

USO DE "R" APLICADO A LAS CIENCIAS VETERINARIAS

Roberto Bustillos Huilca, MVZ, MSc.

Universidad Nacional de Loja

Carrera de Medicina Veterinaria y Zootecnia

Loja, Marzo 2019



Contenido

- 1 Características de los objetos en R: modos y atributos.
- 2 Asignación. Coerción de tipos.
- 3 Vectores. Factores. Generación de secuencias regulares.
- 4 Matrices. Operaciones con matrices.
- 5 Los data.frame
- 6 Lectura de ficheros de datos.



Características de los objetos en R: modos y atributos.

- Los objetos están compuestos de elementos. Los elementos más simples, las variables, pueden ser:
 - ▷ Numeric: números reales con doble precisión. Los podemos escribir como enteros (2,-4), con fracción decimal (3.14) o con notación científica (1.2e-10).
 - ▷ Complex: números complejos de la forma $a+bi$.
 - ▷ Character: cadenas alfanuméricas de texto.
 - ▷ Logical: variables lógicas. Puede ser TRUE o FALSE.

Examples

```
patología <- "Varroasis"
```

```
macho <- FALSE
```

```
edad <- 10
```

```
peso <- 500.5
```



Datos especiales: NA's.

- En algunos casos las componentes de un objeto pueden **NO** ser completamente conocidas.
- Cuando un elemento o valor es "not available" le asignamos el valor especial **NA**.
- En general una operación con elementos NA resulta NA, a no ser que mediante una opción de la función, podamos omitir o tratar los datos faltantes de forma especial.
- La opción por defecto en cualquier función es **na.rm=FALSE** (que indica que NO elimina los NA), que da como resultado NA cuando existe al menos un dato faltante.
- Con la opción **na.rm=TRUE**, la operación se efectúa con los datos válidos.



Datos especiales: NA's.

Examples

- `x <- NA`
Asignar NA a la variable x
- `x + 1`
Observar que el resultado es también un NA
- `y <- c(x,8,4,x)`
Asignamos al vector y dos NA y dos números
- `mean(y)`
Calcula la media teniendo en cuenta los NA's.
- `mean(y,na.rm=TRUE)`
Calcula la media SIN tener en cuenta los NA's.



Datos especiales: Inf y NaN's.

- En la mayoría de los casos, no debemos preocuparnos de si los elementos de un objeto numérico son enteros, reales o incluso complejos. Los cálculos se realizarán internamente como números de doble precisión, reales o complejos según el caso.
- En determinadas ocasiones los cálculos realizados pueden llevar a respuestas con valor infinito positivo (Inf) o infinito negativo (-Inf).
- Es posible realizar y evaluar cálculos que involucren Inf.
- Sin embargo, a veces, determinados cálculos llevan a expresiones que no son números (representados por R como NaN's, del inglés "not a number").



Datos especiales: Inf y NaN's.

Examples

- `sqrt(-8)`
Produce un "Warning message" avisando que es un NaN.
- `sqrt(-8+0i)`
Calcula el resultado y devuelve un número complejo.
- `a <- 5/0`
Asignamos al vector a un valor infinito.
- `exp(-a)`
Devuelve el valor 0.
- `exp(a)-exp(a)`
Devuelve NaN: es una indeterminación.



Operadores lógicos.

- Los elementos de tipo lógico tiene dos posibilidades, **FALSE** o **TRUE**. Se pueden abreviar en F y T respectivamente.
- Los objetivos lógicos son generalmente fruto de una comparación.

Examples

Si `w <- 6`

`v <- w > 10`, produce un objeto lógico de longitud la de `x` con valor F o V.

`z <- w == 6`

- Las comparaciones que dan un resultado lógico son: `<`, `<=`, `>`, `>=`, `==`, `!=`.



Operadores lógicos.

- La aritmética entre objetos lógicos se puede llevar a cabo con los siguientes operadores lógicos.

Operador	Operación
<code>!x</code>	Negación de x. Los T los convierte en F y viceversa.
<code>x&y</code>	Intersección, operador lógico y: T y T da T, otra comparación da F
<code>x y</code>	Unión, operador lógico o: F y F da F, otra comparación da T.
<code>xor(x,y)</code>	Exclusivo OR, <code>xor(T,F)==T</code> , otra comparación da F.
<code>all</code>	Para una secuencia de argumentos lógicos, <code>all</code> devuelve el valor lógico que indica si todos los elementos son TRUE.
<code>any</code>	Para una secuencia de argumentos lógicos, <code>any</code> devuelve el valor lógico que indica si algún elemento es TRUE.



