باسمه تعالى



دانشگاه صنعتی اصفهان

دانشکده مهندسی برق و کامپیوتر

هوش مصنوعي

پیاده سازی مسئله n-queen به وسیله الگوریتم ژنتیک

دکتر میرزایی

ریحانه حلوائی – 9626793 معین علی زرگرزاده – 9631943 فاطمه نادی – 9636753

	فهرست مطالب
3	مقدمه
3	الگوريتم ژنتيک
	برخی اصطلاحات بکار رفته در الگوریتم ژنتیک
3	کروموزوم
3	ژن
3	نماد ژنی
4	نماد معرف
4	نسل
4	سازگاري
4	تبادل ژنی
4	جهش
4	بخش هاي اصلي الگوريتم ژنتيک
4	بخش جمعیت
4	بخش ارزیاب
5	عملگر هاي الگوريتم ژنتيک
5	انتخاب
5	تبادل ژنی
5	جهش
7	حل مسئله n وزیر بااستفاده از الگوریتم ژنتیک
7	تابع ارزياب
7	نمای کلی از تعداد جواب های ممکن برای مسئله n-queen
8	روش های پیاده سازی شده
8	شبیه سازی الگوریتم ژنتیک برای حل مسئله n وزیر
8	توضیحات مختصری از سه روش اصلی انتخاب پیاده سازی شده
8	روش 1 : چرخ رولت
8	روش 2 : 2best : ص
9	روش 3 : تورنومنت
9	مقایسه کلی تمام روش ها
11	نتیجه گیری
12	25-Queen
12	نمایشی برای یکی از جواب های به دست آمده
13	نمایش نتایج حاصل از اجرای الگوریتم:

مقدمه

الگوريتم ژنتيک¹ با به اختصار GA يكي از شناخته شده ترين روش بهينه سازي هوشمند و الگوريتم تكاملي است.

بسیاری از افراد، سایر روش های بهینه سازی هوشمند را نسخه های تغییر یافته ای از الگوریتم ژنتیک می شناسند.

مبتكر ايده الگوريتم هاى ژنتيک، جان هالند 2 بود و پس از وى، يكى از شاگردهايش به نام ديويد گلدبرگ 3 ، تلاش فراوانى براى توسعه الگوريتم هاى ژنتيک انجام داده است.

GA یک تکنیک بهینه سازی و جستجوی مبتنی بر تکرار است که بر پایه قواین ژنتیک و انتخاب طبیعی بنا شده است. این روش با یک حدس اولیه شروع شده و در دوره های متفاوت بهترین جواب ها، با توجه به عملکردشان در تابع هدف و بر آوردن معیارها و محدودیت ها، انتخاب شده و به دوره بعد انتقال می یابند بدین صورت که اعضایی که دارای ارزش بالاتری از سازگاری و کیفیت هستند با احتمال بیشتری به نسل بعد منتقل می گردند.

الكوريتم ژنتيك

برخی اصطلاحات بکار رفته در الگوریتم ژنتیک

کروموزوم⁴

برداري از اعداد که مقادير آنها با توجه به نوع کروموزوم تعيين مي شود. کروموزوم ها مشخص کننده مجموعه متغيرهاي بهينه سازي مسئله مورد نظر هستند.

ڙن⁵

بخشی از کروموزوم که خصوصیات ویژه ای را بیان می کند.

نماد ژنی 6

به ترکیب ژنی یا همان کروموزوم گفته می شود.

¹ Genetic algorithm

² John L. Holland

³ David Goldberg

⁴ Chromosome

⁵ Gene

⁶ Genotype

7نماد معر ف

به بردار حقیقی حاصل از رمزگشایی یک کروموزوم گویند .

نسل8

هر جایگزینی از جمعیت قدیمی بوسیله جمعیت جدید یک نسل نامیده می شود.

سازگاري⁹

به میزان مطلوبیت یک کروموزوم براي مسئله (مقدار حاصل از مجموعه متغیرهاي کروموزوم در تابع هدف) سازگاري گفته می شود.

