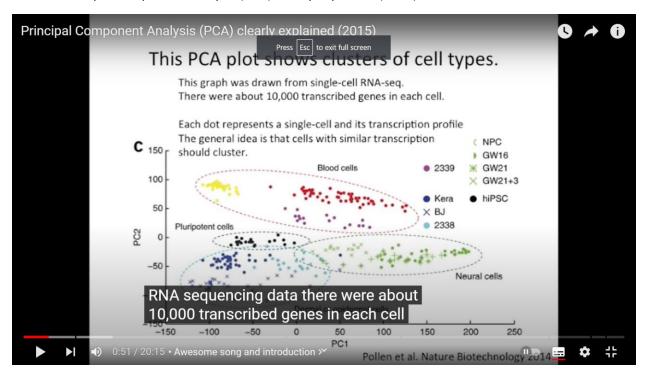
Nama: Rizka Rahmadina

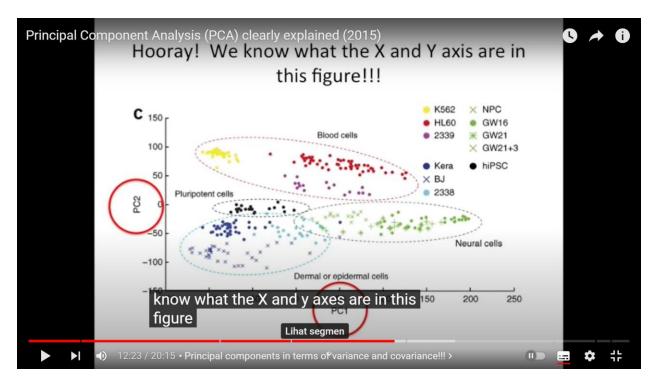
NIM: 1103204115

## Understanding 3 link statquest

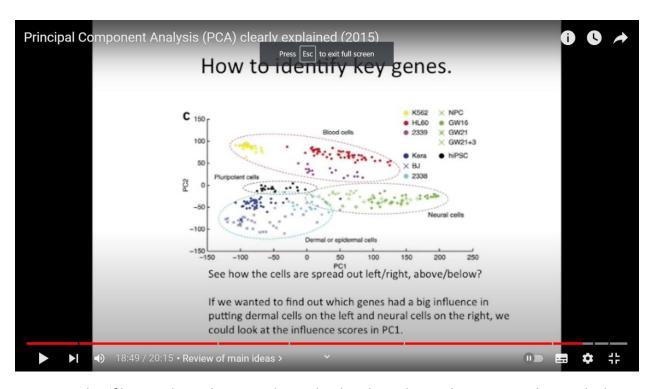
1. Principal Component Analysis (PCA) clearly explained (2015)



Pada link ini membahas tentang analisis komponen utama atau PCA. Contoh plot PCA yang didapatkan dari artikel menunjukkan kelompok jenis sel grafik diambil dari data sekuensing RNA sel Tunggal, ada sekitar 10.000 gen yang ditranskripsi di setiap sel dan setiap titik dalam grafik ini mewakili satu sel dan profil transkripsinya.

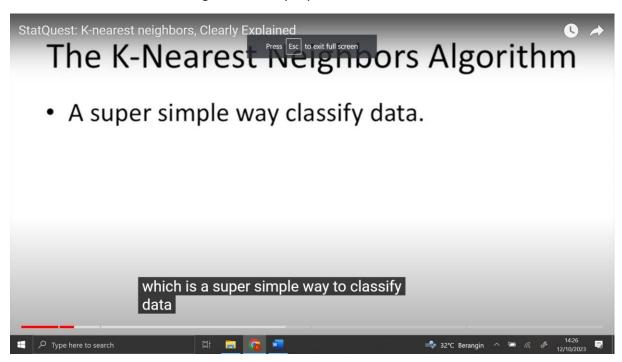


Pada gambar ini pc1 adalah arah dari sebagian besar variasi ekspresi gen & pc2 adalah variasi ekspresi gen terbanyak kedua