Operadores lógicos.

Examples

```
x <- c(T,T,F,F)
```

```
y <- c(T,F,T,F)
```

```
x&y produce TRUE FALSE FALSE FALSE
```

```
x|y produce TRUE TRUE TRUE FALSE
```

```
any(x) produce TRUE
```

```
all(x) produce FALSE
```

Atributos de los objetos.

- Utilizando la función `str(objeto)` podemos obtener información sobre su estructura.
- Los atributos de un objeto suministran información específica sobre el propio objeto. **TODOS** los objetos tienen dos atributos intrínsecos: **el modo y su longitud**.
- Las funciones `mode(objeto)` y `length(objeto)` se pueden utilizar para obtener el modo y longitud de cualquier estructura.

Examples

```
código <- c(1,4,9,10)
```

```
mode(código) Devuelve el tipo numeric
```

```
length(código) Devuelve la longitud
```

```
asociación <- c("Riesgo","OR","RR")
```

```
mode(asociación) Devuelve el tipo character
```

```
length(asociación) Devuelve la longitud
```



Asignación. Coerción de tipos.

- Recordar que la función principal para definir un objeto es a través de sus componentes, con la función `c()`, mediante el comando más importante en R que es `<-` el de la asignación.
- Las asignaciones pueden realizarse también con una flecha apuntando a la derecha, realizando el cambio obvio en la asignación.

Examples

`h <- 200` es equivalente a `200 -> h` pero no a `h < - 200`

- La asignación puede realizarse también mediante la función `assign()`.

Examples

`d <- c(4,8,12)` es equivalente a `assign("d", c(4,8,12))`

- En muchos contextos el símbolo `=` puede también utilizarse indistintamente para asignar un objeto.



Coerción de tipos.

- La mayoría de las funciones producen un error cuando el tipo de datos que esperan no coincide con los que ponemos en los argumentos.
 - ▷ Comprobar el tipo de datos utilizando funciones `is.algo()`, que nos responde con un valor lógico.
 - ▷ Forzar al tipo de datos deseado coercionando, para lo cual podemos utilizar funciones del tipo `as.algo()`, que fuerzan el tipo de datos.
- Para conocer si un elemento es NA, la comparación lógica `==`, no puede funcionar ya que NA es la nada. Utilizamos para ello la función `is.na()`, que nos responde con un valor lógico: TRUE para los elementos del vector que son NA.
- De manera similar, podemos utilizar `is.finite()`, `is.nan()`, etc.



Coerción de tipos.

Tipo	Comprobación	Coerción
array	is.array()	as.array()
character	is.character()	as.character()
complex	is.complex()	as.complex()
double	is.double()	as.double()
factor	is.factor()	as.factor()
integer	is.integer()	as.integer()
list	is.list()	as.list()
logical	is.logical()	as.logical()
matrix	is.matrix()	as.matrix()
NA	is.na()	-
NaN	is.nan()	-
NULL	is.null()	as.null()
numeric	is.numeric()	as.numeric()
ts	is.ts()	as.ts()
vector	is.vector()	as.vector()



Examples

Crear el vector: `secuencia <- 1:15`

`is.numeric(secuencia)` Resulta en TRUE

`is.vector(secuencia)` Resulta en TRUE

`is.complex(secuencia)` Resulta en FALSE

`is.character(secuencia)` Resulta en FALSE

`caracter <- as.character(secuencia)` Fuerza el vector `example` a tomar los valores ("1","3","4"... "15")

Factores-Variables categóricas.

- Un factor es un vector utilizado para especificar una clasificación discreta de los elementos de otro vector de igual longitud.
- En R existen dos tipos de factores.
 - ▷ No ordenados (**nominales**): No existe jerarquía entre ellos (p.e., colores).
 - ▷ Ordenados (**ordinales**): Existe jerarquía entre ellos (p.e., grupos de edad).
- Se pueden crear a partir de un vector numérico con las funciones `as.factor()`, `as.ordered()`, `gl()`.
- También a partir de un vector de caracteres utilizando `factor()`.
- Las etiquetas se asignan con `levels()`.



