

#### Projeto Final para Conclusão do Curso de Ciência de Dados

Tema: Expectativa de Vida

Aluno: Marcio Carvalho

# Sumário Executivo

- Introdução
- Origem do Banco de Dados
- Hipóteses a serem estudadas
- 1ª Etapa do Estudo:
  - Coleta de Dados
  - Análise Exploratória de Dados
  - Preparação dos Dados
- 2ª Etapa do Estudo:
  - Modelagem
  - Análise Preditiva
  - Validação
- Conclusão
- Curiosidades
- Agradecimentos

# <u>Introdução</u>

#### O que é Expectativa de Vida?

A expectativa de vida é número médio de anos que a população de um país viverá.



Portanto, o aumento da expectativa de vida está diretamente associado à melhoria das condições de vida da população.

## Banco de Dados

O repositório de dados é da Global Health Observatory (GHO), que é o portal de conjunto de dados estatísticos relacionados à saúde de 183 Estados Membros e gerenciado pela Organização Mundial da Saúde (OMS).

Os dados econômicos foram coletados do site das Nações Unidas.

Os dados foram coletados e organizados no Site: <a href="https://www.kaggle.com/datasets/kumarajarshi/life-expectancy-who">https://www.kaggle.com/datasets/kumarajarshi/life-expectancy-who</a>. O responsável pela obtenção e organização dos dados é o Kumar Rajarshi.

# Banco de Dados

- Período de 2000 a 2015
- Inclui dados da população, crescimento econômico e investimento de saúde e educação de (+/-) 180 países.
- Distribuídos em dois grupos de países, sendo: desenvolvidos e em desenvolvimento.

# Hipóteses a Serem Estudadas

- Ajudar a sugerir quais as áreas que devem ser dado maior importância para melhorar a expectativa de vida.
- Avaliar se adotamos modelo preditivo único ou separado conforme os grupos de países.

# 1<sup>a</sup> Etapa dos Estudos:

O conjunto de dados foi baixado do arquivo csv: 'Life Expectancy Data.csv'



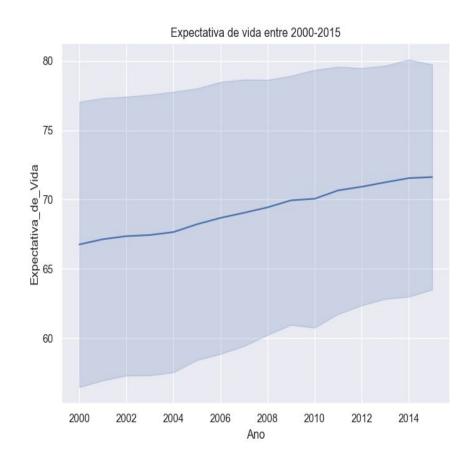
# Coleta de Dados

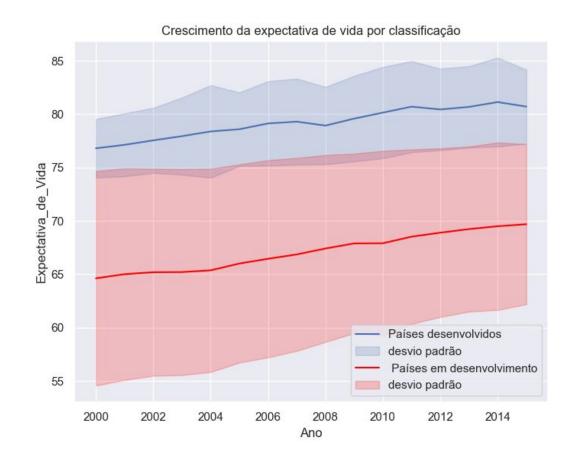
```
import pandas as pd
2 import numpy as np
   import missingno as msno
   import matplotlib.pyplot as plt
5 import seaborn as sns
6 import plotly.express as px
7 import warnings
8 warnings.filterwarnings('ignore')
 0.0s
   df = pd.read csv('Life Expectancy Data.csv')
   pd.set_option('display.max columns', None)
   df.columns = ['PaIs', 'Ano', 'Classificacao', 'Expectativa de Vida',
       'Taxa_Mortalidade_Adulto','Numero_Obito_Infantil','Consumo Alcool',
       'Gastos_Com_Saude', 'Hepatite_B', 'Sarampo', 'Indice_Massa_Corporal',
       'Mortes_Menores_5anos','Cobertura_Polio','Relacao_GastosSaude/
       despesasTotais', 'Cobertura Difeteria', 'Mortes criancas 0-4a Hiv aids', 'PIB',
       'Populacao', 'Magreza 1-19anos', 'Magreza 5-9anos', 'IDH',
       'Anos de Escolaridade']
   df.head()
 0.0s
```

