

# Análise de Redes Avançada

Aula 3



Medidas

## TAMANHO E DENSIDADE DA REDE

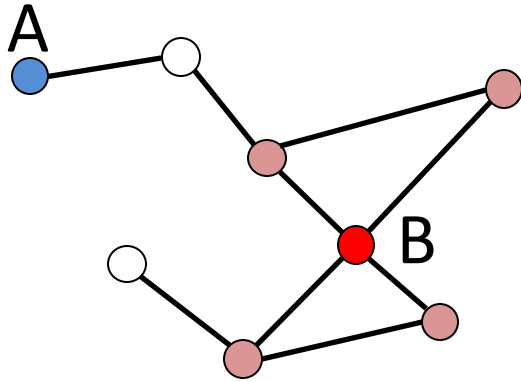
- O **tamanho de uma rede** é caracterizado pelo número de nós e arestas que ela contém.
- A **densidade de uma rede** é a fração entre 0 e 1 que nos diz qual parte de todas as arestas possíveis são realmente realizadas na rede. Para uma rede  $G$  feita de  $n$  nós e  $m$  arestas, a densidade de  $G$  é dada por:

$$\rho(G) = \frac{m}{\frac{n(n-1)}{2}} = \frac{2m}{n(n-1)} \quad , \text{ para uma rede não direcionada}$$

$$\rho(G) = \frac{m}{n(n-1)} \quad , \text{ para uma rede direcionada}$$

# GRAU DE UM NÓ

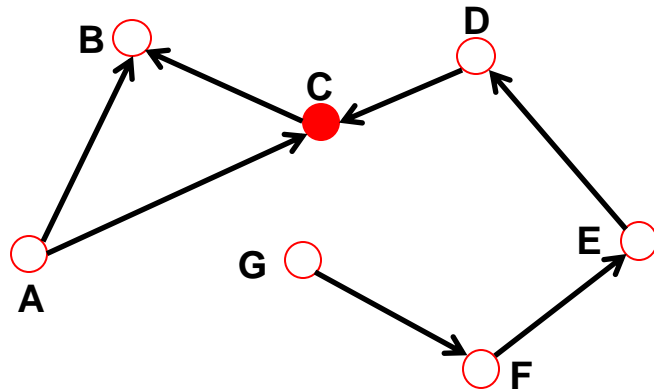
Não direcionado



Grau de um nó: o número de ligações desse nó

$$k_A = 1 \quad k_B = 4$$

Direcionado



Em redes direcionadas podemos definir um grau de entrada e um grau de saída. O grau do nó (total) é a soma dos dois.

$$k_C^{in} = 2 \quad k_C^{out} = 1 \quad k_C = 3$$

Fonte: um nó com  $k^{in} = 0$ ; Ralo: um nó com  $k^{out} = 0$ .

# ALGUMAS MÉTRICAS ESTATÍSTICAS

## Média

$$\langle x \rangle = \frac{x_1 + x_2 + \dots + x_N}{N} = \frac{1}{N} \sum_{i=1}^N x_i$$

## N-ésimo momento

$$\langle x^n \rangle = \frac{x_1^n + x_2^n + \dots + x_N^n}{N} = \frac{1}{N} \sum_{i=1}^N x_i^n$$

## Desvio padrão

$$\sigma_x = \sqrt{\frac{1}{N} \sum_{i=1}^N (x_i - \langle x \rangle)^2}$$

## Distribuição de $p_x$

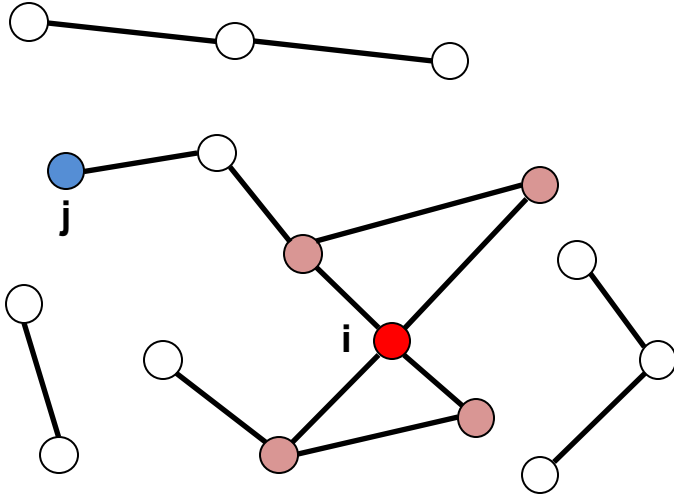
$$p_x = \frac{1}{N} \sum_i \delta_{x, x_i}$$

Onde  $p_x$  :

$$\sum_i p_x = 1 \quad \left( \int p_x dx = 1 \right)$$

# GRAU MÉDIO

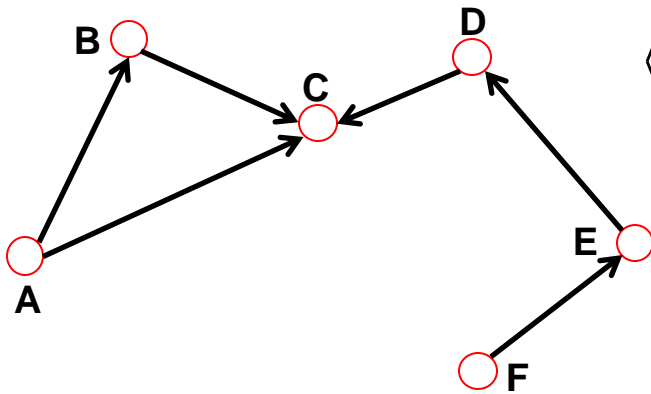
Não direcionado



$$\langle k \rangle \equiv \frac{1}{N} \sum_{i=1}^N k_i \quad \langle k \rangle \propto \frac{2L}{N}$$

N – número de nós no grafo

Direcionado



$$\langle k^{in} \rangle \equiv \frac{1}{N} \sum_{i=1}^N k_i^{in}, \quad \langle k^{out} \rangle \equiv \frac{1}{N} \sum_{i=1}^N k_i^{out}, \quad \langle k^{in} \rangle = \langle k^{out} \rangle$$

$$\langle k \rangle \propto \frac{L}{N}$$

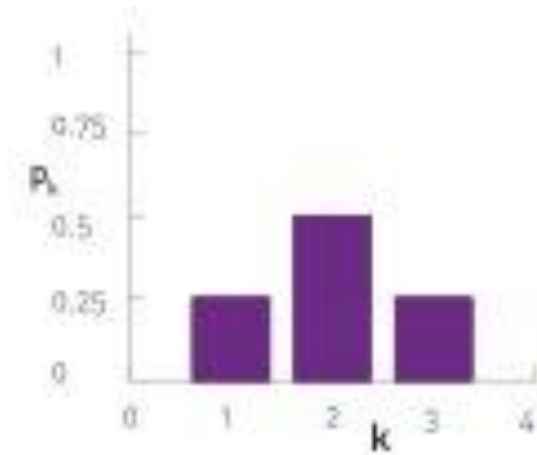
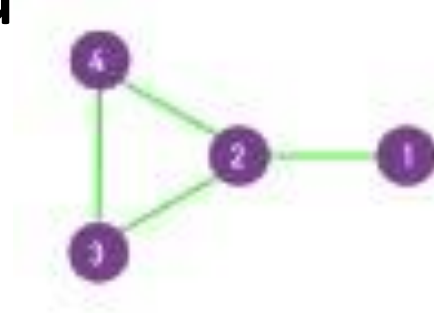
# GRAU MÉDIO

NETWORK	NODES	LINKS	DIRECTED UNDIRECTED	N	L	$\langle k \rangle$
Internet	Routers	Internet connections	Undirected	192,244	609,066	6.33
WWW	Webpages	Links	Directed	325,729	1,497,134	4.60
Power Grid	Power plants, transformers	Cables	Undirected	4,941	6,594	2.67
Mobile Phone Calls	Subscribers	Calls	Directed	36,595	91,826	2.51
Email	Email addresses	Emails	Directed	57,194	103,731	1.81
Science Collaboration	Scientists	Co-authorship	Undirected	23,133	93,439	8.08
Actor Network	Actors	Co-acting	Undirected	702,388	29,397,908	83.71
Citation Network	Paper	Citations	Directed	449,673	4,689,479	10.43
E. Coli Metabolism	Metabolites	Chemical reactions	Directed	1,039	5,802	5.58
Protein Interactions	Proteins	Binding interactions	Undirected	2,018	2,930	2.90

# DISTRIBUIÇÃO DE GRAU

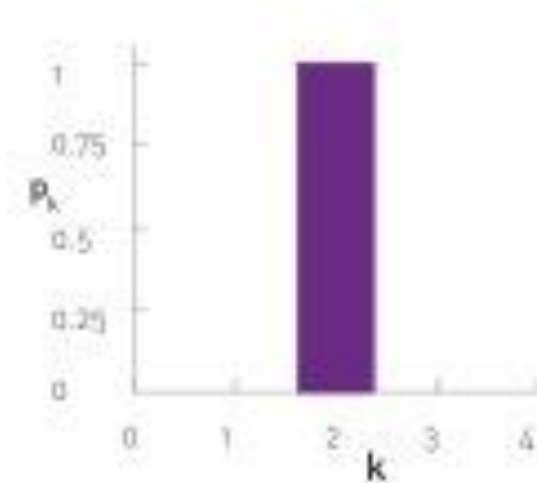
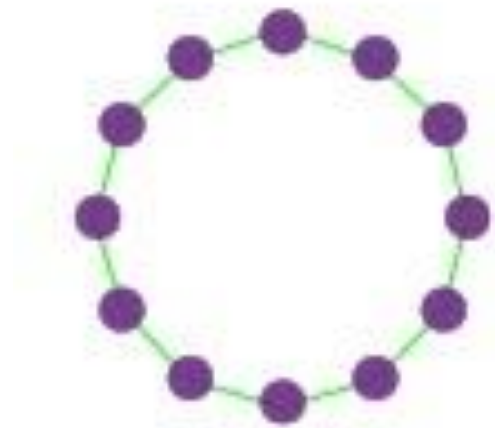
## Distribuição de grau

$P(k)$ : probabilidade de um  
Nó escolhido aleatoriamente  
tenha grau  $k$



$N_k$  = número de nós com grau  $k$

$$P(k) = N_k / N$$



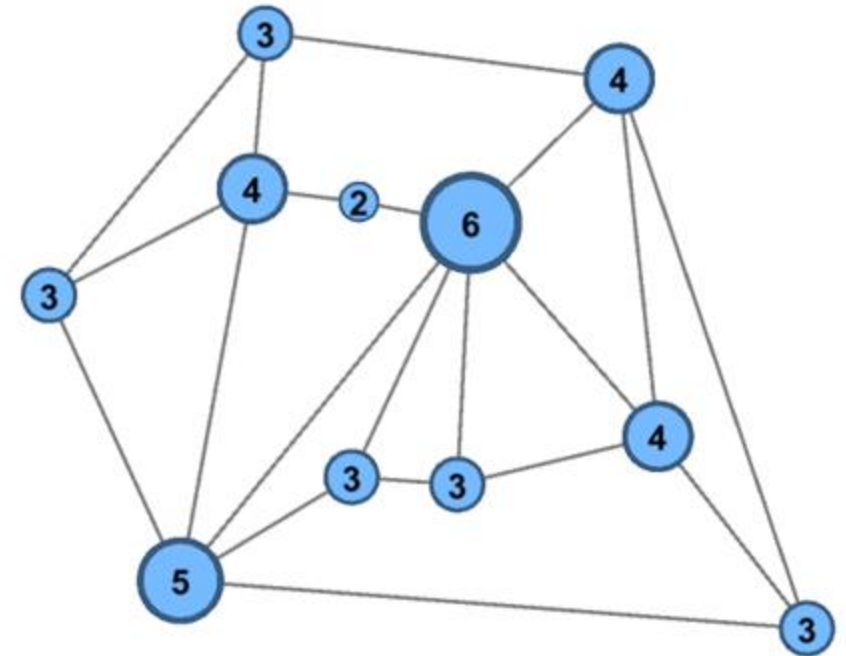
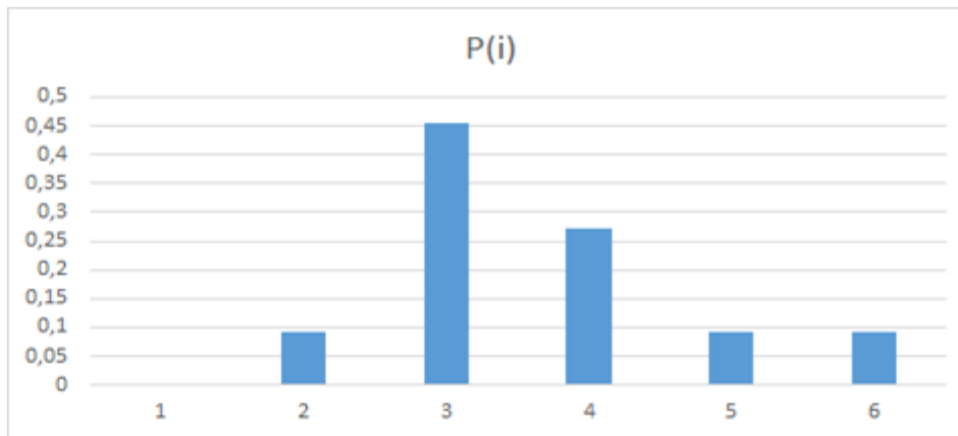


# DISTRIBUIÇÃO DE GRAU

A **distribuição de grau** de uma rede é a distribuição de probabilidade:

$$P(k) = \frac{|\{i \mid \deg(i) = k\}|}{n},$$

Que denota a probabilidade de um nó ter um grau  $k$ .



