			_	of presence		_				- 100
ACTCT CTCTT	- 32	47 45	56 60	65 64	100 100	36 24	69 65	71 52	100	100
CTTTG CGACC		59 38	92 55	64 64	100 100	51 2	65 57	71 50	0 0	
CCCCT CCCTC	- 36	32 18	49 33	39 36	91 54	8 4	96 76	50 12	0 0	
ATACA	- 95	93	98	96	100	88	69	100	0	
GATGA CATGA	- 46	55 6	97 51	93 94	100 91	78 75	100 57	98 80	0 100	
GCCAG AAACC		42 66	46 61	61 60	100 91	85 57	100 84	78 50	100 70	
TTTTA	- 82	77 42	87 84	83 83	100 100	71 67	100 57	82 86	10	
TTATC GTAAG	- 34	49	45	45	83	63	92	66	0	
ACTCA TGGAC	- 46	40 32	80 79	99 61	100 58	52 89	57 84	69 94	100 90	
CATAA CACCT	- <b>62</b> - 50	83 50	89 54	95 40	100 100	90 72	100 100	83 78	10 10	
GTCAA	- 63	44 88	54 60	62 71	100 100	65 72	76 96	76 73	40 100	
TAATT TGACT	- 51	28	73	88	100	33	57	67	0	- 80
TGGTT CACTT	- 34	6 77	32 33	59 34	70 41	36 16	61 61	31 13	90	
ATTTT GAAAA	- 71	83 74	84 77	89 100	95 100	82 96	100 100	92 95	0 100	
GTTTC	- 25	3 44	13 38	2 58	25 87	16 76	92 100	4 71	0	
GTAAA TTTGT	- 52	30	44	84	100	37	57	55	40	
TGGTA GCCTA	- 33	15 10	18 47	46 40	25 37	<b>70</b> 38	57 73	33 43	100	
GTACT TTTCC	- 56 - 36	13	66 15	90 62	100 100	45 30	73 69	64 33	0	
TTCCC CAATT	- 63	1 30	35 52	79 96	70 83	46 75	65 96	47 83	0 100	
TATTG	- 76	33	26	70	91	45	76	44	100	
ATTGA TACTA	- 40	8 16	13 59	89 90	100 95	45 70	57 96	46 61	100	
AGCCA TGGAT		16 6	20 66	47 96	95 100	76 79	100 100	66 71	10 100	
ATGGC TGGCC	- 55	3	4 17	42 64	100 100	64 58	57 100	59 65	10 10	- 60
GGCCC	- 27	6 22	18 21	31 67	95 95	34 88	96 100	24 70	0 90	
GGCCA CCATT	- 47	6	56	76	95	40	76	57	0	
AAGCA GCATT	- 58	42 47	30 56	86 93	100 100	96 75	100 100	75 56	90 100	
CATTA CCTGA		35 0	21 47	70 88	95 100	87 28	100 57	62 51	100	
(A TOOAT	- 45	8 5	44 43	86 88	100 95	51 52	73 57	70 81	0	
ಕ್ಷ CTCCA	- 40	8	52	94	100	59	61	53	90	
	- 55	45 25	60 59	74 90	58 100	99 67	100 61	85 64	100 40	
ACCGC CCTTA		3 8	43	3 75	29 62	6 45	53 65	14 44	0	
ATCAC ATGAC		77 15	56 60	90 98	100 95	63 75	57 100	77 55	100 100	
CTTAG AACCT	- 45	3 11	61 47	89 49	100 75	48 29	61 73	56 39	0	
TCTGA	- 51	3	44	76	91	25	57	41	0	- 40
TTGAA GGATT	- 46	11 11	31 44	63 90	100 95	64 81	57 80	27 79	100 90	
ТТТСТ ТТСТТ		38 8	25 26	15 6	62 54	49 49	57 96	44 20	0 0	
TGAAC AGTCC	- 49	20 15	52 17	26 68	95 87	68 82	61 73	74 73	100 100	
AGCCT	- 50	16	55	69 36	58	47 47	69	67	0	
CTGCC TTAAT	- 52	54	46 48	84	25 70	53	65 57	65 47	0 100	
TCAGG CCAAG	- 26	38 10	67 26	50 14	91 37	68 62	84 96	63 39	0	
GAGGC TGGCT		3 8	27 20	16 17	45 20	67 65	100 73	23 33	100 100	
AGATC GCTGA	- 67	8 20	26 18	27 5	62 33	33 75	76 100	41 49	0 100	
GGGTA	- 16	6	23	5	54	62	57	57	0	
GCGTC TAAGT	- 21	5	14 18	38	20 50	15 19	57 96	0 14	90	
AACCC CTGGC		5 16	29 11	21 38	62 20	50 33	100 69	28 2	0 100	20
ATTGC GGGTG	- 23	13 50	15 31	2 67	25 70	17 15	100 57	15 10	0	- 20
GTTCA	- 16	1 76	38	82	91 100	30	61	50	Ō	
CCTCA CTGAG	- 18	0	43	69 41	62	8 56	80 100	31 28	0	
GCTAC TGTTT	- 15	8 45	20 17	6 2	25 20	39 36	100 96	23 1	10 60	
TCACT CACTC	- 29	47 47	19 26	66 63	100 100	8 23	57 57	33 36	0 10	
CAACG	- 26	52	38 12	43	66 45	3	57 57	36 28	0 100	
GGCTC CTTGG	- 14	10	24	25	50	46	61	18	0	
GCGAC ACTTC	- 8	1	19 37	24 54	54 91	2 29	61 57	18 32	0 0	
ACGCT GCTCC	- 10	3 6	3 12	0 18	20 29	19 32	57 61	0 5	100 100	
GGCGA TCGCA	- 17	3	9	2 12	16 29	3 23	30 7	4	0 10	
ATCGC	- 0	1 0	0	8 0	20	13	7	4	10 10 100	
TCGCT	- 0 IR	LB	0    L	TR	O YE	SA	O AF	0 KW	IQ	- 0
	,				Target	<b></b> ·	· ··		- ٦	