Examples

```
ejemplo <- as.factor(c(4,5,6,5,6,6,5,4,4)) Factor con 3 categorías.  
levels(ejemplo) <- c("bajo","medio","alto")  
ejemploord <- as.ordered(ejemplo) Factor ordenado  
age <- gl(4,5,15,labels=c("Terneros","Vaconas","Vacas","Toros"))  
age
```



Vectores de caracteres: la función `paste()`.

- R tiene algunos vectores de caracteres predefinidos: `LETTERS`, `letters`, `month.name` y `month.abb`.
- La función `paste()` une todos los vectores de caracteres que se le suministran y construye una sola cadena de caracteres. Muy útil en gráficas.
- También admite **argumentos numéricos**, que convierte inmediatamente en cadenas de caracteres.
- En su forma predeterminada, en la cadena final, cada argumento original se separa del siguiente por un espacio en blanco, aunque ello puede cambiarse utilizando el argumento `sep="cadena"`, que sustituye el espacio en blanco por cadena, la cual podría ser incluso vacía.



Examples

```
ABC <- LETTERS
```

```
abc <- letters
```

```
MESES <- month.name
```

```
meses <- month.abb
```

```
etiquetas <- paste(c("X","Y"),1:12,sep="")
```

Generación de secuencias regulares.

- El operador más usual es `:` que genera una secuencia desde: hasta en incrementos (o decremento si hasta es menor que desde) de uno.
- La función `seq()` permite generar sucesiones más complejas. Dispone de varios argumentos (from, to, by, length). Existen funciones similares.
- Una función relacionada es `rep()`, que permite duplicar un objeto de formas diversas. Su forma más sencilla es `rep(x, times=5)`.



Examples

```
pi:10
```

```
seq(0,1,length=20)
```

```
seq(5); 1:5; seq(1,5)
```

```
seq(1,10,by=0.5)
```

```
rep(1:6,2)
```

```
rep(1:4,c(2,3,1,2))
```

```
rep(1:4,c(2,2)) Nos da un error
```

```
sequence(c(2,5))
```

Matrices. Operaciones con matrices.

- Una matriz es un objeto con un atributo adicional el cual a su vez es un vector numérico de longitud 2, que define el número de filas y columnas de la matriz.
- Todos los elementos deben ser del mismo tipo.
- Una matriz se define con el comando `matrix()` especificando el número de filas y columnas o asignando la `dim` a un vector.
- Recordar que la matriz se crea por columnas, aunque con la opción `byrow=TRUE` lo hace por filas.
- Podemos asignar nombres a las filas y columnas con el atributo `dimnames`.
- Las funciones `is.matrix()` y `as.matrix()` comprueban o fuerzan el carácter de matriz de un objeto.



Examples

```
a <- c(1:6)
dim(a) <- c(2,3)
dimnames(a) <- list(c("F1","F2"),c("C1","C2","C3"))
Ej <- matrix(1:12,ncol=3,byrow=T,dimnames=list(letters[1:4],LETTERS[1:3]))
Ej[1,1]
Ej[,c(2,3)]
Ej[,c(-1,-3),drop=F]
s <- matrix(rep(c(T,F),6),4,3)
```



Los data.frame

- Las bases de datos en estadística son, habitualmente de la forma:

individuo	Covariables			
	anyos	implante	edad	sexo
1	1.3	2	22	H
2	0.4	2	21	M
3	1.1	2	34	H
4	2.3	1	42	H
5	3.1	3	17	M
6	1.3	1	43	H

- R organiza este tipo de información en objetos del tipo data.frame, un caso particular de lista.
- Los data.frame son apropiados para describir "matrices de datos" donde cada fila representa a un individuo y cada columna una variable, cuyas variables pueden ser numéricas categóricas.



Los data.frame u hojas de datos.

- Los data.frame se crean con la función `data.frame()`

Examples

```
dataimp <- data.frame(anios=c(1,3,5,7,9,7),clase=c(2,3,3,2,2,1),  
edad=c(12,24,36,48,56,48),sexo=c("M","H","M","H","H","M"))
```

- Los componentes deben ser vectores (numéricos, carácter o lógicos), factores, matrices numéricas u otros data.frames.
- Puesto que un vector representará una variable del banco de datos y las columnas de una matriz representarán varias variables de ese mismo banco, la longitud de los vectores debe ser la misma y coincidir con el número de filas de las matrices.
- Los datos que no son numéricos, la estructura de data.frame los considera **factores**, con tantos niveles como valores distintos encuentre, tal y como ocurre en el ejemplo que estamos considerando.