# DISTRIBUIÇÃO DE GRAU

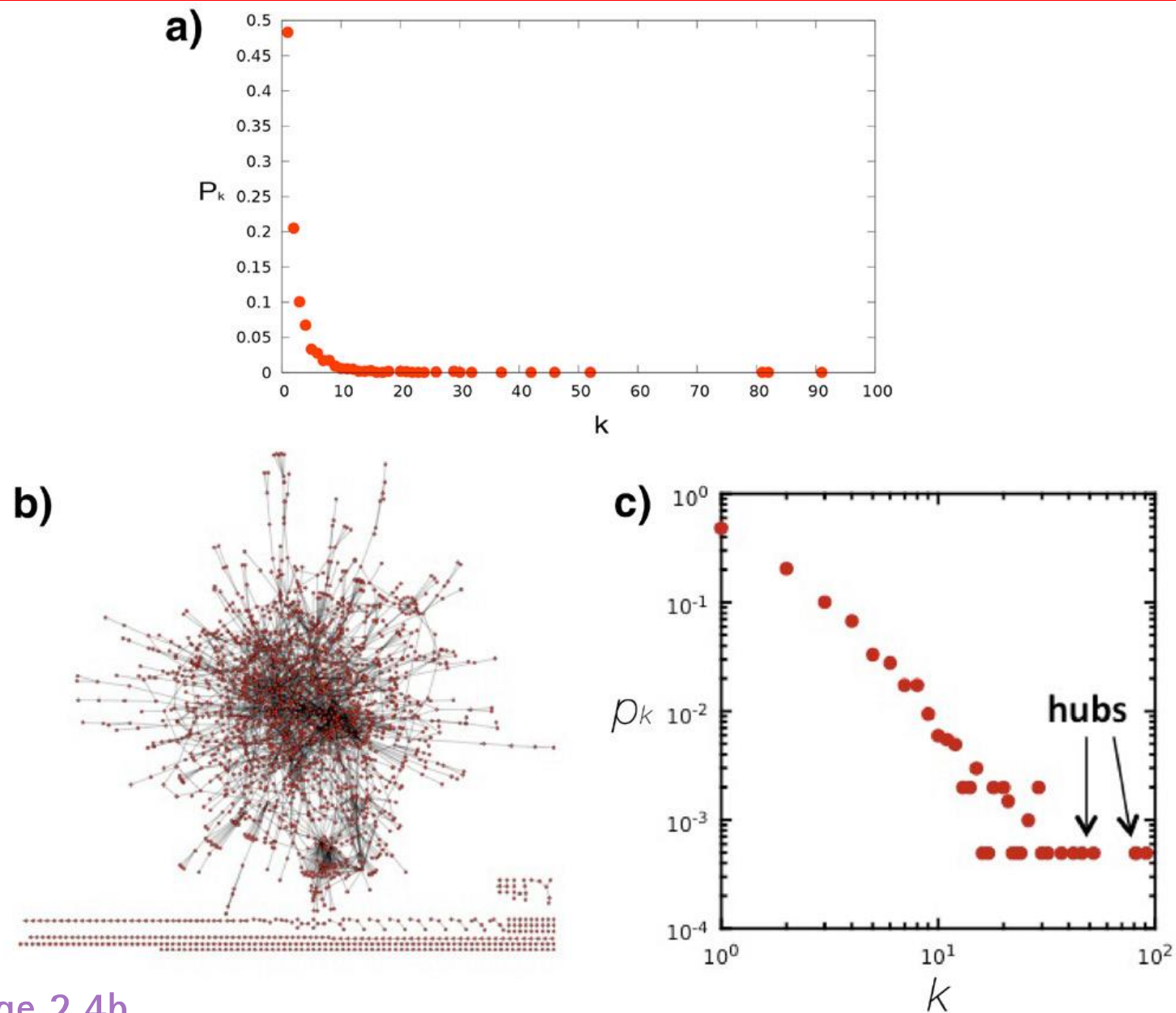


Image 2.4b

# DISTRIBUIÇÃO DE GRAU

**Representação discreta:**  $p_k$  é a probabilidade que o nó tem o grau  $k$

**Representação contínua:**  $p(k)$  é a fdp do grau, onde

$$\int_{k_1}^{k_2} p(k) dk$$

representa a probabilidade que o grau do nó está entre  $k_1$  e  $k_2$ .

**Condição de normalização:**

$$\sum_{k=0}^{\infty} p_k = 1$$

$$\int_{K_{\min}}^{\infty} p(k) dk = 1$$

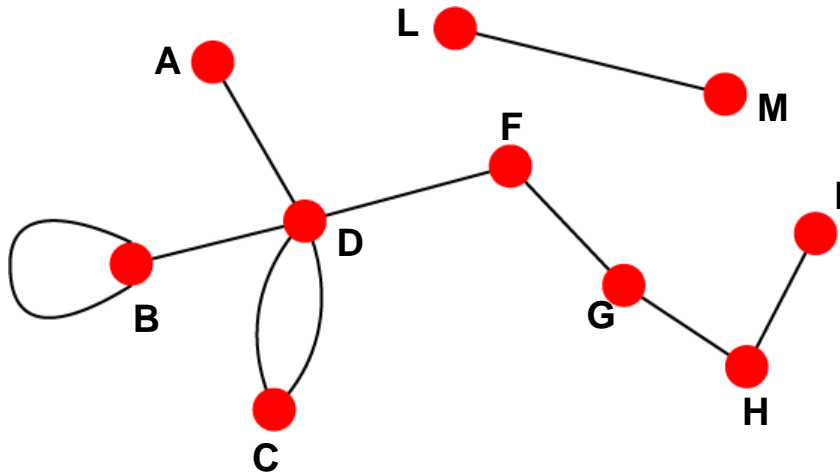
onde  $K_{\min}$  é o grau mínimo da rede/grafos.

# REDES DIRECIONADAS E NÃO DIRECIONADAS

## NÃO DIRECIONADAS

Ligações: não direcionadas (*simétricas*)

Grafo:



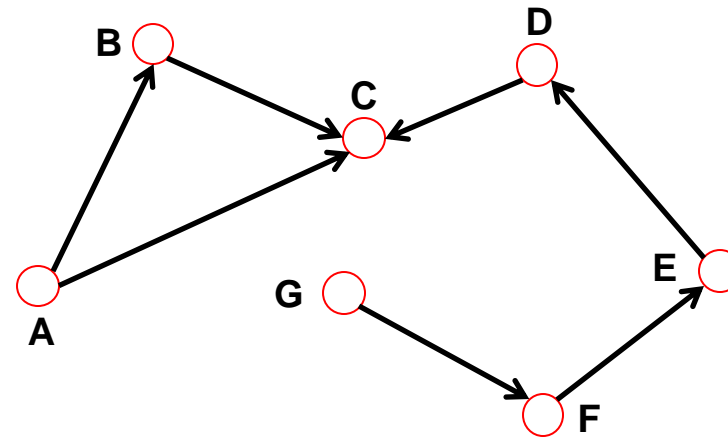
### Casos:

Ligações de co-autoria  
Redes de atores  
Interações de proteínas

## DIRECIONADAS

Ligações: direcionadas (*arcos*).

Digrafo = grafo direcionado:



*Uma ligação não direcionada é a sobreposição de duas ligações direcionadas opostas.*

### Casos :

URLs na www  
Chamadas telefônicas  
Relações metabólicas

# REDES DE REFERÊNCIA

NETWORK	NODES	LINKS	DIRECTED UNDIRECTED	N	L
Internet	Routers	Internet connections	Undirected	192,244	609,066
WWW	Webpages	Links	Directed	325,729	1,497,134
Power Grid	Power plants, transformers	Cables	Undirected	4,941	6,594
Mobile Phone Calls	Subscribers	Calls	Directed	36,595	91,826
Email	Email addresses	Emails	Directed	57,194	103,731
Science Collaboration	Scientists	Co-authorship	Undirected	23,133	93,439
Actor Network	Actors	Co-acting	Undirected	702,388	29,397,908
Citation Network	Paper	Citations	Directed	449,673	4,689,479
E. Coli Metabolism	Metabolites	Chemical reactions	Directed	1,039	5,802
Protein Interactions	Proteins	Binding interactions	Undirected	2,018	2,930

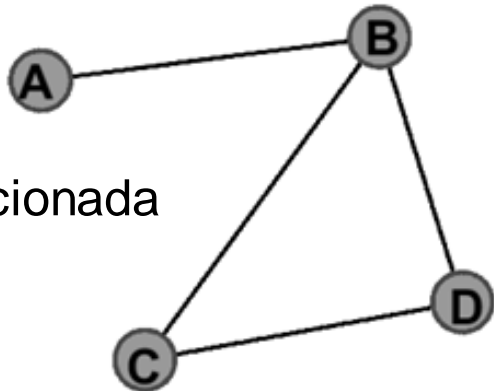


# Matriz de Adjacência

# Matriz de Adjacência

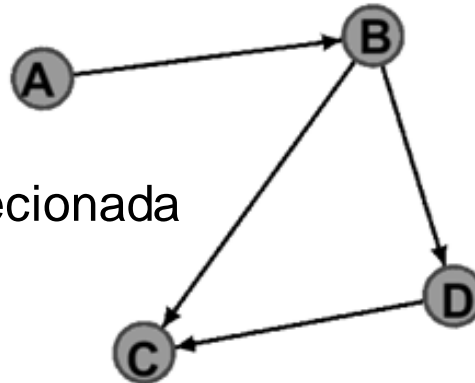
	A	B	C	D
A	0	1	0	0
B	1	0	1	1
C	0	1	0	1
D	0	1	1	0

