	Percentage of presence of k-mers according to HIV subtypes GGGAA - 93 69 100 100 87 98 90 100 100 100 100 100 37 74 95 80 95 99														- 100						
GGGAA - ATTTC -	96	79	50	100	82	93	62	100	100	100	100	100	100	75	65	99	100	100	86		- 100
AATCC - TCCAT -	94	46 29	50 50	100 50	84 79	93	70 47	100	100	100 100	100	100 100	100	31 26	42 14	100 98	96 93	100 95	96 66		
GTATT - TTGCC -	78	42 33 55	50 50 50	50 50 50	82 71 84	84 12 85	70 34 78	100 100 100	100 100 100	100 100 100	100 100 100	100 100 100	100 100 100	30 16 35	37 12 83	88 81 94	87 87 96	80 80 100	96 59 99		
TAAAG - GAGAA - GATTT -	98	63	100 100	100 100	91 85	99 76	87 66	100 100 100	100 100 100	100 100 100	100 100 100	100 100 100	100 100 100	52 35	85 32	100 99	100 100	100 100 100	100 100		
ACTTC - GGTTC -	85	30	50	50	62 16	51 66	44	100	100	66	80	100	100 100 16	34	38 22	91 6	77 12	95	61		
GGAAT - ACATC -	95	71 37	0 100	0 100	92 84	100 47	74 68	100 100	100 100	100 100	100 100	100 100	100 100	32 33	94 54	93 98	96 100	100 100	90 99		
GGGTT - GGTTA -	83	34 31	0	50 50	65 70	78 46	44 49	62 62	100 100	100 100	100 100	0	100 100	28 24	17 41	95 98	100 100	80 71	75 83		
GTTAA - ATCAG -	79 99	58 49	50 50	50 100	83 88	84 88	77 71	87 100	100 100	100 100	100 100	100 100	100 100	97 42	80 62	81 99	93 100	95 95	96 99		
TACTG - GGATG -	95	50 34	100 100	100 100	58 83	92 80	60 67	100 100	100 100	100 100	100 100	100 100	100 100	23 34	49 38	95 99	100 100	85 100	98 100		
ATGTG - GGGTG -	65	48 25	0	0 50	77 38	99 79	42 62	100	100 100	100 66	100	100	100	28 20	82 14	99 61	100 80	95 95	86 67		- 80
TATAC - ATTTA - GAGAC -	95	58 41 45	50 100	0 50 100	83 84 80	96 39 94	59 69 71	100 100 100	100 100 100	100 100 100	100 100 100	100 100 100	100 100 100	75 28 39	73 50 64	90 91 93	100 96 87	90 100 90	67 97 99		
GAGAC - GCTTC - CTTCC -	72	23	50 50	50 50	64 67	47	49 39	100 100	100 100	100 100	100 100	100 100	100	21 21	34 28	73 81	64 80	57 71	90 83		
TCACC - ATTCC -	82	32 33	50	50	81 70	86 97	62 44	87 87	100 100	100 100	100	100 100	83 100	25 28	67 61	88 89	83 90	57 85	87 61		
GTTAT - ATCTG -	84	35 89	0 50	0 50	69 86	83 99	42 64	87 100	100 100	100 100	80 100	100 100	100 100	31 72	16 65	93 97	100 100	76 100	60 90		
GATCT - TCTGA -	86	60 54	50 50	50 50	69 89	98 98	44 46	100 100	100 100	66 100	100 100	100 100	83 83	54 59	57 59	84 87	77 100	90 100	56 55		
GAAAT - CTGTT -	71	89 71	50 50	100	96 64	99 99	98 70	100	100	100 100	100 80	100	100	55 94	96 70	95 67	100 74	100 80	99 84		
TGTTG - ACCTC -	68	33 21 24	50 0 0	100 0 0	74 51 49	77 91 94	51 39 42	100 75 75	100 100 100	100 66 66	80 60 60	100 0 0	100 50 66	22 12 11	28 38 24	42 80 83	38 83 80	52 33 33	94 77 72		
CCTCC - CCATT - CATTC -	86	24	50 0	50 0	76 64	82 15	41	100 12	100	100	100	100	100	28	27 23	98 47	96	52 23	76 69		
TTATG - TATGA -	71	55 43	0 50	0 100	67 80	79 73	33	37 100	75 100	33 100	80 100	0 100	66 100	36 34	64 16	83 97	96 29	42 52	59 57		- 60
AAAGC - ATTGA -	31 17	49	100 50	50 0	87 79	97 92	77 18	100 100	100 100	100 100	100 100	100 100	100 100	60 17	86 29	24 20	22 9	57 47	93 58		
TGTAC - ACAGA -	42 46	63 32	50 50	100	94 91	97 91	77 73	100 100	100 100	100 100	100 100	100 100	100 100	74 52	89 75	15 16	19 16	52 47	88 93		
ACTAA - TCCTG -		46 17	50 50	50 50	82 68	81 72	72 40	100	100 25	100	100	100	100 50	35 21	82 25	70 29	83 19	100 61	72 77		
