CCCAA - 37														- 100	
CCCAA - AACAA -	86	95	100	96	97	51	100	100	99	86	100	81	87		- 100
ATAAT - GAAAA -	86 89	90 98	100 100	68 97	67 97	77 64	100 92	100 97	89 100	73 87	100 100	85 99	90 89		
TTATG - TATGC -	43 27	64 54	30 38	50 0	29 49	38 9	76 76	72 88	65 6	55 24	100	71 42	63 40		
TGCAA - GACAT -	33 72	65 90	40 79	12 80	36 51	11 64	80 69	88 81	14 80	22 71	33 100	19 78	50 89		
CATCA - CAGAA -	60 82	82 92	15 98	58 73	92 97	53 55	61 84	95 100	95 97	64 73	83 100	71 74	79 84		
GGCAC - TCCTT -	15 41	37 58	18 10	9 21	9 38	9 40	65 57	77 56	4 35	10 47	0 100	13 55	27 57		
CTTTG - TTCCC -	60 53	65 64	9 84	64 89	47 45	88 37	53 61	59 68	94 88	67 53	100 100	67 64	71 53		
TCCCA - TATTG -	52 61	71 69	76 82	58 57	57 33	16 16	57 69	93 84	74 84	41 51	83 100	60 66	60 78		
GCCCC - AGCTG -	18 44	24 69	16 47	8 28	43 33	9 22	46 80	63 72	7 23	35 55	16 16	2 70	16 71		
GCTGG - TGGTT -	28 27	59 46	46 88	8 52	12 13	7 40	53 53	52 56	5 65	34 36	0	66 48	42 49		
TTCTA - TCTAA -	32 28	51 51	41	1 2	45 9	9	57 53	86 56	8 5	31 28	0	6	60 54		- 80
AATGA - ATAAA -	85 90	90 86	95 86	98 100	90 99	100 98	80 88	88 97	99 100	72 84	100 100	78 87	98 98		
GTGTA -	23 80	46 89	41 100	18 94	12 97	14 53	61 84	65 100	15 99	27 73	0 100	7 81	53 84		
CAATG - CAGTA -	81	85	100	97	72	98 57	53	63 68	97	73 73 55	100 100 100	66 71	92 71		
TACAC - CATGG -	73 62	85 83	92 95	54 90	56	53	73 57	72	80 77	62	100	53	79		
AACTC - TTAAA -	65 84	66 87	95 95	88 92	51 78	55 85	57 76	81 84	93 95	49 75	100 100	65 76	67 98		
AGCAG - GCAGA -	83 81	91 88	96 98	66 64	42 36	66 59	65 76	79 86	82 83	72 61	100 100	83 67	96 94		
TAATT - TTAGA -	78 86	74 85	93 89	60 100	58 94	57 98	88 61	100 79	84 100	70 88	100 100	82 87	70 95		
GATCT - AATTG -	53 90	60 85	85 97	89 92	84 96	48 90	53 92	75 100	86 98	70 77	100 100	72 82	57 99		
TTGTA - GCAAT -	74 71	75 83	98 65	88 90	95 97	57 57	100 61	100 95	96 94	75 52	100 100	81 63	85 65		
AGGGA - CAGAC -	75 66	86 80	72 61	96 96	93 91	61 51	69 61	81 75	89 94	79 70	100 100	87 82	83 73		- 60
AAGCA - AACAT -	79 86	90 90	90 78	58 90	91 97	33 96	84 76	97 100	82 98	85 81	100 100	77 74	85 95		
TACTG - TAAAG -	61 80	67 85	56 94	94 100	91 74	53 92	61 76	79 79	94 96	48 70	100 100	63 87	70 89		
TTAAG - TCTTT -	36 56	55 70	23 9	28 62	34 39	14 62	88 61	77	40 93	36 53	66 100	49 69	44 65		
AATCC -	64 52	77 66	57 8	88 62	76 46	51 18	53 57	81 95	97 85	55 62	100 100	66 83	83 65		
a CCTCA - GGGGA - TGGGC -	87 69	90 75	60 62	92 93	86 88	94 74	69 61	93 88	96 96	79 54	100 100	67 68	94 88		