Não direccionada



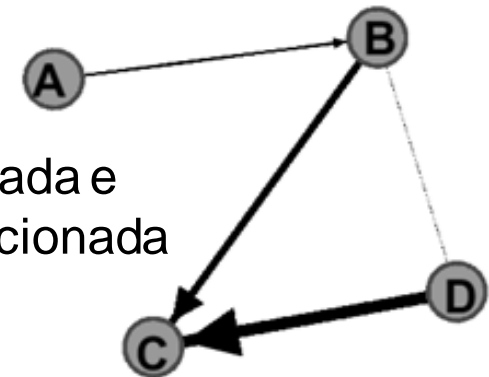
	A	B	C	D
A	0	1	0	0
B	0	0	1	1
C	0	0	0	0
D	0	0	1	0

direccionada

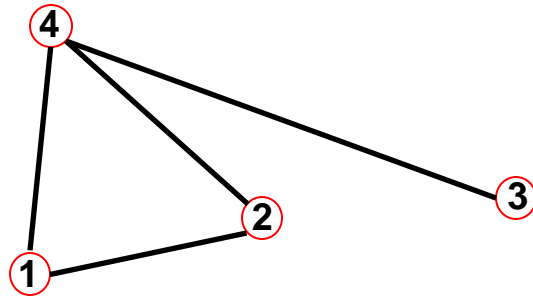


	A	B	C	D
A	0	0.8	0	0
B	0	0	0.9	0.75
C	0	0	0	0
D	0	0	1.0	0

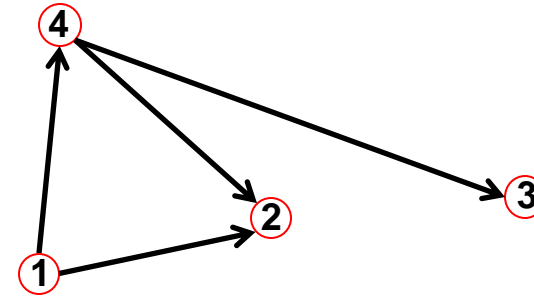
Pesada e  
direccionada



# ADJACENCY MATRIX



$$A_{ij} = \begin{pmatrix} 0 & 1 & 0 & 1 \\ 1 & 0 & 0 & 1 \\ 0 & 0 & 0 & 1 \\ 1 & 1 & 1 & 0 \end{pmatrix}$$



$$A_{ij} = \begin{pmatrix} 0 & 0 & 0 & 0 \\ 1 & 0 & 0 & 1 \\ 0 & 0 & 0 & 1 \\ 1 & 0 & 0 & 0 \end{pmatrix}$$

$A_{ij}=1$  se há uma ligação entre os nós  $i$  e  $j$

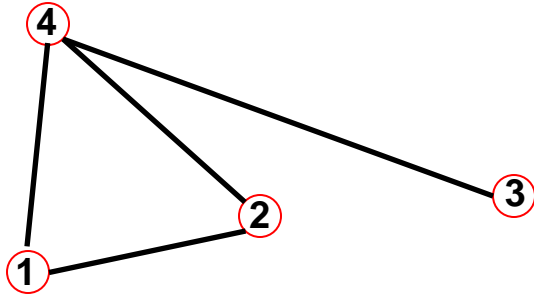
$A_{ij}=0$  se os nós  $i$  e  $j$  não estão conectados entre si.

Notar que para um grafo direcionado (à direita) a matriz não é simétrica.



# MATRIZ DE ADJACÊNCIA E GRAU DE UM NÓ

Não direcionado



$$A_{ij} = \begin{pmatrix} 0 & 1 & 0 & 1 \\ 1 & 0 & 0 & 1 \\ 0 & 0 & 0 & 1 \\ 1 & 1 & 1 & 0 \end{pmatrix}$$

$$A_{ij} = A_{ji}$$

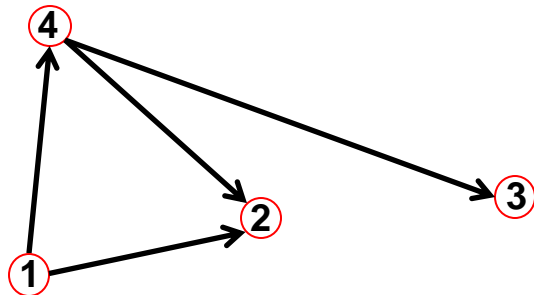
$$A_{ii} = 0$$

$$k_i = \sum_{j=1}^N A_{ij}$$

$$k_j = \sum_{i=1}^N A_{ij}$$

$$L = \frac{1}{2} \sum_{i=1}^N k_i = \frac{1}{2} \sum_{ij} A_{ij}$$

Direcionado



$$A_{ij} = \begin{pmatrix} 0 & 0 & 0 & 0 \\ 1 & 0 & 0 & 1 \\ 0 & 0 & 0 & 1 \\ 1 & 0 & 0 & 0 \end{pmatrix}$$

$$A_{ij} \neq A_{ji}$$

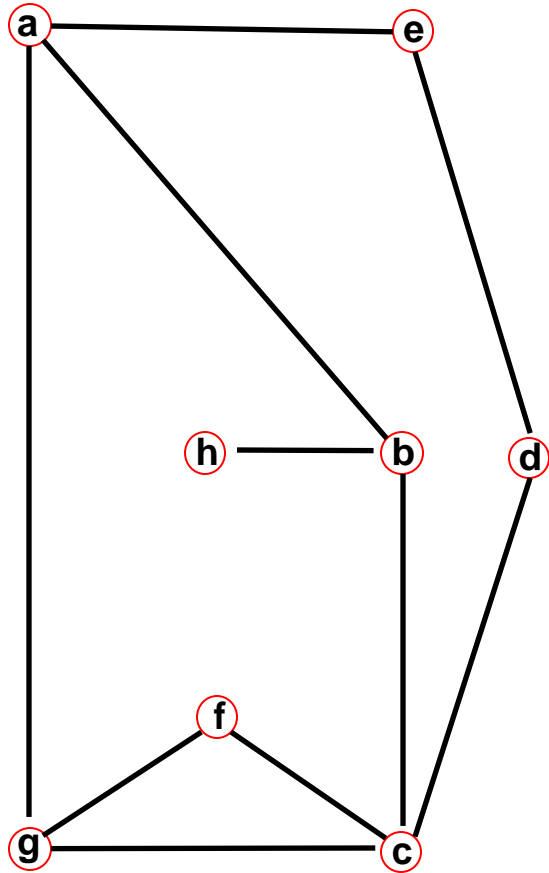
$$A_{ii} = 0$$

$$k_i^{in} = \sum_{j=1}^N A_{ij}$$

$$k_j^{out} = \sum_{i=1}^N A_{ij}$$

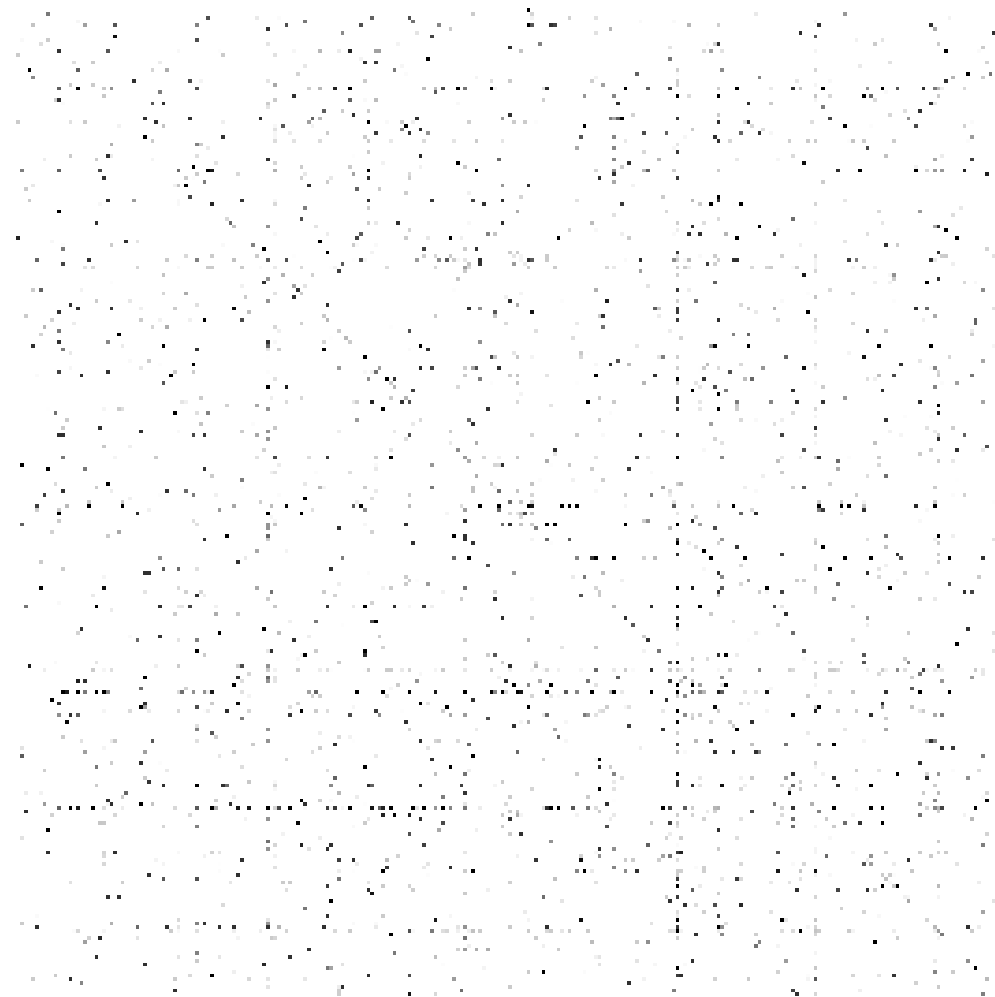
$$L = \sum_{i=1}^N k_i^{in} = \sum_{j=1}^N k_j^{out} = \sum_{i,j} A_{ij}$$

# A MATRIZ DE ADJACÊNCIA É NORMALMENTE ESPARSA



	a	b	c	d	e	f	g	h
a	0	1	0	0	1	0	1	0
b	1	0	1	0	0	0	0	1
c	0	1	0	1	0	1	1	0
d	0	0	1	0	1	0	0	0
e	1	0	0	1	0	0	0	0
f	0	0	1	0	0	0	1	0
g	1	0	1	0	0	0	0	0
h	0	1	0	0	0	0	0	0

# A MATRIZ DE ADJACÊNCIA É NORMALMENTE ESPARSA



# AS REDES REAIS SÃO ESPARSAS

**A maioria das redes observadas nos sistemas reais são esparsas**

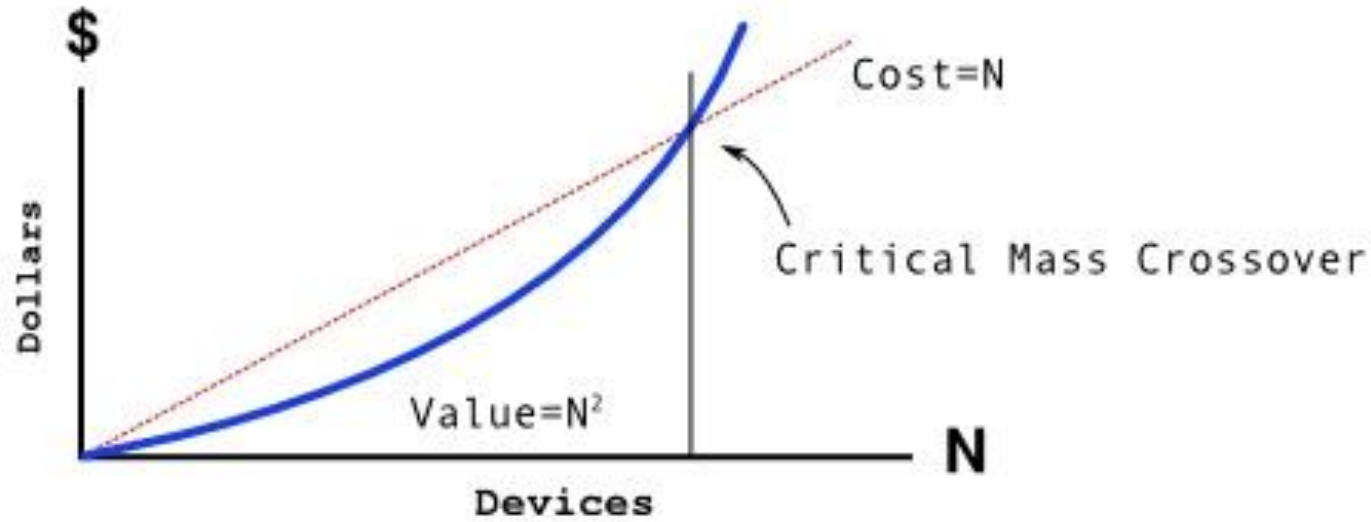
$$L \ll L_{\max} \quad \text{or} \quad \langle k \rangle \ll N-1$$