₩ TCCCT -	75	29 26	50 50	50 50	66 65	94	42 62	100	100 100	100 100	100 100	100	83 100	27 29	57 28	69 69	77 74	76 71	86 89		
# CCTTA - TOTTA - TOTTA - WACCA -	80 24 21	29 24 43	50 50 50	0 50 50	80 91 87	91 84 96	67 52 73	87 100 100	100 100 100	66 100 100	100 100 60	100 100 100	83 100 100	18 29 62	35 78 84	73 11 7	74 16 12	80 42 52	78 89 86		
CTGAT - ATAGG -	36	18 88	50 50	50 50	48 98	86 99	22 80	0 100	25 100	0 100	100 100	0 100	50 100	13 95	50 86	19 78	12 83	52 85	47 92		
TGTTA - GTATC -	34 6	37 7	100 0	100	41 20	97 72	68 15	37 100	75 75	66	60 100	100 100	100 100	83 7	78 58	37 9	41 6	71	53 52		
CAACT - CTCAG -	10 24	36 44	0 50	50 50	55 86	96 95	25 37	75 100	75 50	33 100	40 100	0 100	83 100	23 23	77 69	2 25	0 19	38 52	67 81		
TAATT - AGATC -	21 20	71 54	100	100	85 73	97 95	50 37	100 87	100 50	100	100	100	100	79 68	87 55	11 17	3	52 38	84 60		- 40
CAGAT - ATTAA -	33 26 13	34 60 31	100 0 0	100 50 0	89 97 81	88 97 95	62 68 31	100 87 100	100 75 100	100 66 100	100 100 100	100 100 100	100 100 100	42 76 35	66 94 68	22 16 4	16 9 0	57 52 42	94 87 79		
ACTGT - GCCAG - ATTGT -	25 4	22	100 100	100 50	88	74 93	60 54	100	100	100	100	100	100	40 75	75 89	14 3	22	66 4	93 41		
CCTCA - TCTTT -	18 58	31	50	50 0	88 86	97 97	39 45	100 100	100 100	100 100	100 100	100 100	100 100	15 15	62 86	10 49	6 64	42 42	82 81		
CGACC - GATAC -	13 18	13 28	0	0	79 83	53 87	11 21	100 100	100 100	100 100	100 100	100 100	100 100	14 17	25 33	4 11	0 12	38 61	81 59		
AAGTC - TTTAT -	12 24	11 55	0	0 0	59 85	27 96	32 52	50 100	0 100	0 100	100	0	16 100	21 56	21 75	9 16	16 12	57 57	14 57		
CCCTA - TTTCC -	5 16	1	100 50	100 50	49 76	15	42 1	25 100	25 100	33 100	100	100	16 100	20 14	20 15	7 6	0	42	58 67		
ATGGC - TGGCC - ACTTT -	17 13 34	35 5 46	100 100	0 100 100	82 81 84	96 40 97	23 34 67	100 100 100	100 100 100	100 100 66	100 100 80	100 100 100	100 100 83	89 22 28	45 26 88	4 4 16	0 0 29	42 42 28	61 82 85		
GTGAC - TTTCT -	2	8 45	100	50	14	68 95	20 32	0 62	25	0 100	20 100	0 100	16 100	10 20	16 38	1 58	0 70	9	31		
TTCTT - CCATC -	53	9	0 50	0 50	24 74	74 55	17 44	37 25	0 25	100	100	100 100	100	12 15	24 33	50 10	64	28 47	43 71		2.0
TGGAC - CCTAT -	37 38	31 15	50 100	0 100	82 84	28 29	45 46	62 100	25 50	66 100	80 100	0 100	66 100	24 31	27 48	6 5	0	42 42	82 89		- 20
TCACG - TTTAA -	2 12	21 44	50 50	50 50	2 82	64 97	8 74	0 87	100	0 66	80	100	83	12 21	13 84	0 8	3	0 47	84		
TGCAC - CTCCC -	3 4	38 24	100 50	50 50	60	97 95	45 17	100	100 100	100 100	80 20	100	100	3	82 27	6	3	42 19	83 45		
GGCAG - GTCTA -	57 5 16	71 26 18	50 50 0	50 50 0	82 10 36	96 90 74	49 18 39	87 0 62	25 0 50	66 0 66	40 0 60	100 0 100	50 0 100	92 68 20	67 40 25	55 1 8	67 0 3	71 0 33	72 5 85		
TTGGT - TGCCC - CCCTC -	0	4 14	0 100	0 100	8 32	92 97	15 42	12 100	0 100	0 100	0 100	0 100	16 100	2 11	49 36	1 4	0	33 9	12 85		
CCTCG - CTAAC -	1 1	7	0	0 50	22 58	7 58	9	87	100	100	40	0	50	8 19	13 37	0	0	9 42	44		
GTCCT - ATTCG -	15 1	1 0	0	0 0	60 4	66 18	11 27	100 0	50 0	100	80 0	100	100 0	14 1	21 22	6 2	0	23 4	67 38		
TCTAG - CTCGT -	7 2	28 7	50	50 0	11 22	85 15	29 8	0 87	0 100	100	0 40	0	33 50	71 8	38 12	3 0	6 0	0 28	26 44		
CGTGG - TCTCG -	22 2	10	100	50 0	13 2	2	5 2	12 0	0	0	0	0	0	4 1	3 2	55 0	45 3	0	23		
CCCCC -	12 MQ	PR	0 BQ	CW	21 CU	6 TT	BB	62 AG	50 GD	100 DM	100 LC	100 MS	66 VC	3 DO	14 ' HT	11 GP	6 VI	0 BS	41 JM		- 0
										Target											