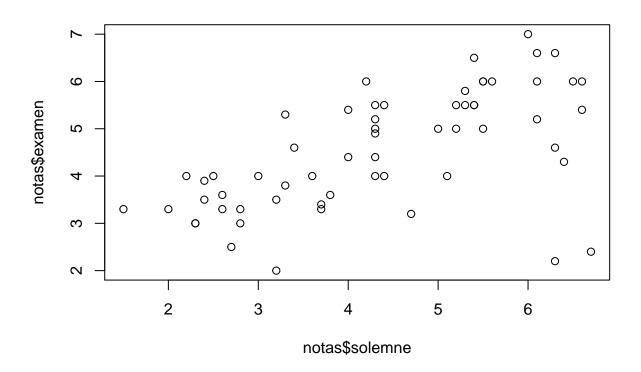
# control\_3\_ie\_solucion.R

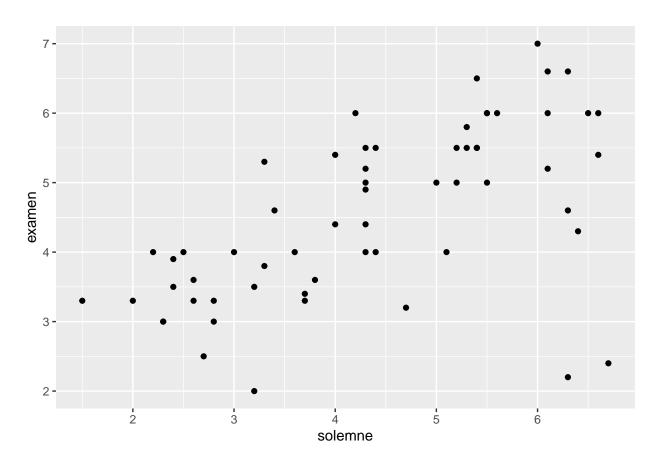
#### Asus

2019-10-02

```
library(readxl)
library(ggplot2)
library(dplyr)
##
## Attaching package: 'dplyr'
## The following objects are masked from 'package:stats':
##
##
      filter, lag
## The following objects are masked from 'package:base':
##
##
      intersect, setdiff, setequal, union
# 1) Use la funcion read_excel para importar la base de datos "nombres60.xlsx"
    quarde el tibble resultante un objeto de nombre "notas"
# Sol: (no olvidar las comillas y la extensión .xlsx del archivo)
notas <- read_excel("nombres60.xlsx")</pre>
notas # no es necesario pero ayuda a entender la solución
## # A tibble: 60 x 4
##
     apellido sexo solemne examen
##
     <chr>
              <chr>
                     <dbl> <dbl>
## 1 Mazzanti mujer
                        5.1
                                4
## 2 Naccarato mujer
                        4.3
                                5.5
## 3 Morel hombre
                         5.2
                                5
## 4 Vacca
              hombre
                         4.2
                                6
## 5 Sartori mujer
                         2.3
                              3
## 6 Schiavi mujer
                         3.2 2
## 7 Beta
              hombre
                         6.6
                              5.4
## 8 Zunino mujer
                         6.4
                              4.3
## 9 Kokokokok mujer
                         4.7
                               3.2
## 10 Grosso hombre
                         6.7
                                2.4
## # ... with 50 more rows
# 2) Cree un diagrama de dispersión, con las notas de la prueba
# solemne en el eje horizontal y las del examen en el eje vertical
# Puede usar los grafico de base o los de ggplot2
# Sol:
# Opción 1: base. Note que requiere vectores, como p.e. notas$examen
plot(notas$solemne, notas$examen)
```

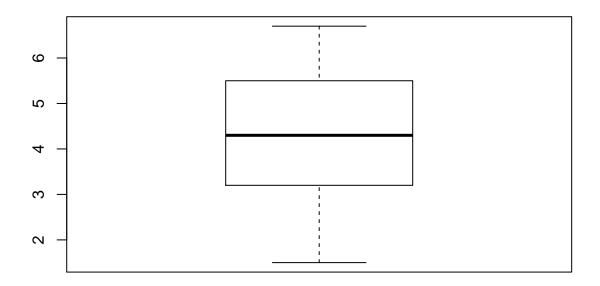


```
# Opción 2: ggplot2. Requiere el data frame y el nombre de las cols
ggplot(notas) +
geom_point(aes(x = solemne, y = examen))
```

