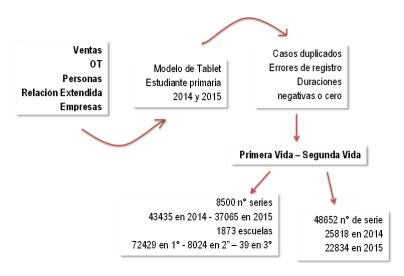
# Análisis de supervivencia de tablets del Plan Ceibal 2014-2015

#### Guillermina Costabel Artus

R Ladies Noviembre 2019



### Universo de análisis



### Análisis de supervivencia



### Función de supervivencia o confiabilidad

#### Definición

La **función de supervivencia** S(t), es la probabilidad de que el tiempo de supervivencia T sea mayor que el tiempo t. Esto es,

$$S(t) = P(T \ge t) = 1 - F(t).$$
 (1)

### Función de riesgo

#### Definición

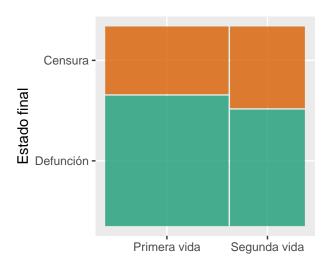
Sea la variable aleatoria T, el tiempo de supervivencia. Se define la **función de riesgo** como la probabilidad de que un individuo presente un evento en el tiempo t, condicionado en que haya sobrevivido hasta ese tiempo:

$$h(t) = \lim_{\delta t \to 0} \frac{P(t \le T < t + \delta t \mid T \ge t)}{\delta t}.$$
 (2)

# Análisis de supervivencia en R

- ggmosaic
- survival
  - Surv()
  - survfit()
  - cox.zph()
- survminer
  - ggsurvplot()
  - ggcoxzph()
  - ggcoxdiagnostics()
  - ggforest()
- muhaz
  - muhaz()
  - pehaz()

# ggmosaic()



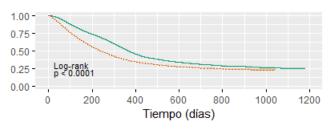


# survival, Surv() y survfit()

```
library(survival)
KMpv <- survfit(Surv(Duracion, IndDef)    1, data =
PrimeraVida)
print(KMpv, mean = "common")
sum = summary(KMpv, times = seq(0,2000, by = 90))</pre>
```

# survminer, ggsurvplot()

```
library(survminer)
ggsurvplot(KMpvsv, data = PVSV, conf.int = TRUE, risk.table =
TRUE,
cumcensor = TRUE, cumevents = TRUE, xlab = "Tiempo (días)",
ylab = "", legend = "none", legend.title = "", legend.labs =
c("Primera vida", "Segunda vida"),
linetype = "strata", pval = TRUE, pval.method = TRUE, censor
= FALSE, ...)
```



#### Número en riesgo

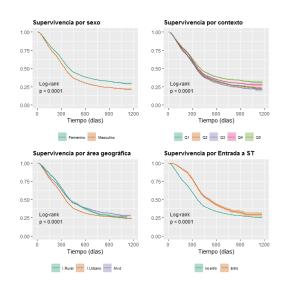
Primera vida							
Segunda vida	48652	23169	7699	1889	235	4	0

#### Número acumulado de eventos

Primera vida	0	20780	42467	50949	52807	53017	53035
Segunda vida	0	20078	27440	28488	28599	28606	28606

#### Número acumulado de censuras

Primera vida	0	949	4295	8867	23376	26501	27465
Segunda vida	0	5405	13513	18275	19818	20042	20046



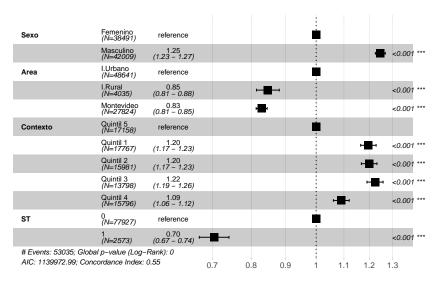
```
survival, cox.zph(). survimer, ggcoxzph(),
ggcoxdiagnostics() y ggforest()
```

```
+ ST , data = PrimeraVida)
cox.zph(mcom)

library(survminer)
ggcoxzph(mcom, ...)
ggcoxdiagnostics(mcom, type = "schoenfeld",
ox.scale = "observation.id", ...)
ggforest(mcom, PrimeraVida, ...)
```

mcom = coxph(Surv(Duracion, IndDef) Sexo + Area + Contexto

# survminer, ggforest()



# muhaz, pehaz() y muhaz()

```
library(muhaz)
pehaz(PrimeraVidaDuracion, PrimeraVidaIndDef)
muhaz(times = PrimeraVidaDuracion, delta = PrimeraVidaIndDef,
bw.method = "local", b.cor = "both", kern = "epanechnikov")
```