WWW(amostra ND)	N=325,729	$L=1.4 \cdot 10^6$	$L_{\max}=10^{12}$	$\langle k \rangle=4.51$
Proteínas(S. Cerevisiae)	N=1,870	$L=4,470$	$L_{\max}=10^7$	$\langle k \rangle=2.39$
Coautoria(Math)	N=70,975	$L=2 \cdot 10^5$	$L_{\max}=3 \cdot 10^{10}$	$\langle k \rangle=3.9$
Actores	N=212,250	$L=6 \cdot 10^6$	$L_{\max}=1.8 \cdot 10^{13}$	$\langle k \rangle=28.78$

(Fonte: Albert, Barabasi, RMP2002)

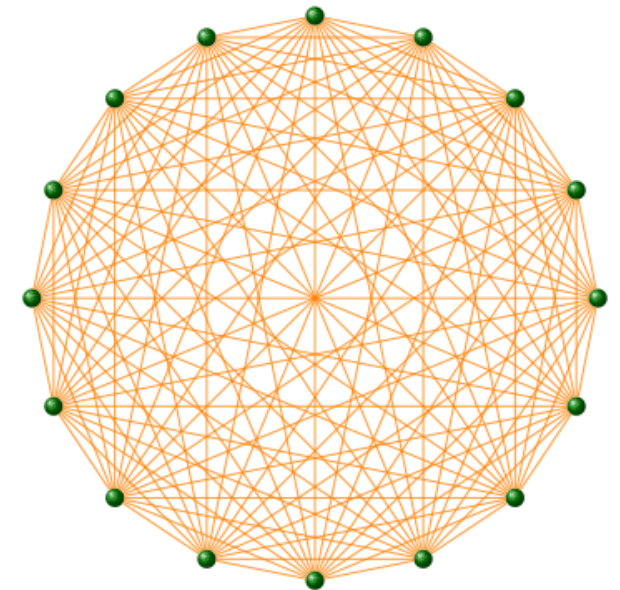
# LEI DE METCALFE

*O valor de um sistema de comunicações cresce na razão do quadrado do número de utilizadores do sistema*



O número máximo de linques é dado por:

$$L_{\max} = \binom{N}{2} = \frac{N(N-1)}{2}$$

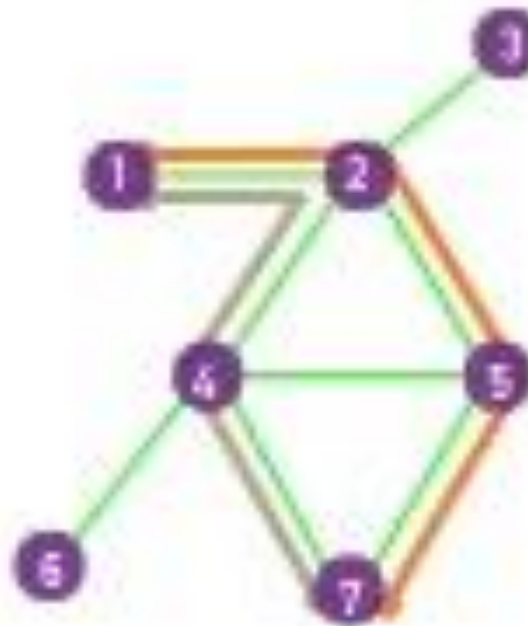
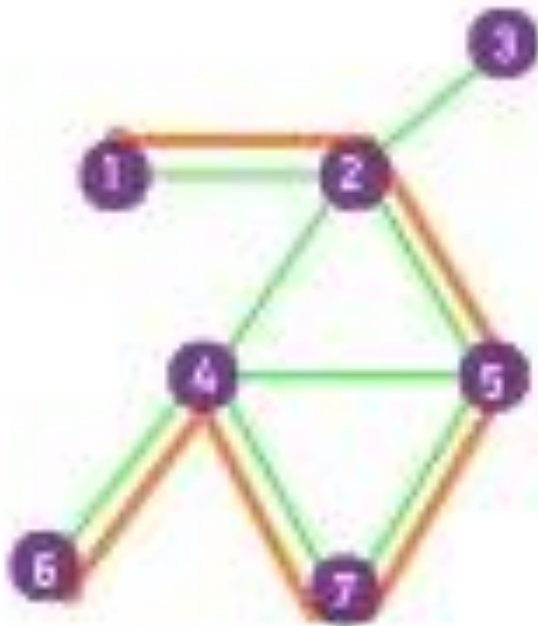


# CAMINHOS

Um *caminho* é uma sequência de nós em que cada nó é adjacente de um outro

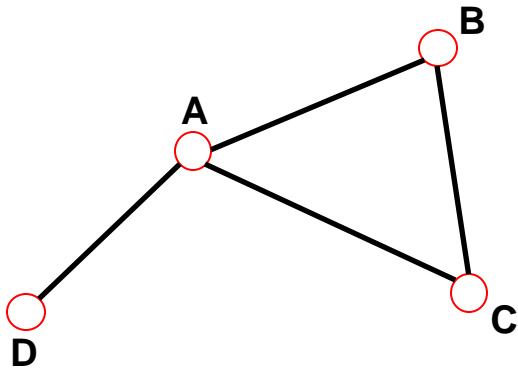
$P_{i_0, i_n}$  de tamanho  $n$  entre os nós  $i_0$  e  $i_n$  é uma coleção ordenada de  $n+1$  nós e  $n$  linques

$$P_n = \{i_0, i_1, i_2, \dots, i_n\} \quad P_n = \{(i_0, i_1), (i_1, i_2), (i_2, i_3), \dots, (i_{n-1}, i_n)\}$$



- Numa rede direccionada um cominho só pode tomar uma direção.

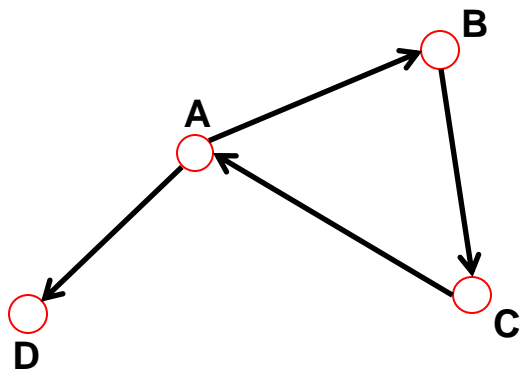
# DISTÂNCIA NUM GRAFO



A **distância  $d$**  (**caminho mais curto, caminho geodésico**) entre dois nós é definida como o número de arestas ao longo do caminho mais curto que os conecta.

\*Se os dois nós estiverem desconectados, a distância é infinita.

$$d(i \rightarrow j)$$



Em **grafos direcionados**, cada caminho precisa seguir a direção das setas.

Assim, em um dígrafo, a distância do nó A ao B (em um caminho AB) é geralmente diferente da distância do nó B a A (em um caminho BCA).

# NÚMERO DE CAMINHOS ENTRE DOIS NÓS

**$N_{ij}$ , número de caminhos entre quaisquer dois nós  $i$  e  $j$ :**

**Tamanho  $n=1$ :** se há uma ligação entre  $i$  e  $j$ , então  $A_{ij}=1$  e  $A_{ij}=0$  senão.

**Tamanho  $n=2$ :** se há um caminho de tamanho dois entre  $i$  e  $j$ , então  $A_{ik}A_{kj}=1$ , e  $A_{ik}A_{kj}=0$  senão.

Número de caminhos de tamanho 2:

$$N_{ij}^{(2)} = \sum_{k=1}^N A_{ik}A_{kj} = [A^2]_{ij}$$

**Tamanho  $n$ :** em geral, se há um caminho de tamanho  $n$  entre  $i$  e  $j$ , então  $A_{ik}\dots A_{lj}=1$  e  $A_{ik}\dots A_{lj}=0$  senão.

O número de caminhos de tamanho  $n$  entre  $i$  e  $j$  é\*

$$N_{ij}^{(n)} = [A^n]_{ij}$$

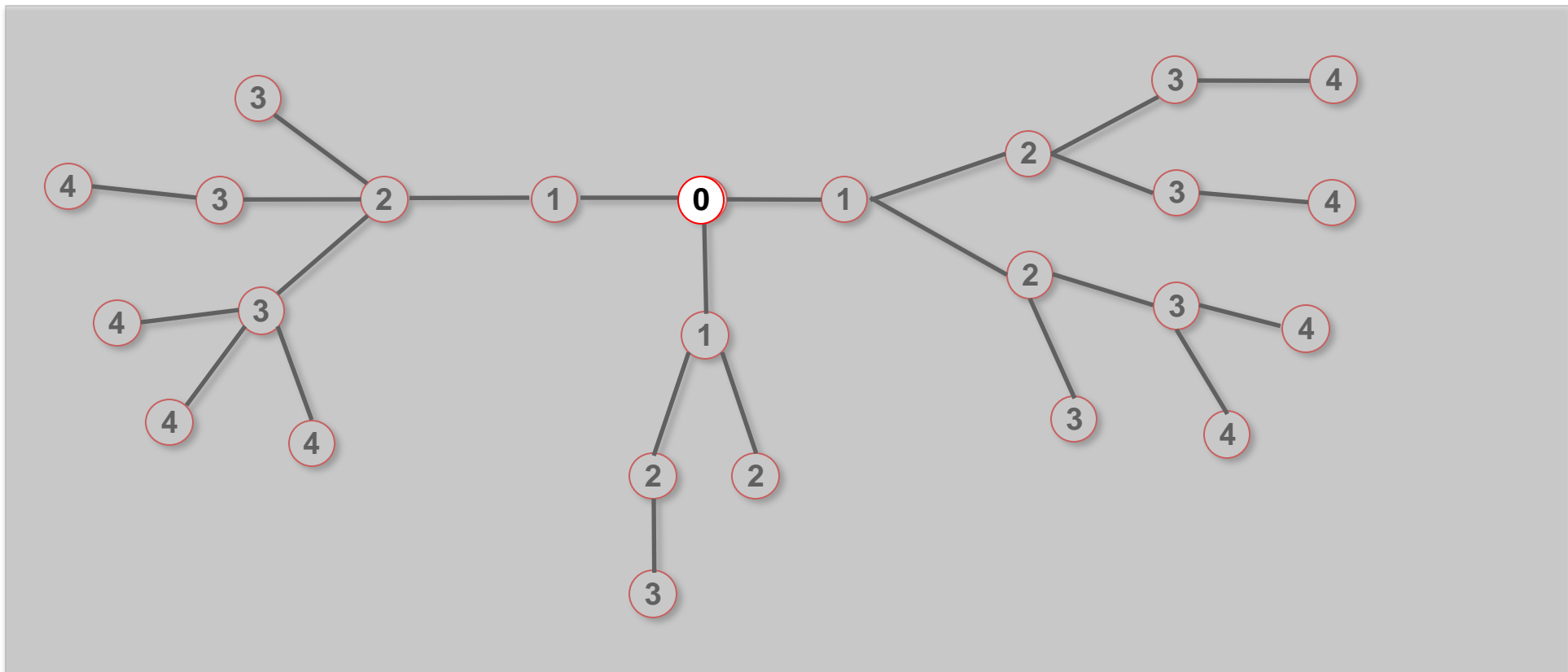
\* não só nas redes direcionadas como nas não direcionadas.



