제3유형 모집단 3개 이상

☑ 검정방법

- 1. 분산분석(ANOVA): A집단 vs B집단 vs C집단 vs
 - (정규성O) ANOVA분석
 - (정규성X) 크루스칼-왈리스 검정(kruskal-wallis test)

- 1. 가설설정
- 2. 유의수준 확인
- 3. 정규성 검정 (주의) 집단 모두 정규성을 따를 경우!
- 4. 등분산 검정
- 5. 검정실시(통계량, p-value 확인) <mark>(주의) 등분산여부 확인</mark>
- 6. 귀무가설 기각여부 결정(채택/기각)

✓ 예제문제

문제 1-1

다음은 A, B, C 그룹 인원 성적 데이터이다.

세 그룹의 성적 평균이 같다고 할 수 있는지 ANOVA 분석을 실시하시오.

(유의수준 5%)

- A, B, C: 각 그룹 인원의 성적
- H0(귀무가설): A(평균) = B(평균) = C(평균)
- H1(대립가설): Not H0 (적어도 하나는 같지 않다)

```
In [1]: import pandas as pd import numpy as np import scipy.stats as stats from scipy.stats import shapiro

In [2]: # □|○|□ □□□ |

df = pd.DataFrame( {
    'A': [120, 135, 122, 124, 135, 122, 145, 160, 155, 142, 144, 135, 167],
    'B': [110, 132, 123, 119, 123, 115, 140, 162, 142, 138, 135, 142, 160],
    'C': [130, 120, 115, 122, 133, 144, 122, 120, 110, 134, 125, 122, 122]})
```

```
A B C
0 120 110 130
1 135 132 120
2 122 123 115
```

print(df.head(3))

In [3]: # 1. 가설설정 # H0 : 세 그룹 성적의 평균값이 같다. (A(평균) = B(평균) = C(평균)) # H1 : 세 그룹의 성적 평균값이 적어도 하나는 같지 않다. (not H0)

In [4]: # 2. 유의수준 확인 : 유의수준 5%로 확인

In [5]: # 3. 정규성 검정
print(stats.shapiro(df['A']))
print(stats.shapiro(df['B']))
print(stats.shapiro(df['C']))

statistic, pvalue = stats.shapiro(df['A'])
print(round(statistic,4), round(pvalue,4))

ShapiroResult(statistic=0.9314376711845398, pvalue=0.35585272312164307) ShapiroResult(statistic=0.9498201012611389, pvalue=0.5955665707588196) ShapiroResult(statistic=0.9396706223487854, pvalue=0.45265132188796997)

- 세 집단 모두 p-value 값이 유의수준(0.05) 보다 크다. 귀무가설(H0) 채택 => 정규분포를 따른다고 할 수 있다.
- 만약 하나라도 정규분포를 따르지 않는다면 비모수 검정방법을 써야 함

```
In [6]: # 4. 등분산성 검정
# H0(귀무가설) : 등분산 한다.
           # H1(대립가설) : 등분산 하지 않는다.
           print(stats.bartlett(df['A'], df['B'], df['C']) )
           BartlettResult(statistic=4.222248448848066, pvalue=0.12110174433684852)
            • p-value 값이 유의수준(0.05) 보다 크다.
              귀무가설(H0) 채택 => 등분산 한다고 할 수 있다.
   In [7]: # 5.1 (정규성0, 등분산성 0) 분산분석(F_oneway)
           import scipy.stats as stats
           statistic, \ pvalue = stats.f\_oneway(df['A'], \ df['B'], \ df['C'])
           # 주의 : 데이터가 각각 들어가야 함(밑에 예제와 비교해볼 것)
           print(round(statistic,4), round(pvalue,4) )
           3.6971 0.0346
   In [8]: # 5.2 (정규성O, 등분산성 X) Welch-ANOVA 분석
           # import pingouin as pg # pingouin 패키지 미지원
# pg.welch_anova(dv = "그룹변수명", between = "성적데이터", data = 데이터)
           # pg.welch anova(df['A'], df['B'], df['C']) 형태로 분석불가
   In [9]: # 5.3 (정규성X) 크루스칼 왈리스 검정
           import scipy.stats as stats
           statistic, pvalue = stats.kruskal(df['A'], df['B'], df['C'])
           print(round(statistic,4), round(pvalue,4) )
           6.897 0.0318
  In [10]: # 6. 귀무가설 기각여부 결정(채택/기각)
           # p-value 값이 0.05보다 작기 때문에 귀무가설을 기각한다.(대립가설채택)
           # 즉, A,B,C 그룹의 성적 평균이 같다고 할 수 없다.
           # 답: 기각
           문제 1-2 데이터 형태가 다를 경우
  In [11]: # 데이터 만들기
           df2 = pd.DataFrame( {
               130, 120, 115, 122, 133, 144, 122, 120, 110, 134, 125, 122, 122]
               })
           print(df2.head(3))
             항모
                 value
           0
                  120
             Α
                  135
           1
             Α
           2 A
                  122
  In [12]: # 각각 필터링해서 변수명에 저장하고 분석 진행
           a = df2[ df2['항목']=='A' ]['value']
b = df2[ df2['항목']=='B' ]['value']
           c = df2[ df2['항목']=='C' ]['value']
  In [13]: # 분산분석(F oneway)
           import scipy.stats as stats
           statistic, pvalue = stats.f_oneway(a, b, c)
           print(round(statistic,4), round(pvalue,4) )
           3.6971 0.0346
Loading [MathJax]/jax/output/CommonHTML/fonts/TeX/fontdata.js
```

가