تبادل ژنی¹⁰

جابجایی قسمت های متناظر از دو کروموزم

جهش 11

تغییر تصادفی و ناگهانی یک ژن در کروموزوم

بخش هاى اصلى الكوريتم ژنتيك

بخش جمعیت

در این بخش عملیات انتخاب ، جفتگیری و زاد و ولد و تولید جمعیت اتفاق می افتد.

بخش ارزیاب

این بخش در برگیرنده یک تابع ارزیاب است که وظیفه آن در هر نسل تعیین عملکرد کروموزوم های تولید شده توسط بخش اول می باشد

⁷ Phenotype

⁸ Generation

⁹ Fitness

¹⁰ Crossing

¹¹ Mutation

عملگر هاي الگوريتم ژنتيک

انتخاب

وظیفه این عملگر انتخاب والدین است و هدف آن دادن شانس تولید مثل بیشتر به آن دسته از والدینی) والدین همان کروموزوم ها هستند (است که دارای ارزش بیشتری برای مسئله هستند .

> انتخاب تصادفی انتخاب براساس شایستگی چرخه رولت انتخاب رقابتی¹² Stochastic-universal truncate

> > تبادل ژنی

وظیفه این عملگر تبادل مواد ژنتیکی (ژن ها) دو کروموزوم والد براي ایجاد فرزند جدید است.

تقاطع تک نقطه ای¹³ تقاطع دو نقطه ای تقاطع یکنو اخت¹⁴

جهش

این عملگر قابلیت الگوریتم ژنتیک را برای یافتن جواب های نزدیک بهینه افزایش می دهد و باعث ایجاد مشخصه هایی در کروموزوم والدین می شود که قبلا وجود نداشته اند. این عملگر بصورت کاملا تصادفی مقدار ژن ها را عوض می کند، نقش عملگر جهش در الگوریتم ژنتیک جلوگیری از همگرایی زودرس الگوریتم است زیرا بدون حضور آن امکان وجود کروموزوم های یکسان در جمعیت زیاد شده و وجود کروموزوم های یکسان به همگرایی زودرس الگوریتم می انجامد.

¹² Tournament

¹³ Single point

¹⁴ Uniform

Inversion Scramble Reverse Swap

حل مسئله n وزير بااستفاده از الگوريتم ژنتيک

تابع ارزياب

در تمامی الگوریتم های پیاده سازی شده که ادامه معرفی شده است fitness به گونه ای پیاده سازی شده است که شایستگی هر کروموزم براساس تعداد تهدید هایی است که متوجه کل مهره ها میباشد است.

نمای کلی از تعداد جواب های ممکن برای مسئله n-queen

n	fundamental	all
1	1	1
2	0	0
	_	
3	0	0
4	1	2
5	2	10
6	1	4
7	6	40
8	12	92
9	46	352
10	92	724
11	341	2,680
12	1,787	14,200
13	9,233	73,712
14	45,752	365,596
15	285,053	2,279,184
16	1,846,955	14,772,512
17	11,977,939	95,815,104
18	83,263,591	666,090,624
19	621,012,754	4,968,057,848
20	4,878,666,808	39,029,188,884
21	39,333,324,973	314,666,222,712
22	336,376,244,042	2,691,008,701,644
23	3,029,242,658,210	24,233,937,684,440
24	28,439,272,956,934	227,514,171,973,736
25	275,986,683,743,434	2,207,893,435,808,352
26	2,789,712,466,510,289	22,317,699,616,364,044
27	29,363,495,934,315,694	234,907,967,154,122,528

روش های پیاده سازی شده

در بین روش های ممکن برای مرحله انتخاب سه روش پیاده سازی شد که به شرح زیر است:

1. چرخ رولت 2. انتخاب دو تا بهترین ها بر اساس شایستگی 3. تورنومنت

و از بین روش های ممکن برای mutation چهار روش پیاده سازی شد که به شرح زیر است :

Swap 2. Reverse 3. Inversion 4. One point mutation .1

و در نهایت از بین روش های ممکن برای مرحله crossover دو روش به شرح زیر بیاده سازی شده است:

Single point 2. Uniform .1

که در مجموع 24 روش پیاده سازی شده است.