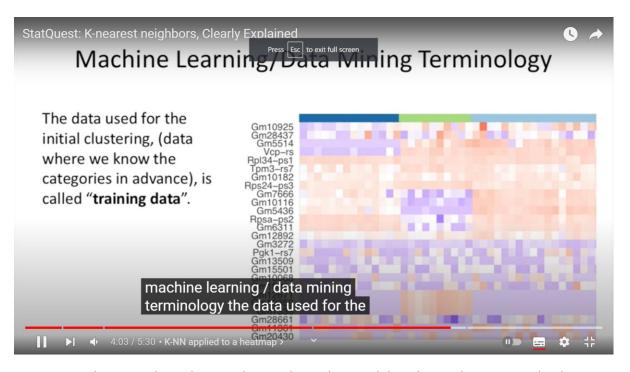


Cara mengidentifikasi gen kunci dapat menilai gen berdasarkan seberapa besar pengaruhnya terhadap jumlah komponen utama.

2. StatQuest: K-nearest neighbors, Clearly Explaine

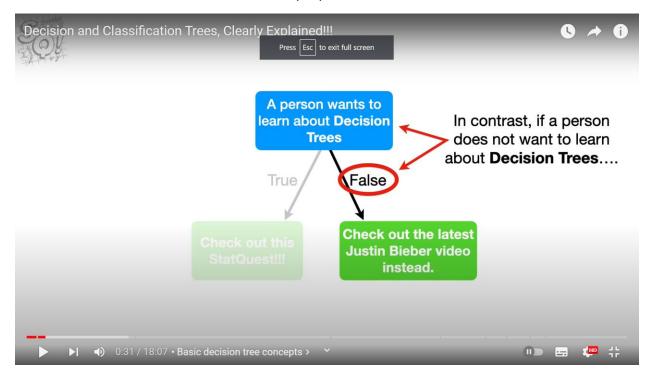


Pada link ini membahas tentang algoritma K-nearest neighbors yang merupakan cara sederhana untuk mengklasifikasikan data secara singkat

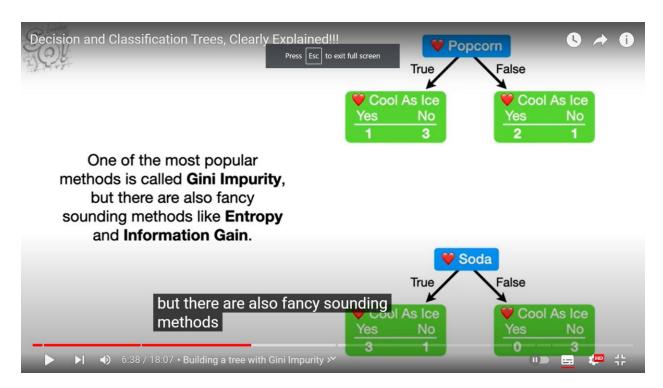


Data mining data yang digunakan untuk pengelompokan awal data dimana kita mengetahui kategorinya terlebih dahulu disebut data pelatihan.

## 3. Decision and Classification Trees, Clearly Explained!!!



Pada link ini membahas Decision and Classification Trees. Secara umum Decision Tree membuat pernyataan lalu mengambil keputusan berdasarkan apakah ada tidak nya pernyataan itu benar atau salah, jika pohon keputusan mengklasifikasikan sesuatu ke dalam kategori, maka disebut pohon klasifikasi, dan jika pohon keputusan memprediksi nilai numerik, maka disebut pohon regresi.



Ada beberapa cara untuk mengukur "impurity" daun, metode yang paling populer disebut gini impurity tetapi ada juga metode seperti entropy dan information gain, namun secara numerik semua metodenya sangat mirip akan tetapi yang paling mudah itu metode gini impurity.