## CALCULAR DISTÂNCIAS : PESQUISA *BREATH FIRST*

## Distância entre nó 0 e nó 4:

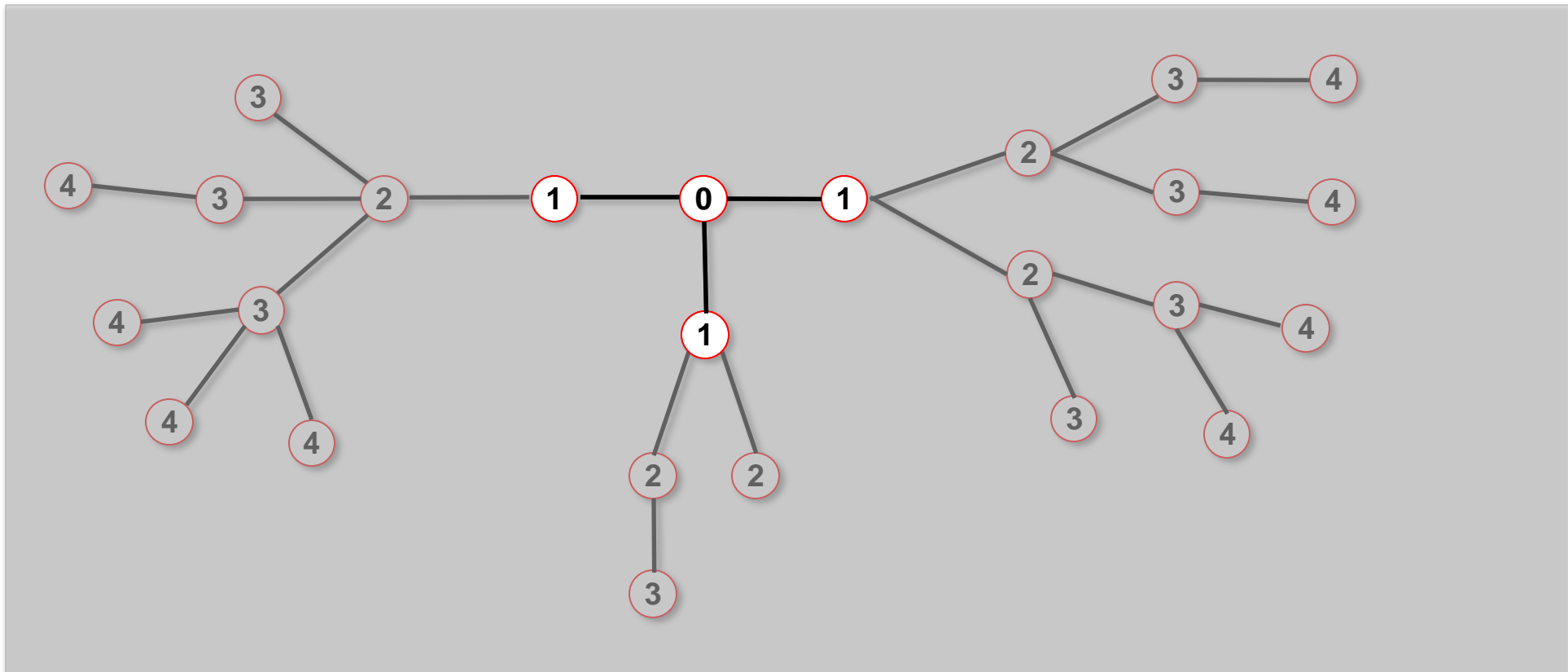
# 1. Começar em 0.



# CALCULAR DISTÂNCIAS : PESQUISA *BREATH FIRST*

**Distância entre nó 0 e nó 4:**

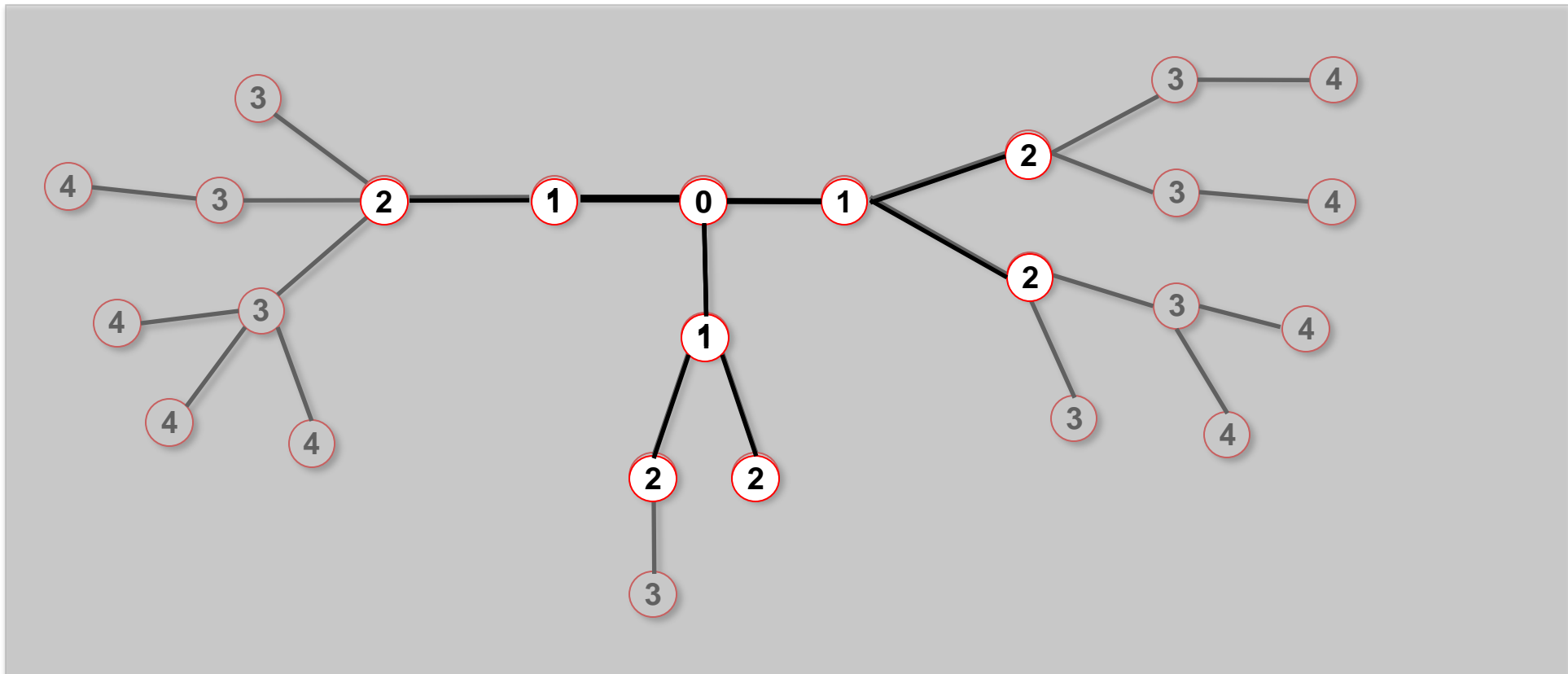
1. Começar em 0.
2. Encontrar os nós adjacentes. Marcar com distância 1. Colocá-los numa fila.



# CALCULAR DISTÂNCIAS : PESQUISA *BREATH FIRST*

## Distância entre nó 0 e nó 4:

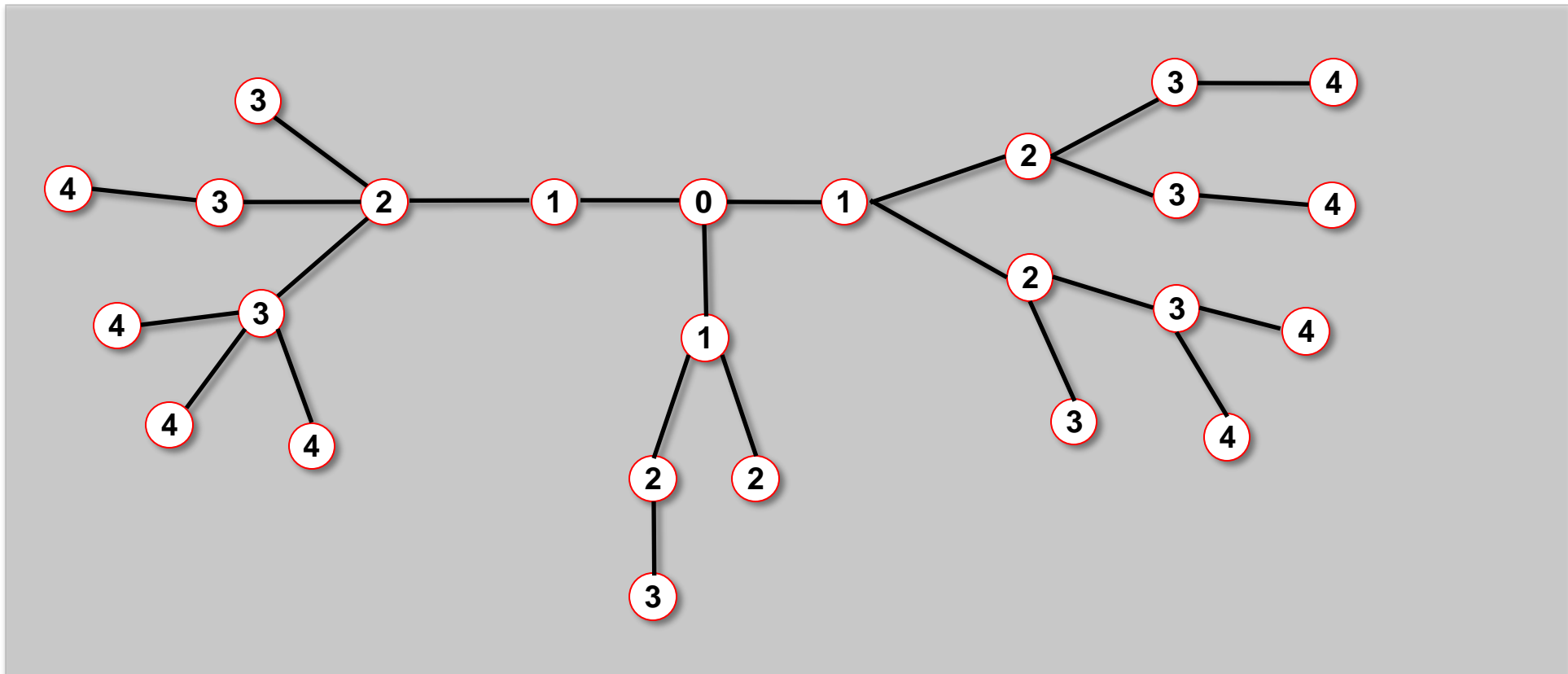
1. Começar em 0.
2. Encontrar os nós adjacentes. Marcar com distância 1. Colocá-los numa fila.
3. Tirar o primeiro nó da fila. Encontrar os nós não marcados adjacentes a ele no grafo. Marcar esses nós com rótulo 2. Colocá-los na fila.



## CALCULAR DISTÂNCIAS : PESQUISA *BREATH FIRST*

## Distância entre nó 0 e nó 4:

- 1.Repetir até encontrar o nó 4 ou não haver mais nós na fila.
- 2.A distância entre 0 e 4 é o rótulo de 4 ou, se 4 não tiver rótulo, infinito.



# DIÂMETRO DA REDE E DISTÂNCIA MÉDIA

*Diâmetro:*  $d_{max}$  a distância máxima entre qualquer par de nós no grafo.

*Raio:*  $d_{min}$  a distância mínima entre qualquer par de nós no grafo.