شبیه سازی الگوریتم ژنتیک برای حل مسئله n وزیر

کرموزم برای حل این مسئله یک آرایه n تایی میباشد که هر خانه نماد یک ژن است، هر ژن جایگاه قرارگیری مهره را در آن ستون از صفحه شطرنج به ما نشان خواهد داد.

توضیحات مختصری از سه روش اصلی انتخاب پیاده سازی شده

روش 1: چرخ رولت

این روش مطابق با همان کد اولیه ای است که استاد بر ایمان قرار داده است

روش انتخاب در این الگوریتم برپایه روش چرخه رولت میباشد و در هر نسل، نسل جدید به طور کامل جایگزین نسل قبل میشود. Crossover به شیوه single point صورت گرفته است با یک احتمالی که از ورودی دریافت میکند آیا crossover بزنیم یا خیر و جهش به این روش کار میکند که یک احتمال در نظر میگیرد که آیا برای هر یک از ژن های کروموزم جهش رخ بدهد یا خیر

روش 2 : 2best

روش انتخاب در این الگوریتم برپایه شایستگی میباشد بدین صورت که ابتدا کل جمعیت را براساس شایستگی مرتب کرده و دوتا از بهترین های آن نسل را انتخاب میکنیم و سپسبه اندازه population size این کار را در هر نسل تکرار میکنیم (در هر مرحله ابتدا کل جمعیت براساس شایستگی مرتب شده سپس دوتا بهترین کروموزم ها انتخاب میشود و این کار به اندازه سایز جمعیت تکرار میشود توجه شود در هر مرحله بچه های تولید شده جایگزین دوتا از بدترین های نسل قبل میشود)

Crossover به شیوه single point صورت گرفته است با یک احتمالی که از ورودی دریافت میکند آیا crossover بزنیم یا خیر. و جهش به این روش کار میکند که با یک احتمالی یکی از ژن های هر کروموزم به صورت تصادفی جهش بیدا میکند.

روش 3: تورنومنت

روش انتخاب در این الگوریتم برپایه روش تورنومنت میباشد بدین صورت که

Crossover به شیوه single point صورت گرفته است با یک احتمالی که از ورودی دریافت میکند آیا crossover بزنیم یا خیر. و جهش به این روش کار میکند که با یک احتمالی یکی از ژن های هر کروموزم به صورت تصادفی جهش بیدا میکند.

مقایسه کلی تمام روش ها

تمامی اطلاعات زیر با درصد احتمال crossover 90 درصد و درصد احتمال mutation 1 درصد پیاده سازی شده است.

نتایج در 1000 ایتریشن بررسی شده است. (راهنما عدد اول تعداد ایتریشن ، / ، عدد دوم FITNESS)

در بعضی از موارد برای فرار از maximum محلی درصد احتمال جهش را برابر 50 درصد قرار داده شده است تا به جواب نهایی برسد (تمامی موارد در جدول پایین ذکر شده است).

تمامی الگوریتم های پیاده سازی شده در فولدر all ذخیره و ضمیمه شده است. برای اجرای هر یک کافی است main.exe infile را و از د نمایید.

	SRAND(0)	SRAND(2)	SRAND(4)	SRAND(6)	SRAND(8)	SRAND(10)	MEAN	Result
1	34/26	12/26	39/27	76/27	77/27	232/28		Υ
2	31/26	70/26	229/27	352/26	28/26	864/27		N
3	190/26	935/27	984/27	71/26	295/27	918/28		Υ
4	245/26	797/26	121/27	622/26	720/26	0/26		N
5	846/26	647/27	646/27	965/27	451/25	2/27		Υ
	9020/28		1119/28	1113/28	7677/28			
	MU=0.5		MU=0.5		MU=0.5			
6	731/26	487/26	2/26	637/27	176/26	77/27		Υ
	1425/28	37/28	632/28	249/28	238/28	115/28		
	MU=0.5	MU=0.5	MU=0.5	MU=0.5	MU=0.5	MU=0.5		
7	0/25	386/25	1/26	76/27	728/25	2/27		N
8	0/25	27/26	60/27	280/26	58/25	0/25		N
9	0/25	121/26	2/24	19/25	4/26	0/25		N
10	0/25	2/24	8/27	520/26	122/26	0/25		N
11	0/25	124/25	2/24	331/25	4/26	0/25		N
12	0/25	2/24	8/27	4/25	1/25	27/26		N