TGGGC -	60 71	79 82	53 54	94 73	51 51	61 70	53 53	61 72	85 81	51 59	83 100	66 82	76 92		
GCCTA -	30 44	56 38	17 28	34	11 22	46 9	53 53	59 65	51	46 16	16 16	60	63		
GGCTG - TGTAG -	70 46	76 55	<b>71</b> 45	89 80	89 44	51 38	73 57	90 70	94 70	59 54	83 100	72 67	83 47		
TCCCT - TTCAG -	64 60	78 67	60 69	93 56	90 53	51 11	53 57	68 90	99 79	51 46	100 100 100	67 72	79 62		
ACTGT - AAGGA -	83	88	85	100	87	88	69	77	98	75	100	89	94		- 40
CACTA - CCATG -	34 22	62 28	17 37	5	24 39	12 14	57 57	77 81	2	32 7	0	8 2	50 44		
TTTTC - CCACC -	67 17	76 25	57 3	85 13	78 12	48 9	57 57	93 65	97	<b>57</b> 39	100 83	67 4	50 49		
CCCAC -	19 62	60 84	5 56	37 96	9 53	14 53	53 53	52 59	15 95	39 51	33 100	26 67	50 79		
GATTT - GTGGG -	65 67	76 85	59 55	94 96	52 59	57 64	57 57	63 70	94 92	50 54	100 100	68 66	79 81		
CCAGT - ATGAC -	68 64	82 80	100 58	92 93	46 69	42 57	53 69	68 77	93 92	59 52	100 100	66 69	79 81		
CATTC - TGGAC -	46 56	58 72	23 45	14 60	50 23	46 90	46 61	61 68	34 81	41 55	33 83	58 67	42 71		
GCTTC - GTTAG -	45 35	58 56	55 35	30 16	37 22	38 25	46 65	59 68	52 23	52 43	100 16	55 87	62 63		
TTAGT - TGATG -	73 52	70 69	86 44	93 84	86 73	72 44	92 53	86 61	94 73	80 51	100 100	95 58	77 74		
CTTGG - TTGGC -	33 62	37 78	24 14	24 62	51 14	31 57	53 46	65 61	26 81	21 52	50 100	26 66	38 54		
CAAGT - ATGTG -	32 59	56 79	5 57	14 90	15 92	11 53	53 57	68 88	11 97	47 49	33 100	69 66	49 60		- 20
TGGCC - CTTCC -	52 47	72 57	56 54	62 36	34 46	7 44	46 46	59 68	80 60	51 46	100 100	66 57	54 33		20
TTTCC - CTCCC -	47 20	59 18	58 4	57 30	7 53	9 16	57 57	68 88	79 17	41 31	100 16	65 9	22 41		
CCCTC - TCACT -	33 45	29 59	34 8	38 56	51 16	38 12	57 50	77 70	40 80	42 46	100 100	46 66	53 55		
ACTCT - CGACC -	51 46	66 56	7 54	64 58	21 11	53 53	65 53	72 59	80 79	45 39	100 100	83 67	65 54		
TTTCT - GGTGA -	34 42	21 36	11 45	58 84	64 57	29 44	61 57	88 59	80 74	41 49	100 100	23 71	37 55		
CCTCC - GACTT -	35 58	53 61	4 54	33 93	77 60	50 55	50 53	81 61	71 94	40 51	83 100	51 76	58 61		
TCCAT - CCATT -	53 55	63 66	52 58	88 64	53 55	51 50	46 61	68 72	94 96	54 48	100 100	66 67	41 64		
TATGA - AAGTC -	68 34	64 53	58 13	65 16	18 19	94 16	53 65	59 61	95 15	67 35	100 16	69 65	72 25		
CTGAT - CTAAC -	31 22	55 47	10	49 1	17 14	42 7	57 46	59 65	66 1	45 34	50	64 8	52 26		
CTGCC - GGCGA -	24 5	47	11	37 6	37 5	44	46 50	61 47	47	40 6	0	59 19	36 18		
CGCGA	BR	AR	BO	SR	PE	EC	PY Target	UY	ĞF	VE	GY	CL	CO		- 0