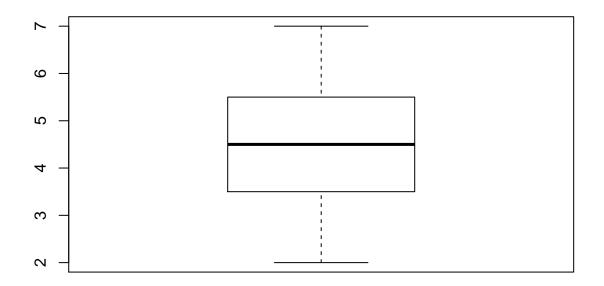


```
# 3) Cree dos diagramas boxplot: uno para las notas de la solemne
# y otro para las notas del examen
# Puede usar los grafico de base o los de ggplot2

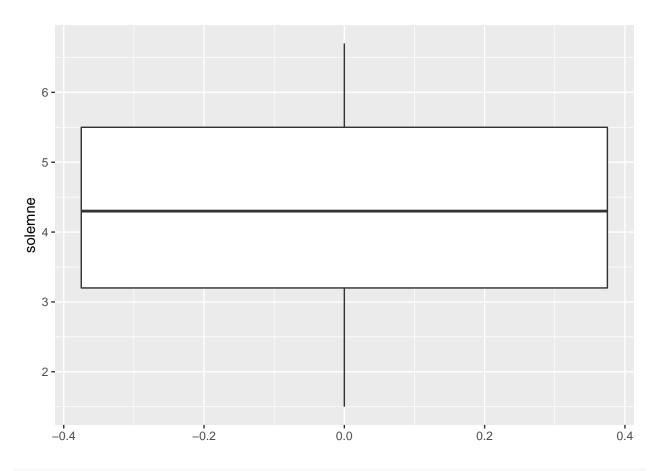
# Sol:
# Opción 1: base. Note que requiere vectores, como p.e. notas$examen
boxplot(notas$solemne)
```



boxplot(notas\$examen)



```
# Opción 2: ggplots. Requiere el data frame y el nombre de las cols
ggplot(notas) +
  geom_boxplot(aes(y = solemne))
```



```
ggplot(notas) +
geom_boxplot(aes(y = examen))
```

```
6 -
   5 -
 examen
   4 -
   3 -
   2 -
                                                                                          0.4
                          -0.2
                                                                    0.2
                                               0.0
     -0.4
\# 4) Compute la media de las notas de la prueba solemne y
# la desviacion estándar de las notas de examen
# Sol:
# Opción 1, usando vectores
mean(notas$solemne)
## [1] 4.37
sd(notas$examen)
## [1] 1.234544
# Opción 2, usando una data frame y summary (base)
notas %>%
  summarise(mean_sol = mean(solemne),
            sd_examen = sd(examen))
## # A tibble: 1 x 2
##
    mean_sol sd_examen
        <dbl>
                <dbl>
```

