			Percentage	of presence	of k-mers ac	cording to H	IIV subtypes			
AGGCT -	100	99	100	100	100	100	100	100	100	- 100
TATGG -	100	99	100	100	100	100	100	100	99	
TTTGC -	99	100	100	100	100	100	100	100	100	
TTAGA -	100	99	100	100	100	100	100	100	100	
GATGT -	100	100	100	99	100	100	100	100	100	
CATCC -	99	100	100	100	100	100	100	100	100	
ACAGG -	99	100	100	100	100	100	100	100	100	
GAAGA -	100	99	100	99	100	100	100	100	100	
TAAAT -	99	100	100	100	100	100	100	100	100	
TTTAA -	99	100	100	100	100	100	100	100	100	
ACAAG -	100	99	100	100	100	100	100	100	100	00
AACAA -	99	100	100	100	100	100	100	100	100	- 80
GCAGA -	100	100	100	100	100	100	100	100	99	
AGGGG -	99	100	100	99	100	100	100	100	100	
CATGG -	100	100	100	100	99	100	100	100	100	
GAAAA -	99	100	100	100	100	100	100	100	100	
CATGT -	99	100	100	100	100	100	100	100	100	
GAGCC -	99	100	100	100	100	100	100	100	100	
CACAA -	99	100	100	100	100	100	100	100	100	
GACGA -	99	99	100	90	100	100	99	100	84	
TCCCA -	94	100	100	99	100	100	100	100	100	
AATAA -	99	100	100	100	100	100	100	100	100	- 60
GGAGG -	100	100	100	99	100	100	100	100	100	
CAAAA -	100	100	100	100	100	100	99	100	100	
- AATDT E	100	100	100	100	100	100	99	100	100	
TTAGG -	100	99	100	99	100	100	100	100	100	
CATAA -	100	99	100	100	100	100	100	100	100	
TTTGG -	99	99	100	100	100	100	100	100	100	
GATGC -	100	100	100	100	100	100	100	100	99	
TGGAA -	100	99	100	100	99	100	100	100	100	
TGTAC -	99	100	100	100	100	100	100	100	100	
ACTCC -	99	100	100	99	100	100	100	100	100	
TGTCT -	96	99	100	58	100	100	99	97	63	- 40
GCGAC -	56	22	97	21	30	43	77	85	25	
CGTCA -	98	99	95	52	99	100	96	100	99	
GTCAG -	99 100	100 99	100 100	99 100	100 100	100 100	100 100	100 100	100 100	
TATTA - TCTGT -	99	99	100	99	100	100	100	100	100	
ATAAG -	99	100	100	100	100	100	100	100	100	
ACCAC -	100	100	100	97	100	100	100	100	100	
CATTC -	99	100	97	99	99	100	99	100	100	
ACTAA -	99	100	100	100	100	100	100	100	100	
TGGTG -	100	100	100	99	100	100	100	100	100	
AGTTG -	98	96	100	98	100	100	99	100	98	
CGACG -	58	9	95	9	49	29	81	100	14	- 20
GCGTC -	99	100	100	99	100	100	69	100	100	
TGACG -	99	31	100	99	100	100	99	100	100	
GCGGA -	70	86	100	58	99	100	63	100	99	
CGGAG -	46	97	97	81	100	100	85	100	99	
GTCTC -	97	98	100	98	100	100	50	92	95	
	AFR	ASI	CRB	EUR	FSU	MEA	NAM	OCE	SAM	
					Target					