*Excentricidade:*  $e(i)$  é a distância máxima a um dos outros nós na rede

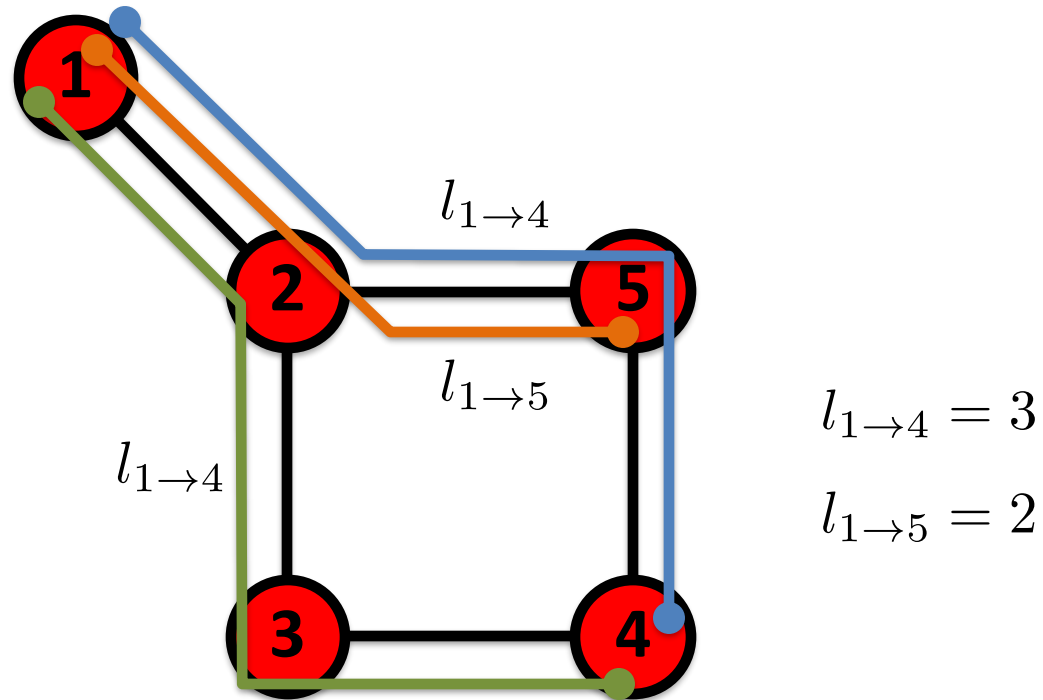
*Distância média,  $\langle d \rangle$ ,* para um grafo conectado:  
(também chamada distância característica)

$$\langle d \rangle = \frac{1}{2L_{max}} \sum_{i,j \neq i} d_{ij}$$

Num grafo não direcionado  $d_{ij} = d_{ji}$ , só temos que contar uma vez:

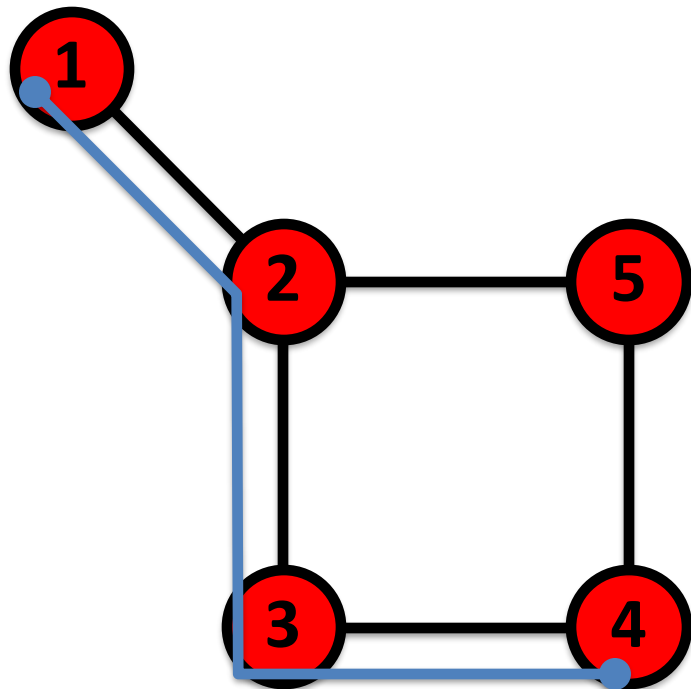
$$\langle d \rangle = \frac{1}{L_{max}} \sum_{i,j > i} d_{ij}$$

## Caminho mais curto



O caminho com a menor distância entre os nós

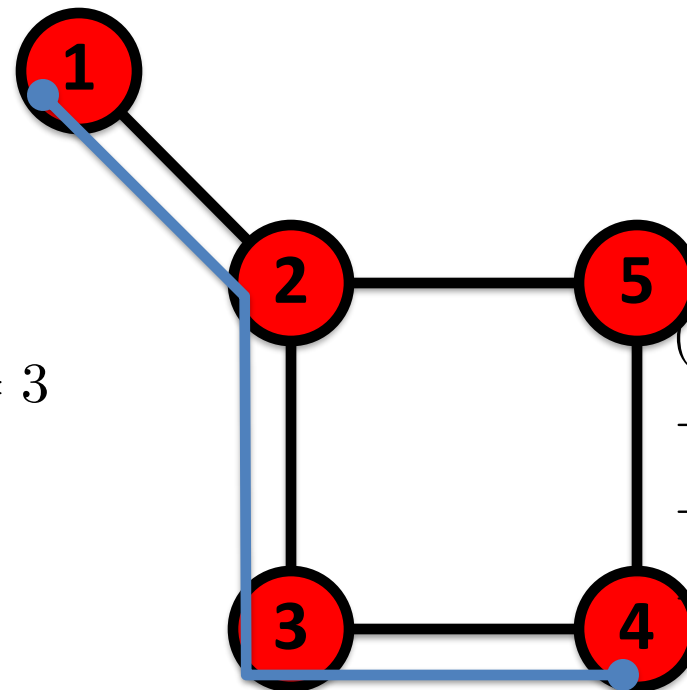
## Diâmetro



O maior caminho mais curto

## Tamanho médio dos caminhos

$$l_{1 \rightarrow 4} = 3$$

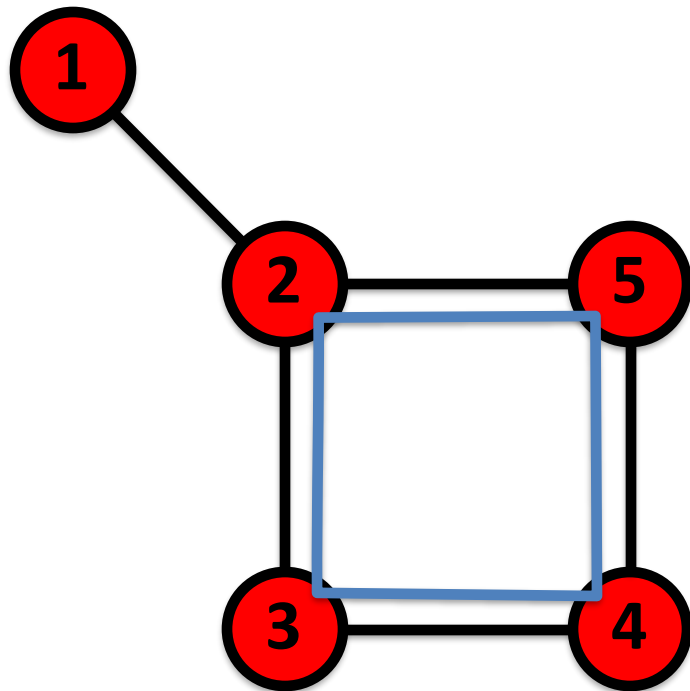


$$(l_{1 \rightarrow 2} + l_{1 \rightarrow 3} + l_{1 \rightarrow 4} + l_{1 \rightarrow 5} + l_{2 \rightarrow 3} + l_{2 \rightarrow 4} + l_{2 \rightarrow 5} + l_{3 \rightarrow 4} + l_{3 \rightarrow 5} + l_{4 \rightarrow 5}) / 10 = 1.6$$

A média dos caminhos mais curtos  
entre todos os pares de nós.

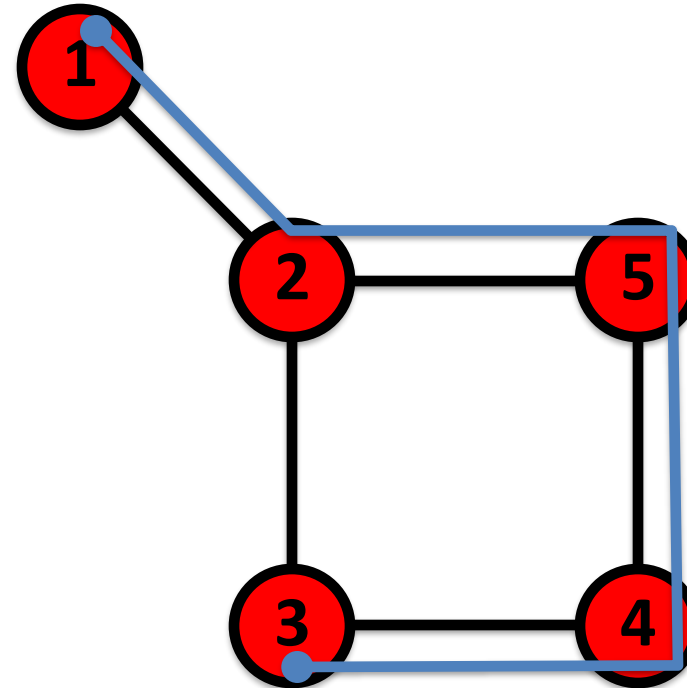
## CAMINHOS: sumário

Ciclo



Um caminho com o mesmo  
nó de partida e chegada

Caminho auto-exclusivo

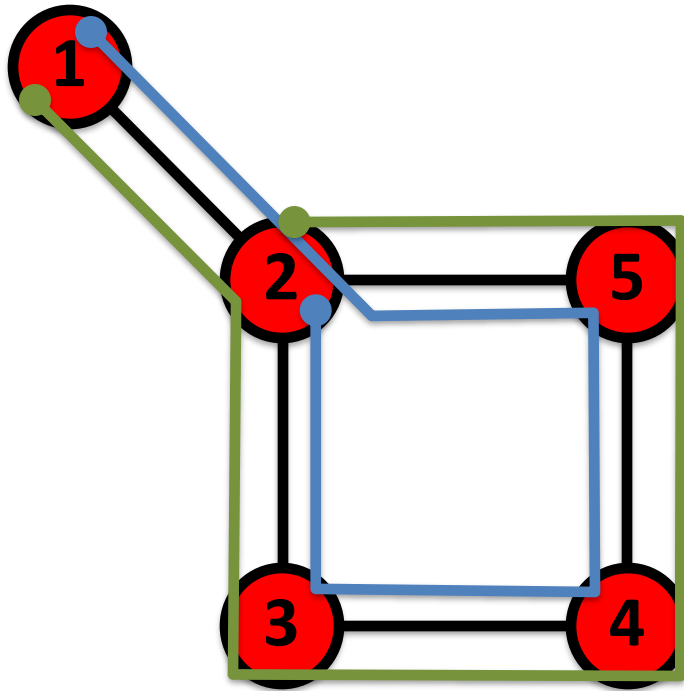


Um caminho que não se  
intersecta a si próprio.



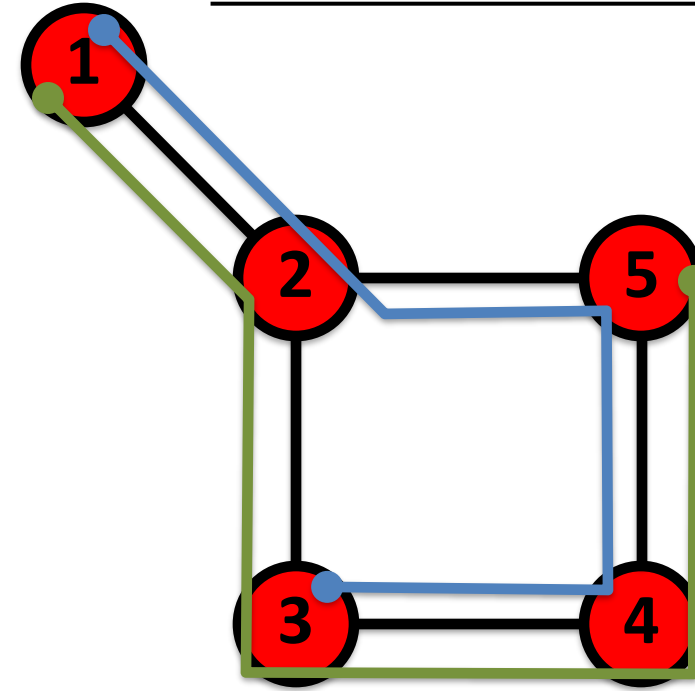
## CAMINHOS: sumário

### Caminho Euleriano



Caminho que atravessa cada  
ligação apenas uma vez

### Caminho Hamiltoniano



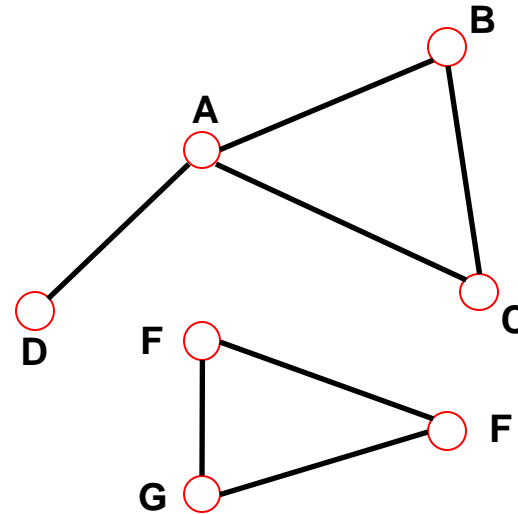
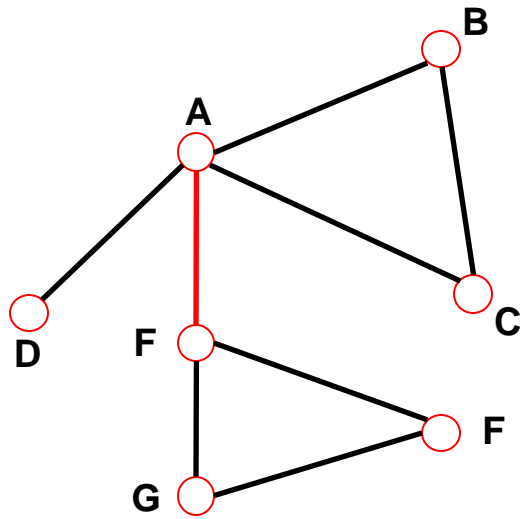
Caminho que visita todos  
os nós apenas uma vez.