## 1

4.37

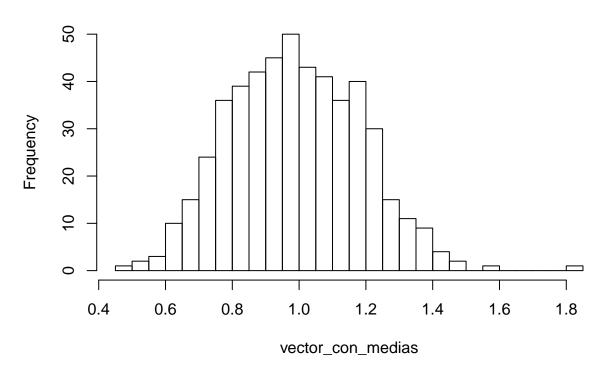
1.23

```
\# 5) Compute los quantiles 0.25 y 0.75 de las notas del examen
# Sol:
# Opción 1. Usando vectores y quantile
quantile(notas$examen, 0.25)
## 25%
## 3.5
quantile(notas$examen, 0.75)
## 75%
## 5.5
# Opción 1b. Usando vectores y summary
summary(notas$examen)
     Min. 1st Qu. Median
                             Mean 3rd Qu.
##
                                             Max.
           3.500 4.500 4.538
                                   5.500 7.000
##
# Opción 2. Usando todo el data frame y summarise
 summarise(examen_25 = quantile(examen, 0.25),
           examen_75 = quantile(examen, 0.75))
## # A tibble: 1 x 2
   examen 25 examen 75
##
        <dbl>
                  <dbl>
## 1
          3.5
                    5.5
# Opción 2b. Usando todo el data frame summary (base)
summary(notas)
##
     apellido
                          sexo
                                            solemne
                                                            examen
## Length:60
                      Length:60
                                         Min. :1.50 Min.
                                                              :2.000
## Class :character Class :character
                                         1st Qu.:3.20 1st Qu.:3.500
                                         Median:4.30
## Mode :character Mode :character
                                                        Median :4.500
##
                                         Mean
                                               :4.37
                                                       Mean
                                                              :4.538
##
                                         3rd Qu.:5.50
                                                        3rd Qu.:5.500
##
                                         Max.
                                                :6.70
                                                       Max.
                                                               :7.000
# 6) Cree una nueva tibble que contenga unicamente las observaciones
# de las personas que obtuvieron un 4 o más en el examen
# azul en el examen opcion 1
# Sol:
# Opcion 1: Indexado logico (base)
notas_exazul <- notas[notas$examen >= 4, ]
# Opcion 2: usando filter (filter)
notas_exazul <- notas %>% filter(examen >= 4)
notas_exazul
```

```
## # A tibble: 40 x 4
##
      apellido sexo solemne examen
##
      <chr>
                <chr> <dbl> <dbl>
## 1 Mazzanti mujer
                          5.1
                                  4
## 2 Naccarato mujer
                           4.3
                                  5.5
## 3 Morel hombre
                           5.2
## 4 Vacca
              hombre
                         4.2
## 5 Beta hombre
                         6.6
                                5.4
## 6 Zunino mujer
## 7 Erti mujer
                          6.4
                                 4.3
## 7 Erti
                                  5.3
                mujer
                           3.3
## 8 Bernardini hombre
                           5.4
                                  6.5
## 9 Quirino
                                  5.2
                mujer
                           6.1
                                  5.4
## 10 Dea
                hombre
                           4
## # ... with 30 more rows
# No era necesario asignar el resultado a un objeto, pero hace
# más corto el próximo código
#7) Compute la proporcion de gente que obtuvo un azul en el examen
# Sol:
# Opcion 1, usando la nueva tibble
nrow(notas_exazul)/nrow(notas)
## [1] 0.6666667
# Opcion 2.a usando el vector de notas examen y la suma de TRUE y FALSE
sum(notas$examen >= 4)/length(notas$examen)
## [1] 0.6666667
# Opcion 2.b indexando el vector de notas
length(notas$examen[notas$examen >= 4])/length(notas$examen)
## [1] 0.6666667
# Opción 3 usando la tibble original
notas %>%
  summarise(
   n = n(),
   n_{azul} = sum(examen >= 4),
   proporcion = n_azul/n
 )
## # A tibble: 1 x 3
        n n_azul proporcion
    <int> <int>
##
                      <dbl>
## 1
       60
              40
                      0.667
# 8) Suponga que tiene una población de 10000 observaciones provemientes
# de una distribución exponencial con valor esperado iqual a 1. Suponga que
# de esta poblacion extraemos muestras de tamaño igual a 25 observaciones.
```

```
\# Cree un histograma de las medias muestrales y calcule la desviación
\# estándar de las medias muestrales. Utilice 500 muestras para el histograma y
# el cálculo de la desviación estándar.
# Adaptando el código de la Guía 2, para el caso de
\# 500 muestras, de tamaños muestrales 25 y datos de una exponencial
# con valor esperado 1
muestras <- 500
n <- 25
set.seed(12345)
poblacion <- rexp(10000, rate = 1) # rate es 1/media</pre>
media_poblacional <- 1/1 # es 1</pre>
vector_con_medias <- vector(mode = "numeric", length = muestras)</pre>
for (i in 1:muestras) {
  esta_muestra <- sample(poblacion, size = n)</pre>
  media_muestral <- mean(esta_muestra)</pre>
  # cuando i=1 cambiará el primer componente del vector
  # cuando i = 2 cambiará el segundo componente del vector
  vector_con_medias[i] <- media_muestral</pre>
hist(vector_con_medias, breaks = 21)
```

## Histogram of vector\_con\_medias



```
sd(vector_con_medias)
```

### ## [1] 0.1968365

```
# 9) Repita el ejercicio anterior, pero esta vez tome muestras de tamaño igual 250.

# Es ahora la desviación estándar de la media muestral mayor o menor

# a la del ejercicio anterior?

# Sol:

# El código es idéntico al de la pregunta anterior, excepto que

# debemos cambiar el tamaño muestral (n) a 250

muestras <- 500

n <- 250

set.seed(12345)

poblacion <- rexp(10000, rate = 1) # rate es 1/media

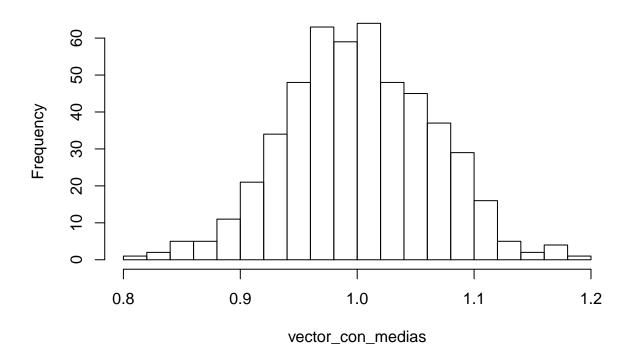
media_poblacional <- 1/1 # es 1

vector_con_medias <- vector(mode = "numeric", length = muestras)

for (i in 1:muestras) {
    esta_muestra <- sample(poblacion, size = n)
    media_muestral <- mean(esta_muestra)
    # cuando i=1 cambiará el primer componente del vector
```

```
# cuando i = 2 cambiará el segundo componente del vector
vector_con_medias[i] <- media_muestral
}
hist(vector_con_medias, breaks = 21)</pre>
```

## **Histogram of vector\_con\_medias**



```
sd(vector_con_medias)
```

#### ## [1] 0.06320894

```
# Con tamaño muestrade 25, la desviación estándar de las medias
# muestrales era igual a 0.197, mienstras que con tamaño muestral de 250,
# la misma desviación esándar es de 0.063, claramente menor que la primera.
```