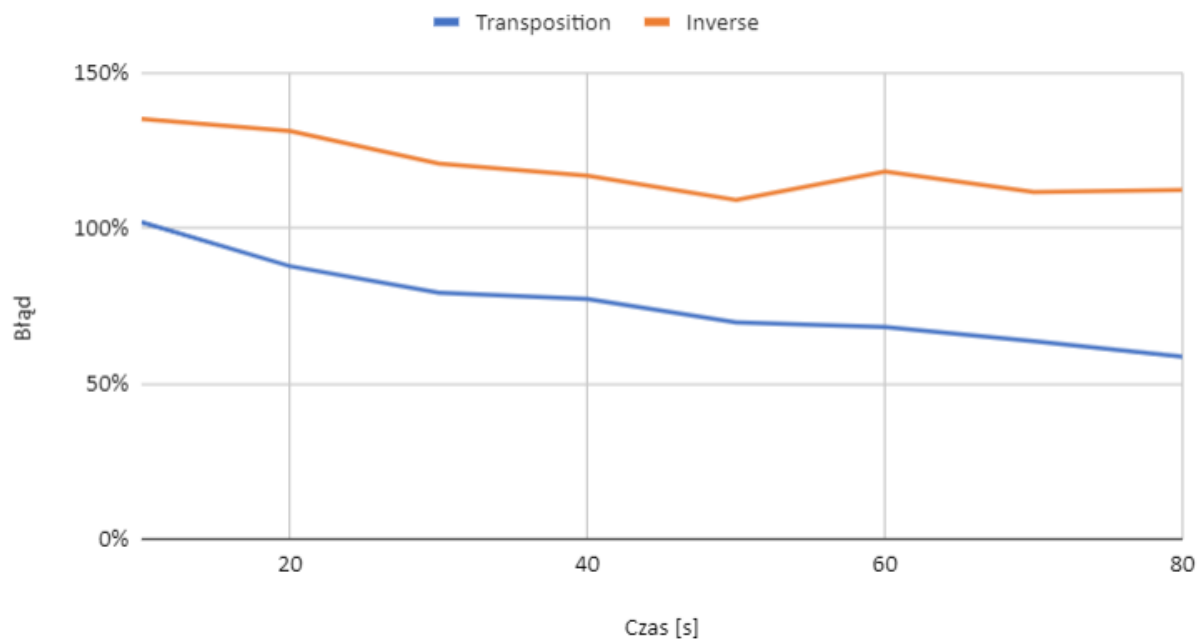
5.1.2 ftv170.atsp



Wykres 2: Błąd względny w zależności od czasu - graf ftv170.atsp

5.1.3 rgb403.atsp

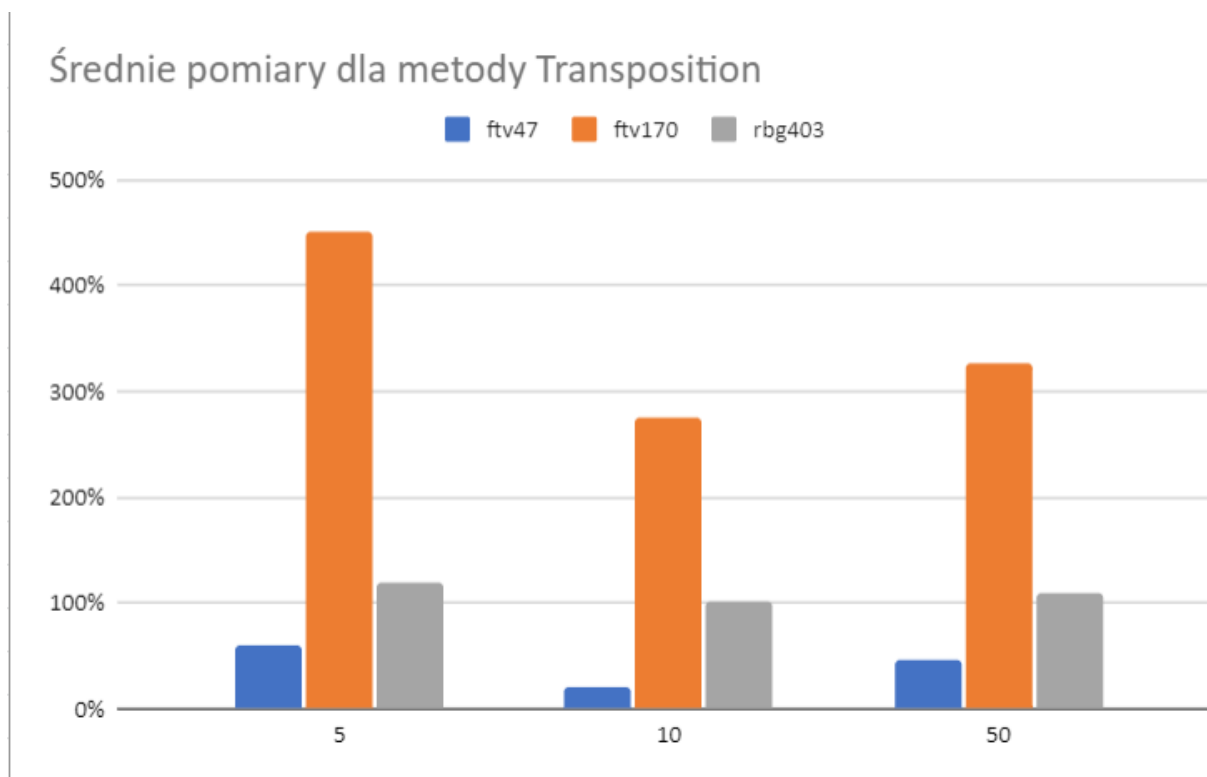
Średnie pomiary dla pliku rgb403.atsp



Wykres 3: Błąd względny w zależności od czasu - graf rgb403.atsp

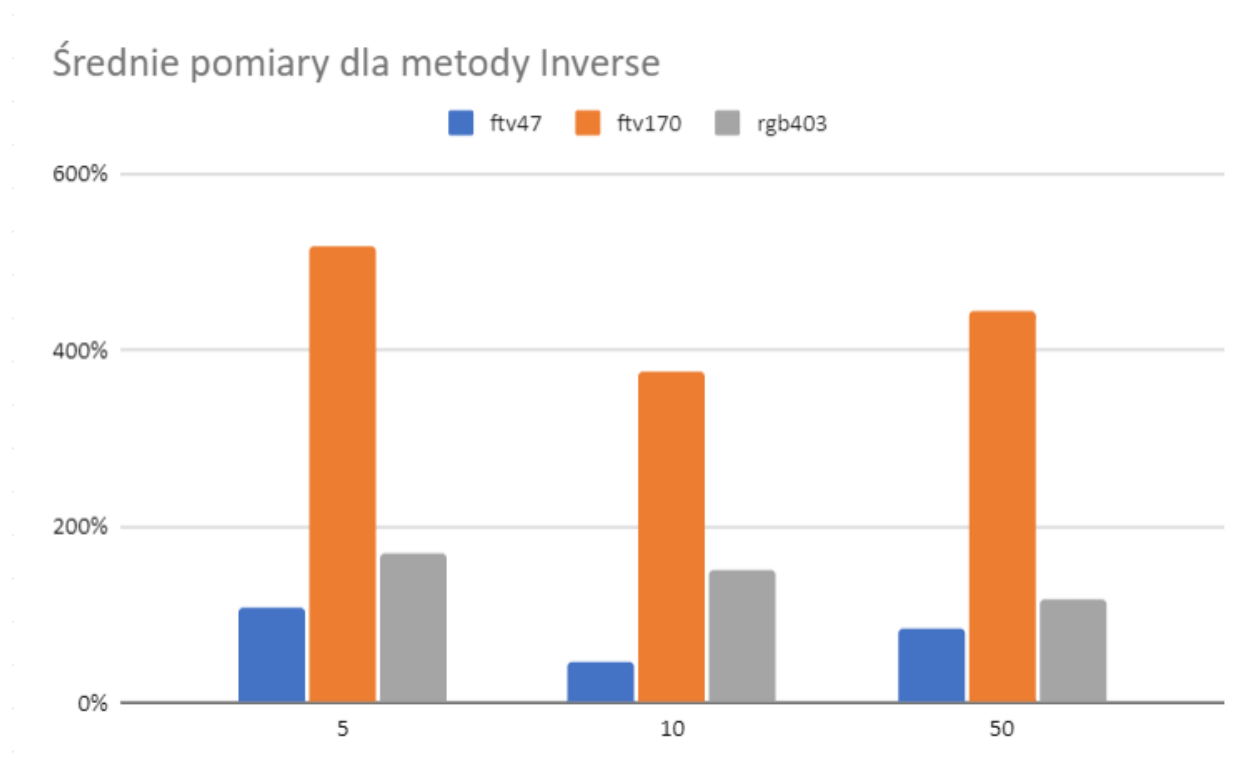
5.2 W zależności od populacji

5.2.1 Transposition



Wykres 4: Błąd względny w zależności od populacji

5.2.2 Inverse



Wykres 5: Błąd względny w zależności od populacji

6 Porównanie z przeszukiwaniem tabu

graf	tabu search	algorytm genetyczny
ftv47	2196	1973
ftv170	6443	8595
rgb403	3461	4372

7 Wnioski

Po wynikach pomiarów widoczne jest to, że istotny wpływ na jakość rozwiązań w przypadku algorytmu genetycznego mają parametry początkowe. Średnie pomiary w zależności od populacji pokazują, że dla testowanych algorytmów optymalna populacja znajduje się w okolicach 10 osobników.

Zauważyć można także, że metoda mutacji *Inverse* daje gorsze rezultaty niż metoda *Transposition*. Podobne wyniki dawały analogiczne definicje sąsiedztwa w przeszukiwaniu tabu.

Porównując rezultaty algorytmu genetycznego z algorytmem tabu widać, że algorytm tabu poradził sobie lepiej, jednak nie w każdym przypadku.

8 Literatura

1. [http://www.imio.polsl.pl/Dopobrania/Cw%20MH%2007%20\(TSP\).pdf](http://www.imio.polsl.pl/Dopobrania/Cw%20MH%2007%20(TSP).pdf)
2. <http://aragorn.pb.bialystok.pl/~wkwedlo/EA5.pdf>