CONETIVIDADE

# CONETIVIDADE DE GRAFOS NÃO DIRECIONADOS

Grafo conetado (não direcionado) : quaisquer dois nós podem ser unidos por um caminho.  
Um grafo desconetado contém dois ou mais grafos conetados.



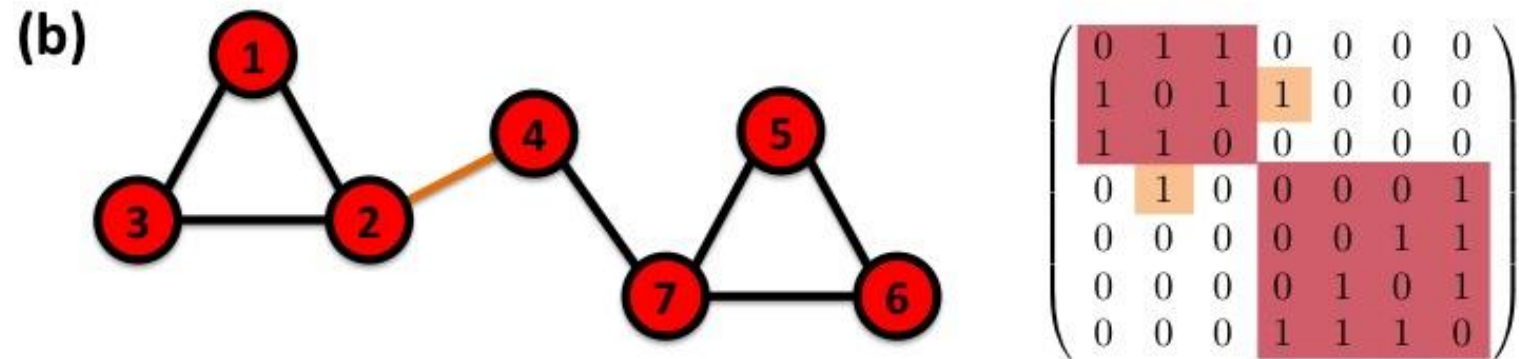
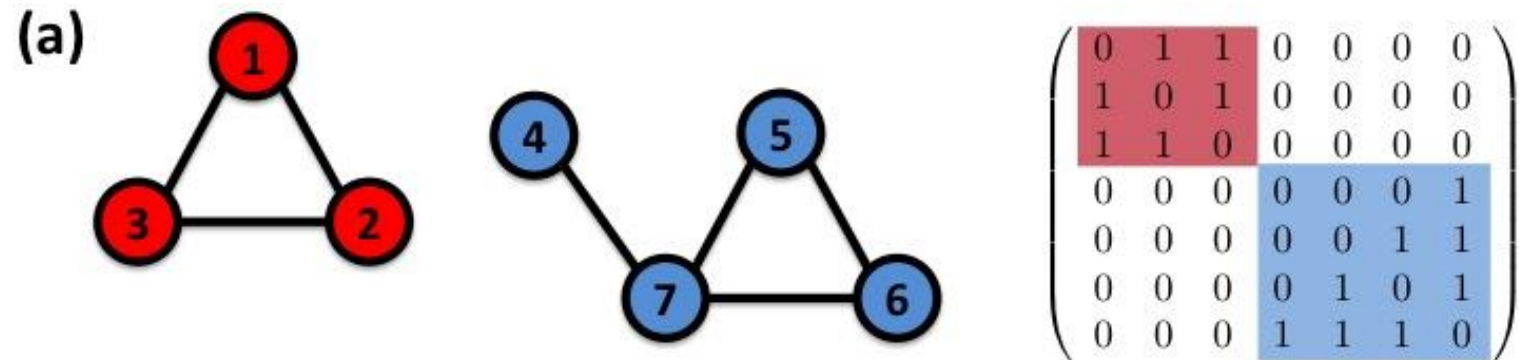
Maior componente:  
**Component Gigante**

O resto: **Isolados**

Ponte: se a removemos o grafo fica desconetado.

# CONETIVIDADE DE GRAFOS NÃO DIRECIONADOS

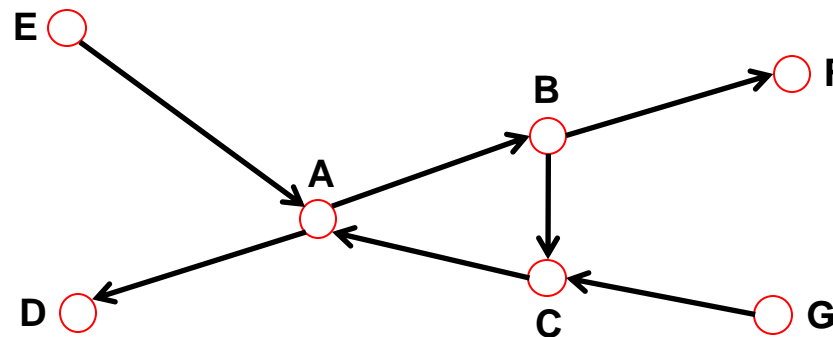
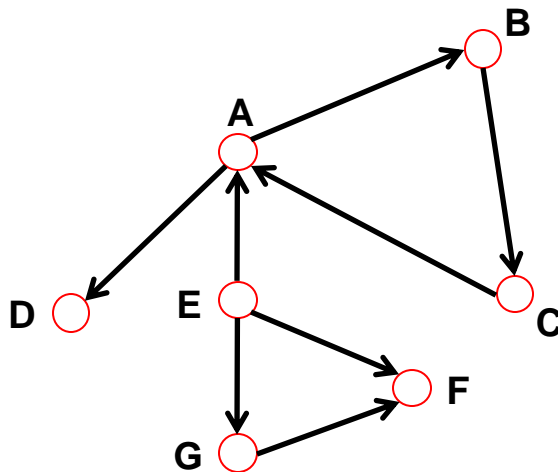
A matriz de adjacência de uma rede com vários componentes pode ser escrita numa forma de blocos-diagonais, tal que os elementos não nulos estão confinados a quadrados, sendo todos os outros nulos:



# CONNECTIVIDADE DE GRAFOS DIRECIONADOS

**Grafo direcionado fortemente conetado**: tem um caminho de um nó para qualquer outro nó e vice versa (e.x. caminho AB e caminho BA).

**Grafo direcionado fracamente conetado**: é o grafo conetado não considerando as direções. Os componentes fortemente conetados podem ser identificados, embora nem todos os nós possam fazer parte de um componente conetado não trivial.



**Componente-in**: nós que conseguem chegar à fonte.

**Componente-out**: nós a que se consegue chegar a partir da fonte.

## ENCONTRAR OS COMPONENTES CONETADOS DE UMA REDE

1. Começar por um nó  $i$  escolhido ao acaso e efetuar uma pesquisa *Breath First*. Rotular todos os nós alcançados como 1.
2. Se o número total de nós rotulados for  $N$ , então a rede é conectada. Se o número for menor, a rede contém vários componentes.
3. Aumente o rótulo de  $n$  para  $n+1$ . Escolher um nó arbitrário não rotulado  $j$  e rotulá-lo  $n+1$ . Usar pesquisa *Breath First* para encontrar todos os nós alcançáveis a partir de  $j$ , rotulá-los todos com  $n+1$ . Retornar ao passo 2.



Coeficiente de *clustering*

# COEFICIENTE DE *CLUSTERING*

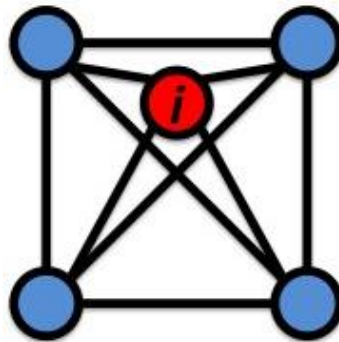
## \* Coeficiente de *clustering*:

Que fração dos seus vizinhos está ligada?

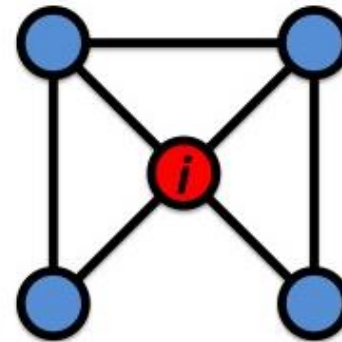
\* Nó  $i$  com grau  $k_i$

\*  $C_i$  em  $[0,1]$

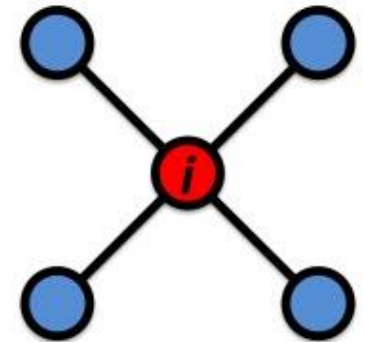
$$C_i = \frac{2e_i}{k_i(k_i - 1)}$$



$$C_i = 1$$



$$C_i = 1/2$$



$$C_i = 0$$

Watts & Strogatz, Nature 1998.



# COEFICIENTE DE CLUSTERING

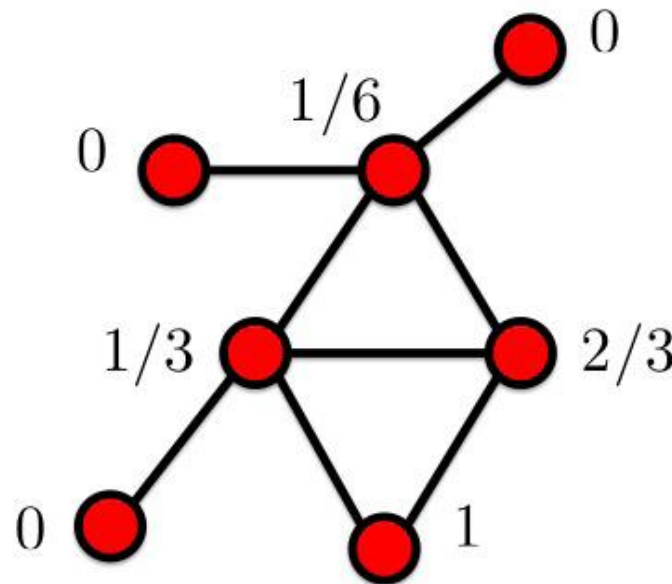
## \* Coeficiente de *clustering*:

Que fração dos seus vizinhos está ligada?