13	0/25 25458/28 MU=0.5	534/25 28480/28 MU=0.5	509/25 5103/28 MU=0.5	223/26 11986/28 MU=0.5	4/26 20930/28 MU=0.5	4/26 636/27 MU=0.5		Y
14	819/26 6139/28 MU=0.5	176/25 7246/28 MU=0.5	4/25 20288/28 MU=0.5	4/25 22/28 MU=0.5	1/25 1523/28 MU=0.5	0/25 17004/28 MU=0.5	8703	Y
15	0/25	11/24	45/25	22/25	4/26	0/25		N
16	471/26	2/24	8/27	144/26	1/25	46/26		N
17	61/27	151/26	214/25	461/26	317/26	0/25		N
18	233/26	147/26	948/27	202/27	604/26	134/27		N
19	250/27	183/26	831/26	164/26	171/27	477/26 1 792/27 MU= 0.5		N
20	233/26	102/26	264/25	15/27	1/25	11/26		N
21	73/26 1681/28 MU=0.5	56/26 97/28 MU=0.5	646/27 169/28 MU=0.5	893/27 743/28 MU-0.5	517/25 9050/28 MU=0.5	246/26 1238/28 MU=0.5	2163	Y
22	0/25 84/28 MU=0.5	381/27 44/28 MU=0.5	326/26 414/28 MU=0.5	482/26 726/28 MU=0.5	1/25 11770/28 MU=0.5	337/26 2215/28 MU=0.5	2542	Y
23	0/25	861/25	170/26	801/25	802/25	0/25		N
24	0/25	126/25	10/26	22/26	1/25	0/25		N

ترتیب نتایج بالا به شرح زیر است:

- tournoment-swap-uniform
- tournoment-swap-singlepoint
- tournoment-reverse-uniform
- tournoment-reverse-singlepoint
- tournoment-onepoint-uniform
- tournoment-onepoint-singlepoint
- tournoment-inversion-uniform
- tournoment-inversion-singlepoint
- roullet-swap-uniform
- roullet-swap-singlepoint
- roullet-reverse-uniform
- roullet-reverse-singlepoint
- roullet-onepoint-uniform
- roullet-onepoint-singlepoint
- roullet-inversion-uniform
- roullet-inversion-singlepoint
- 2best-swap-uniform
- 2best-swap-singlepoint
- 2best-reverse-uniform
- 2best-reverse-singlepoint
- 2best-onepoint-uniform
- 2best-onepoint-singlepoint
- 2best-inversion-uniform
- 2best-inversion-singlepoint

نتیجه گیری

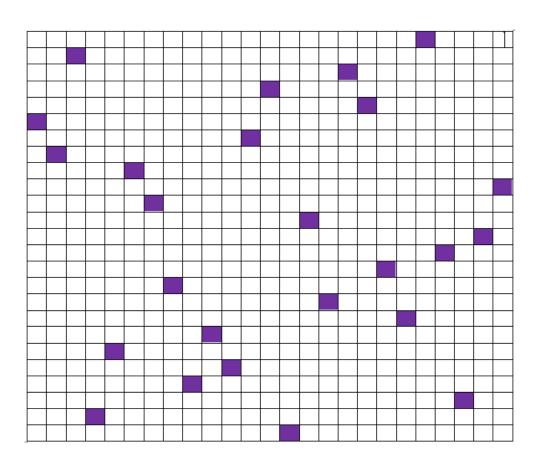
به طور میانگین روش شماره 21 که همان best - one point - uniform2 است بهترین جواب را بر روی مسئله 8 وزیر به ما میدهد. با احتمال جهش 50 درصد.

