

Modelos de Regresión y Series de Tiempo (MRST) 2024 - 02

Clase 5 – MRLS Verificación de supuestos

Docente: Natalia Jaramillo Quiceno

Escuela de Ingenierías

natalia.jaramilloq@upb.edu.co



Regresión lineal simple Validación de supuestos (adecuación del modelo)



Las principales premisas que se han hecho hasta ahora al estudiar el análisis de regresión son las siguientes:

- La relación entre la respuesta y y la variable regresora es lineal, al menos en una forma aproximada.
- El término de error ϵ tiene media cero
- El término de error ϵ tiene varianza σ^2 constante
- Los errores no están correlacionados
- Los errores tienen una distribución normal Se requiere de esta premisa para probar hipótesis y para estimar intervalos.

Comprobación de la adecuación del modelo

Verificación de supuestos

Normalidad y varianza constante de los errores $(\varepsilon \circ e)$

Regresión lineal simple Supuestos del modelo de RLS

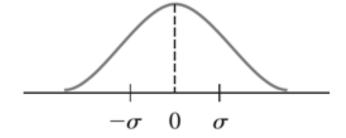




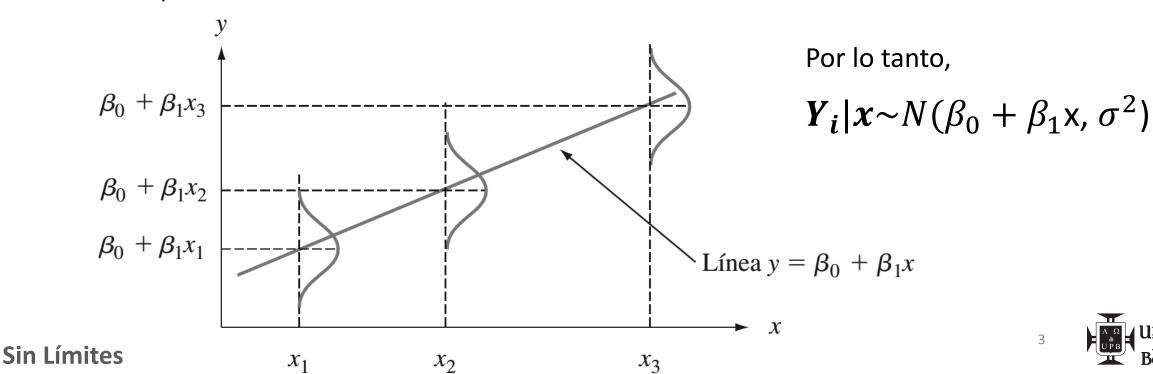


 $\epsilon_i \sim N(0, \sigma^2)$, independiente e idénticamente distribuidos*

$$*Corr(\epsilon_i, \epsilon_j) = 0$$
 y $Cov(\epsilon_i, \epsilon_j) = 0$ para $i \neq j$



Según el modelo de RLS, Y_i es una función de los ϵ_i , por lo tanto, también es una v.a. cuya media y varianza están dadas por:





Regresión lineal simple Validación de supuestos (adecuación del modelo)





Los métodos para evaluar el cumplimiento de estas premisas se basan principalmente en el estudio de los **residuales** del modelo.

Recordemos que los residuales de un modelo de regresión son,

$$e_i = y_i - \hat{y}_i, i = 1, 2, ..., n$$

En general, los estadísticos de resumen t, F o R^2 son **propiedades "globales"** del modelo, y como tal no aseguran la adecuación del mismo.



Validación de supuestos – Normalidad de los arepsilon



CASO IDEAL

Prueba de hipótesis:

 H_0 : Los errores se distribuyen normal

 H_a : Los errores no se distribuyen normal



Existen dos mecanismos para verificar el supuesto de distribución normal:

a – A través del gráfico "Q-Q" o de probabilidad normal:

Con una inspección visual se identifica si los datos se ajustan a una recta:

Probability

0.5

0 t_i

b – Mediante test

Pruebas analíticas disponibles:

- Shapiro-Wilks
- Kolmogorov-Smirnov
- Anderson Darling
- Cramér-con Mises

Criterio de decisión

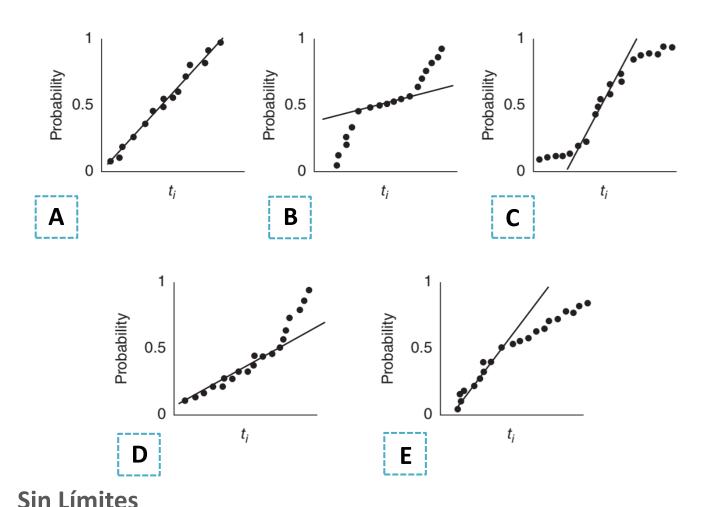
Rechazar H_0 si:

 $Valor p < \alpha$

J PB

Validación de supuestos – Normalidad de los arepsilon

Posibles resultados del gráfico de probabilidad normal



A - Caso ideal, se cumple el supuesto

No se cumple el supuesto en:

B - Colas de distribución demasiado gruesas para considerarse como normal.

 C – Colas de distribución más delgadas que la normal.

D y E – Asimetría positiva y negativa.



DB

Validación de supuestos – Normalidad de los arepsilon

Para la verificación aproximada de la **normalidad** se puede construir:

Histograma de frecuencias de los residuales

También se pueden **estandarizar los errores** como $d_i = e_i / \sqrt{\hat{\sigma}^2}, i = 1, 2, ..., n.$

- Si los errores siguen una distribución normal, entonces aproximadamente 95% de los residuales estandarizados deberán estar incluidos en el intervalo (-2, +2).
- Los residuales que se aparten de este intervalo pueden indicar la presencia de un punto atípico.







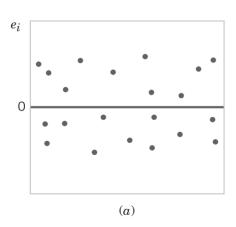
Validación de supuestos — Varianza constante de los arepsilon

Prueba de hipótesis :

 H_0 : Los errores tiene varianza constante H_a : Los errores NO tienen varianza constante

Principal mecanismo para verificar el supuesto de varianza constante...





CASO IDEAL

a - A través de alguno de los siguientes gráficos:

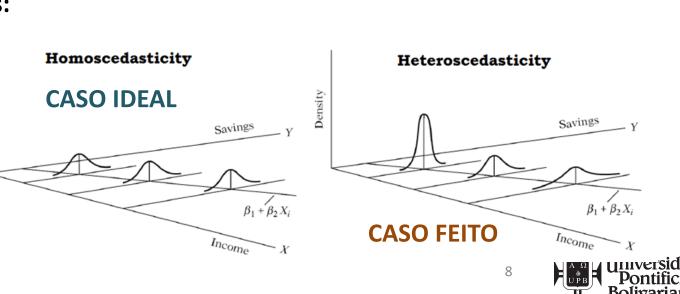
- Residuales en función de x_i .
- Residuales en función de \hat{y}_i .

b – Mediante test

Breusch-Pagan

Criterio de decisión Rechazar H_0 si:

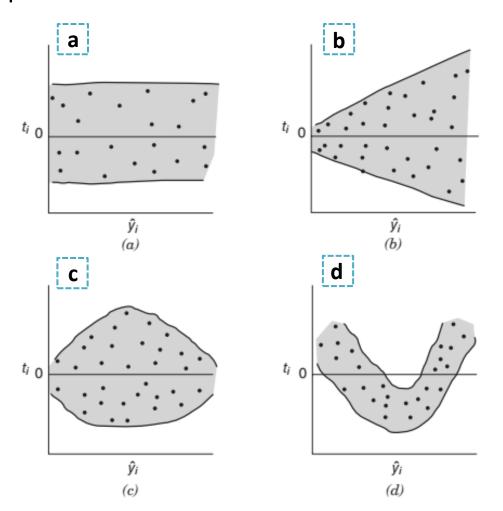
 $Valor p < \alpha$



DB

Validación de supuestos – Varianza constante de los arepsilon

Se valida utilizando gráficos de residuales vs. predichos o residuales vs. cada variable regresora. Los patrones más comunes son:



a - Caso ideal, se cumple el supuesto

No se cumple el supuesto en :

los valores de y.

b, **c**, **y d** – La varianza de los e_i parece ser función de



J PB

Validación de supuestos en R – Pruebas numéricas

NORMALIDAD

Shapiro-Wilk normality test

data: data\$residual
W = 0.98843, p-value = 0.985

Valor p de la prueba Comparar con α

> Valor p de la prueba Comparar con α

VARIANZA CONSTANTE

Breusch Pagan Test for Heteroskedasticity

Ho: the variance is constant

Ha: the variance is not constant

Data

Response : gan

Variables: fitted values of gan

Test Summary

DF = 1 Chi2 = 0.1836735 Prob > Chi2 = 0.6682351





MUCHAS GRACIAS

Natalia Jaramillo Quiceno

e-mail: natalia.jaramilloq@upb.edu.co