\* Nó  $i$  com grau  $k_i$

\*  $C_i$  em  $[0,1]$

$$C_i = \frac{2e_i}{k_i(k_i - 1)}$$



$$\langle C \rangle = \frac{13}{42} \approx 0.310$$

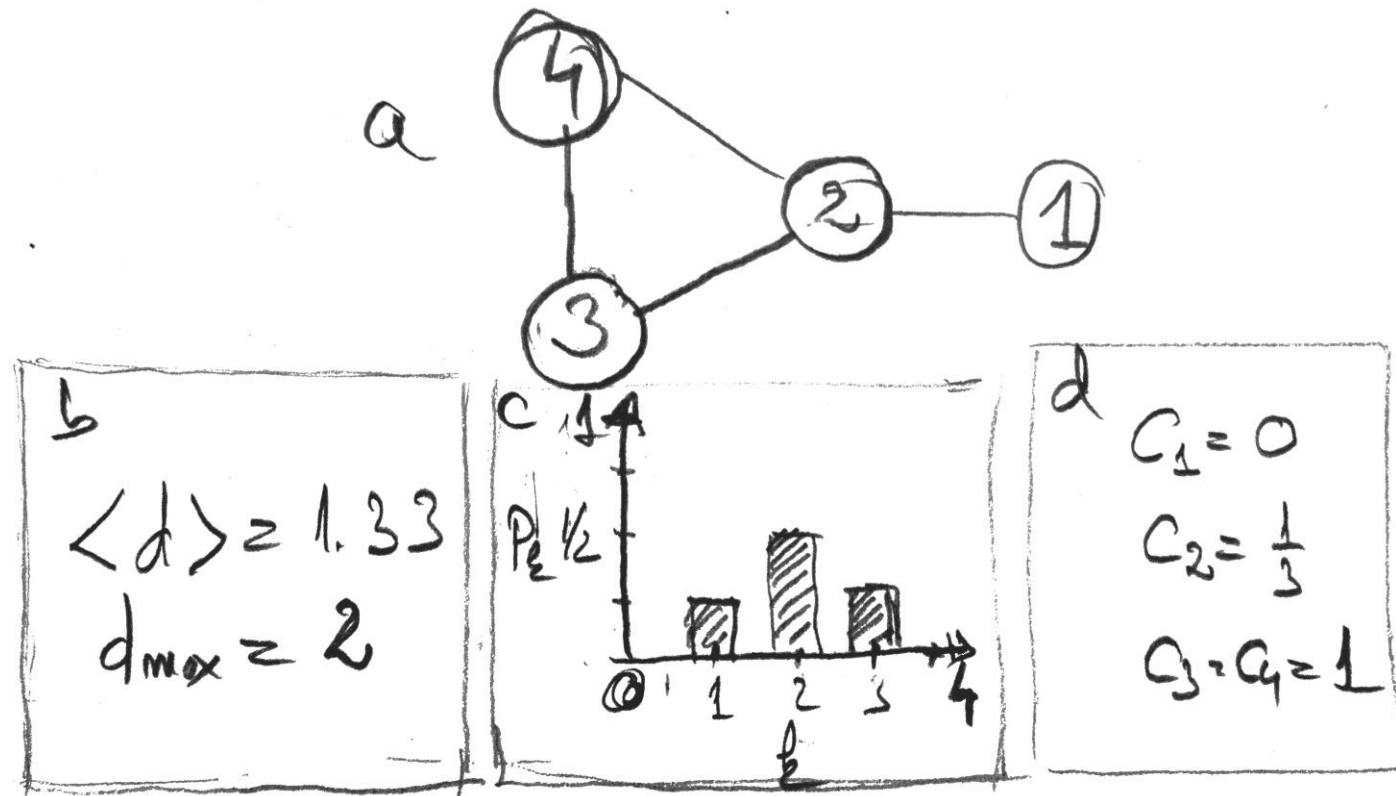
$$C = \frac{3}{8} = 0.375$$

Watts & Strogatz, Nature 1998.



# SUMÁRIO

# TRÊS QUANTIDADES CENTRAIS NA CIÊNCIA DE REDES

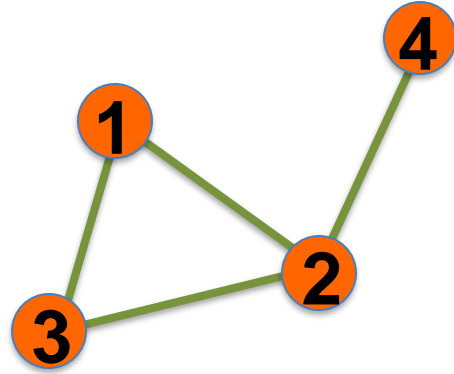


A. Distribuição de grau:  $p_k$

B. Distância média:  $\langle d \rangle$

C. Coeficiente de *clustering*:  $C_i = \frac{2e_i}{k_i(k_i - 1)}$

## Não direcionado



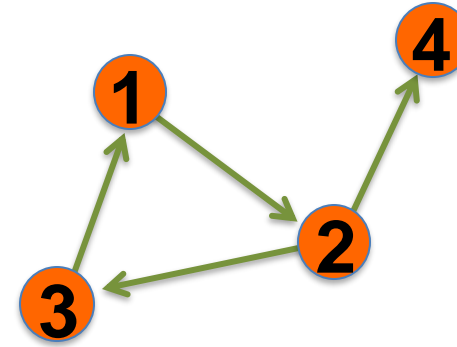
$$A_{ij} = \begin{pmatrix} 0 & 1 & 1 & 0 \\ 1 & 0 & 1 & 1 \\ 1 & 1 & 0 & 0 \\ 0 & 1 & 0 & 0 \end{pmatrix}$$

$$A_{ii} = 0 \quad A_{ij} = A_{ji}$$

$$L = \frac{1}{2} \sum_{i,j=1}^N A_{ij} \quad \langle k \rangle = \frac{2L}{N}$$

Actores, interação proteína-proteína

## Direcionado



$$A_{ij} = \begin{pmatrix} 0 & 1 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 1 & 1 \\ 1 & 0 & 0 & 0 \\ 0 & 0 & 0 & 0 \end{pmatrix}$$

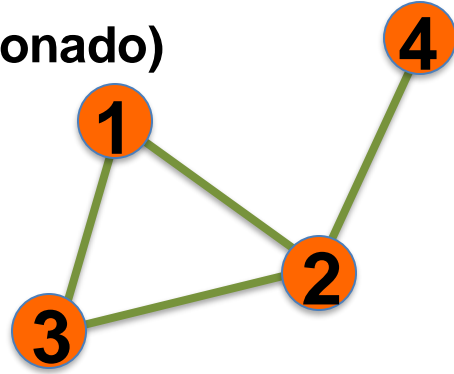
$$A_{ii} = 0 \quad A_{ij} \neq A_{ji}$$

$$L = \sum_{i,j=1}^N A_{ij} \quad \langle k \rangle = \frac{L}{N}$$

WWW, redes de citações

## Não ponderado

(não direcionado)



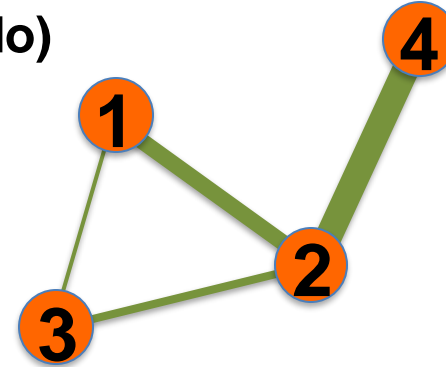
$$A_{ij} = \begin{pmatrix} 0 & 1 & 1 & 0 \\ 1 & 0 & 1 & 1 \\ 1 & 1 & 0 & 0 \\ 0 & 1 & 0 & 0 \end{pmatrix}$$

$$A_{ii} = 0 \quad A_{ij} = A_{ji}$$
$$L = \frac{1}{2} \sum_{i,j=1}^N A_{ij} \quad \langle k \rangle = \frac{2L}{N}$$

Interação proteína-proteína, [www](http://www)

## Ponderado

(direcionado)

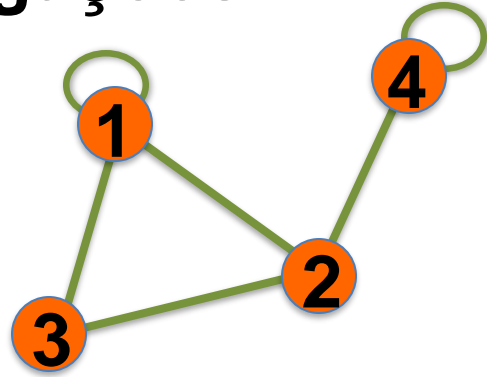


$$A_{ij} = \begin{pmatrix} 0 & 2 & 0.5 & 0 \\ 2 & 0 & 1 & 4 \\ 0.5 & 1 & 0 & 0 \\ 0 & 4 & 0 & 0 \end{pmatrix}$$

$$A_{ii} = 0 \quad A_{ij} = A_{ji}$$
$$L = \frac{1}{2} \sum_{i,j=1}^N \text{nonzero}(A_{ij}) \quad \langle k \rangle = \frac{2L}{N}$$

Grafo de chamadas, redes metabólicas

## Auto-ligações



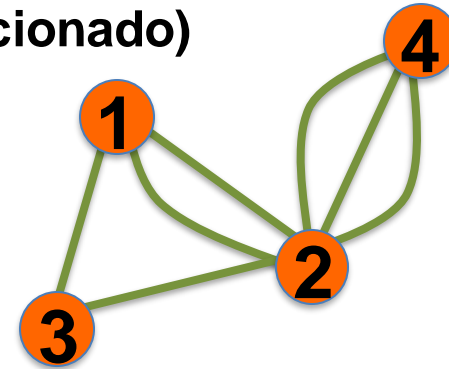
$$A_{ij} = \begin{pmatrix} 1 & 1 & 1 & 0 \\ 1 & 0 & 1 & 1 \\ 1 & 1 & 0 & 0 \\ 0 & 1 & 0 & 1 \end{pmatrix}$$

$$L = \frac{1}{2} \sum_{i,j=1, i \neq j}^N A_{ij} + \sum_{i=1}^N A_{ii} \quad A_{ij} = A_{ji} \quad ?$$

Interação proteína-proteína, [www](http://www)

## Multigrafo

(não direcionado)



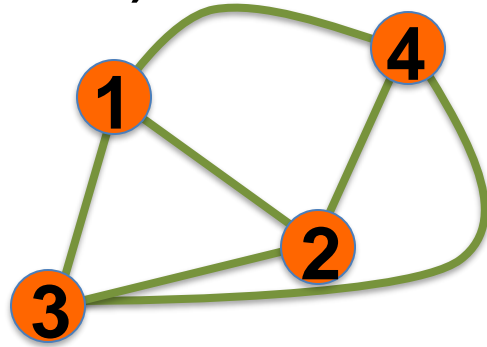
$$A_{ij} = \begin{pmatrix} 0 & 2 & 1 & 0 \\ 2 & 0 & 1 & 3 \\ 1 & 1 & 0 & 0 \\ 0 & 3 & 0 & 0 \end{pmatrix}$$

$$L = \frac{1}{2} \sum_{i,j=1}^N \text{nonzero}(A_{ij}) \quad A_{ii} = 0 \quad A_{ij} = A_{ji} \quad \langle k \rangle = \frac{2L}{N}$$

Redes sociais, redes de colaboração

## Grafo Completo

(não direcionado)

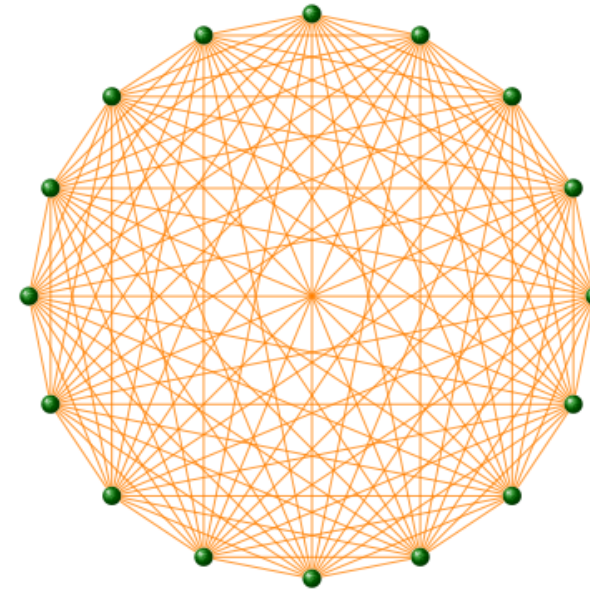


$$A_{ij} = \begin{pmatrix} 0 & 1 & 1 & 1 \\ 1 & 0 & 1 & 1 \\ 1 & 1 & 0 & 1 \\ 1 & 1 & 1 & 0 \end{pmatrix}$$

$$A_{ii} = 0$$

$$A_{i \neq j} = 1$$

$$L = L_{\max} = \frac{N(N-1)}{2} \quad \langle k \rangle = N-1$$



*Actores, interação proteína-proteína*