25-Queen

Result for 2best onepoint singlepoint

gen : 27105 max =	299.00 hG : 660 hF :	299.00 hIDX: 10 hCHR: 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13	25
gen : 27106 max =	299.00 hG : 660 hF :	299.00 hIDX: 10 hCHR: 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13	25
gen : 27107 max =	299.00 hG : 660 hF :	299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13	25
gen : 27108 max =	299.00 hG : 660 hF :	299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13	25
gen : 27109 max =	299.00 hG : 660 hF :	299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13	25
gen : 27110 max =	299.00 hG : 660 hF :	299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13	25
gen : 27111 max =	299.00 hG : 660 hF :	299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13	25
gen : 27112 max =	299.00 hG : 660 hF :	299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13	25
gen : 27113 max =	300.00 hG : 27113 hF :	300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23	
gen : 27114 max =	300.00 hG : 27113 hF :	300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 :	
gen : 27115 max =	300.00 hG : 27113 hF :	300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23	
gen : 27116 max =	300.00 hG : 27113 hF :	300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23	
gen : 27117 max =	300.00 hG : 27113 hF :	300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23	
gen : 27118 max =	300.00 hG : 27113 hF :	300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23	13 10
gen : 27105 max =	299.00 hG : 660 hF :	299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13	25
gen : 27106 max =	299.00 hG : 660 hF :	299.00 hIDX: 10 hCHR: 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13	25
			25
gen : 27107 max =	299.00 hG : 660 hF :	299.00 hIDX: 10 hCHR: 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13	100
gen : 2/10/ max = gen : 27108 max =	299.00 hG : 660 hF : 299.00 hG : 660 hF :	299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13	25
			25 25
gen : 27108 max =	299.00 hG : 660 hF :	299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13	25 25 25
gen : 27108 max = gen : 27109 max =	299.00 hG : 660 hF : 299.00 hG : 660 hF :	299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13	25 25 25 25 25
gen : 27108 max = gen : 27109 max = gen : 27110 max = gen : 27111 max = gen : 27112 max =	299.00 hG : 660 hF : 299.00 hG : 660 hF : 299.00 hG : 660 hF :	299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13	25 25 25 25 25
gen : 27108 max = gen : 27109 max = gen : 27110 max = gen : 27111 max = gen : 27112 max = gen : 27113 max =	299.00 hG : 660 hF : 299.00 hG : 660 hF : 300.00 hG : 27113 hF :	299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 300.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23	25 25 25 25 25 25 25 25
gen : 27108 max = gen : 27109 max = gen : 27110 max = gen : 27111 max = gen : 27112 max = gen : 27113 max = gen : 27114 max =	299.00 hG : 660 hF : 299.00 hG : 660 hF : 300.00 hG : 27113 hF :	299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 300.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23	25 25 25 25 25 25 25 25 13 10
gen: 27108 max = gen: 27109 max = gen: 27110 max = gen: 27111 max = gen: 27112 max = gen: 27113 max = gen: 27114 max = gen: 27115 max = gen: 27115 max =	299.00 hG : 660 hF : 300.00 hG : 27113 hF : 300.00 hG : 27113 hF : 300.00 hG : 27113 hF :	299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 209.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 10 14 23 10 10 10 10 10 10 10 10 10 10 10 10 10	25 25 25 25 25 25 25 13 10 13 10
gen: 27108 max = gen: 27109 max = gen: 27110 max = gen: 27111 max = gen: 27112 max = gen: 27113 max = gen: 27114 max = gen: 27115 max = gen: 27116 max = gen: 27116 max =	299.00 hG : 660 hF : 300.00 hG : 27113 hF :	299.00 hIDX: 10 hCHR: 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 299.00 hIDX: 10 hCHR: 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 299.00 hIDX: 10 hCHR: 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 299.00 hIDX: 10 hCHR: 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 299.00 hIDX: 10 hCHR: 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 299.00 hIDX: 10 hCHR: 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 300.00 hIDX: 16 hCHR: 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX: 16 hCHR: 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX: 16 hCHR: 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX: 16 hCHR: 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX: 16 hCHR: 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX: 16 hCHR: 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX: 16 hCHR: 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX: 16 hCHR: 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX: 16 hCHR: 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX: 16 hCHR: 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX: 16 hCHR: 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX: 16 hCHR: 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX: 16 hCHR: 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX: 16 hCHR: 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX: 16 hCHR: 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX: 16 hCHR: 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX: 16 hCHR: 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX: 16 hCHR: 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX: 16 hCHR: 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12	25 25 25 25 25 25 25 13 10 13 10 13 10 13 10
gen: 27108 max = gen: 27109 max = gen: 27110 max = gen: 27111 max = gen: 27112 max = gen: 27113 max = gen: 27114 max = gen: 27115 max = gen: 27115 max =	299.00 hG : 660 hF : 300.00 hG : 27113 hF : 300.00 hG : 27113 hF : 300.00 hG : 27113 hF :	299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 299.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 209.00 hIDX : 10 hCHR : 6 17 19 8 3 15 18 20 1 9 21 2 4 22 16 11 24 12 5 23 14 7 10 13 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 300.00 hIDX : 16 hCHR : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 10 14 23 10 10 10 10 10 10 10 10 10 10 10 10 10	25 25 25 25 25 25 25 13 10 13 10 13 10 13 10