Las funciones `attach()` y `detach()`.

- Para trabajar con las variables del banco de datos, podemos utilizar la notación estándar de las listas, `$nombre` o `[[]]`, pero resulta más natural emplear simplemente el nombre de la columna.
- El problema es que R guarda el nombre del `data.frame` pero no sus variables. Para poderlas utilizar con su nombre como vectores, tenemos que utilizar la función `attach(nombre de data.frame)`. La operación inversa se realiza con la función `detach()`.
- En el caso de los `data.frames` es posible seleccionar filas y columnas deseadas, y crear con ellas otros `data.frames` con las características deseadas con la función `subset()`.



Examples

```
dataimp <- data.frame(anios=c(1,3,5,7,9,7),clase=c(2,3,3,2,2,1),
edad=c(12,24,36,48,56,48),sexo=c("M","H","M","H","H","M"))
anios
attach(dataimp); anios
detach(dataimp); anios
data.hembra.filtrada <- dataimp$anios[dataimp$sexo=="H"]
mas.peq <- subset(dataimp,anios>1,select=c(edad,sexo))
```

Transformaciones.

- Podemos modificar o manipular cualquier objeto con operadores (aritméticos, lógicos y comparativos) y funciones. Así, por ejemplo, si una variable no es normal, puedo **transformarla** para conseguir dicha normalidad.
- **!Cuidado!** Cualquier modificación que hagamos con las variables de un banco de datos "adjuntando" (attached) no afectará al propio data.frame.
- Para modificar el contenido interno de los data.frames podemos utilizar la función **transform()**. En concreto podemos:
 - ▷ Transformar variables existentes (para conseguir normalidad).
 - ▷ Crear nuevas variables mediante la transformación de variables existentes.



Recodificaciones.

- Mediante la función `recode()` de la librería `car` es posible llevar a cabo recodificaciones de otras variables.
- Debemos especificar cuál es la variable a recodificar, cuáles son los criterios de recodificación y si deseamos que la nueva variable resultante de la recodificación sea un factor o no.
- **!Cuidado!** Las recodificaciones tampoco afectarán al propio `data.frame`.



Examples

```
attach(dataimp)
edad.final <- edad + anios; No afecta al data.frame
dataimp.1 <- transform(dataimp, edad.final=edad+anios) Si
afecta
dataimp.2 <- transform(dataimp.1,edad=edad+1) Altera la
variable
install.packages("car"); library(car) Instalar y cargar paquete.
edc <- recode(edad," 10:25='joven';
26:65='adulto'",as.factor=TRUE)
sexo.cod <- recode(sexo,"'H'=0; 'M'=1",as.factor=TRUE)
```



Lectura de ficheros de datos.

- Hasta ahora hemos visto cómo introducir datos interactivamente en forma de objetos, aunque habitualmente los datos nos vienen proporcionados en [archivos externos](#).
- Para asignar un banco de datos a un `data.frame` se utiliza la función `read.table()`. La forma más sencilla es con un fichero en el que:
 - ▷ La primera línea del archivo debe contener el nombre de cada variable de la hoja de datos.
 - ▷ En cada una de las siguientes líneas, el primer elemento es la etiqueta de la fila y a continuación deben aparecer los valores de cada variable. Si no R, asigna automáticamente etiquetas a las filas.

Examples

```
rats <- read.table(file="C:/Datos/ratas.txt",header=T)
```



Examples

```
library(readr)
NOTAS <- read_delim("C:/Users/Roberto
Bustillos/Documents/UNL/PROYECTO DE
TITULACION/Notas.csv", ";", escape_double = FALSE, locale =
locale(decimal_mark = ","), trim_ws = TRUE)
```

Tarea

Agregar al data.frame otra variable que se llame CATEGORIA, esta debe tener tres niveles: Bueno si la nota está entre 1 y 1.50; Muy bueno si la nota está entre 1.51 y 2.0; y Excelente si la nota está entre 2.01 y 2.50.



Importar datos de otros programas.

- La gran aceptación de R está haciendo cada vez más fácil el importar ficheros de otros programas.
- La librería **foreign** contiene funciones para importar y exportar datos en el formato de otros programas.

Examples

```
library(foreign) Cargamos el paquete  
datos <- read.spss(file="glucosa.sav",to.data.frame=TRUE)  
str(datos)
```