نمایشی برای یکی از جواب های به دست آمده



مسئله 25 وزیر را با استفاده از الگوریتم 2best – one point – single point اجرا کرده و تمامی جواب های ممکن برای این مسئله را نمایش میدهیم (چون تعداد کل جواب ها زیاد است چند تا را به اختصار نمایش میدهیم):

کد مربوط به این قسمت در فایل best-onepoint-singlepoint2 موجود است و ضمیمه شده است.

برای اجرا کافی است main.exe infile را وارد نمایید.

و برای کامپایل فایل کافی است gcc main.c را زده و سپس a.out infile را بزنید.

نمایش نتایج حاصل از اجرای الگوریتم:

```
no 1 : 6 8 2 24 20 9 11 16 22 19 21 7 4 25 12 17 3 5 15 18 1 14 23 13 10 no 2 : 25 13 4 9 18 8 23 11 2 7 17 21 5 10 1 16 24 22 3 15 6 20 14 12 19 no 3 : 14 2 20 7 11 22 5 19 23 12 6 21 1 24 16 9 3 25 15 17 8 4 13 18 10 no 4 : 24 18 8 1 3 10 22 9 4 13 17 25 23 16 6 2 7 14 12 20 5 21 15 11 19 no 5 : 16 23 8 6 15 20 7 21 12 22 4 18 24 10 1 3 5 17 14 11 2 19 13 25 9 no 6 : 24 18 7 5 10 13 9 25 2 19 21 23 4 14 11 15 6 16 22 1 3 8 17 12 20 no 7 : 7 9 1 15 19 22 8 17 4 20 24 11 21 18 3 5 14 2 10 6 23 25 13 16 12 no 8 : 9 7 3 17 15 5 22 24 18 13 25 4 1 8 10 2 14 20 23 21 19 11 16 6 12 no 9 : 25 9 13 20 8 23 11 19 14 2 6 3 15 22 24 16 4 17 1 5 10 12 7 21 18 no 10 : 12 25 6 10 13 24 17 9 16 23 1 7 15 2 8 5 3 22 19 11 20 14 21 18 4 no 11 : 13 8 12 15 21 3 10 4 24 18 5 25 11 16 19 6 22 9 1 20 14 7 2 23 17 no 12 : 6 10 16 4 22 8 25 14 24 20 9 5 2 15 1 23 7 3 18 11 13 19 17 12 21
```