8

# Coleta de Dados

<b>✓</b>	✓ 0.0s										
	Pals	Ano	Classificacao	Expectativa_de_Vida	Taxa_Mortalidade_Adulto	Numero_Obito_Infantil	Consumo_Alcool	Gastos_Com_Si			
0	Afghanistan	2015	Developing	65.0	263.0	62	0.01	71.27			
1	Afghanistan	2014	Developing	59.9	271.0	64	0.01	73.52			
2	Afghanistan	2013	Developing	59.9	268.0	66	0.01	73.21			
3	Afghanistan	2012	Developing	59.5	272.0	69	0.01	78.18			
4	Afghanistan	2011	Developing	59.2	275.0	71	0.01	7.09			

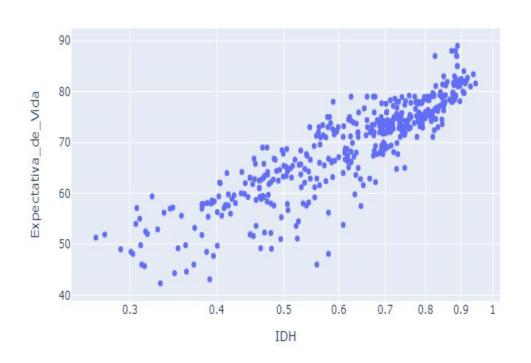




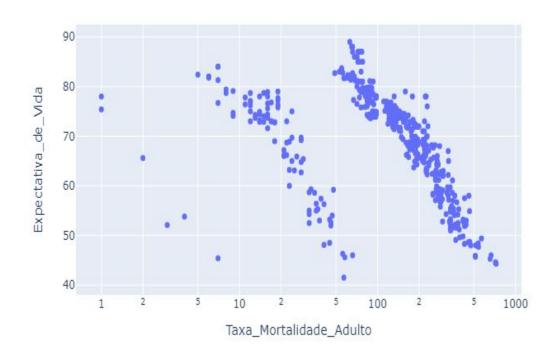
1. Conjunto de Dados Completos

2.Conjunto de dados separados por grupo

Correlação Positiva



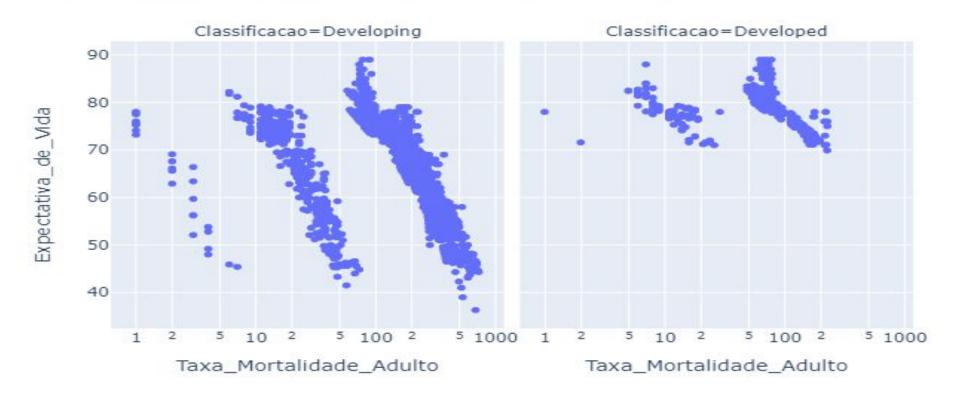
Correlação Negativa

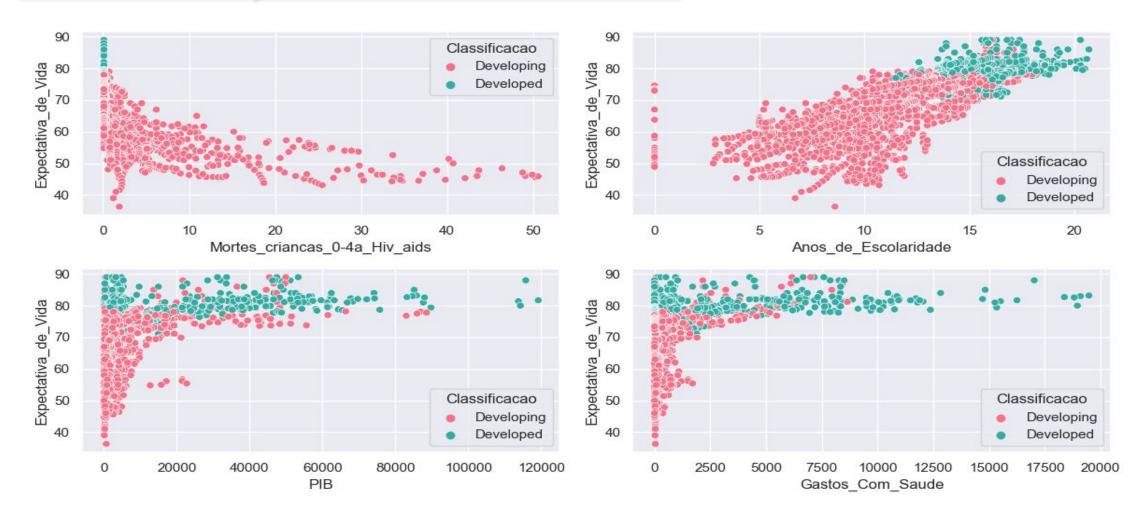


3.Grande Candidato na Importância do Modelo

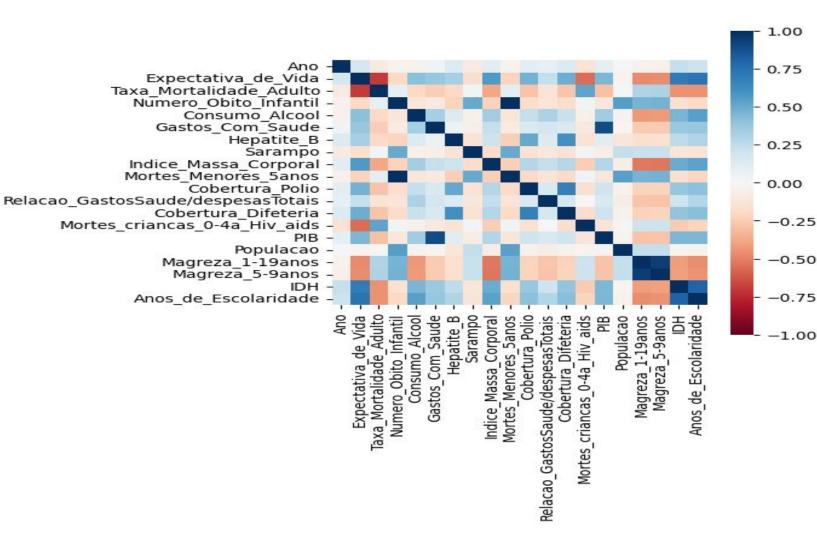
4.Grande Candidato na Importância do Modelo

Impacto da taxa de mortalidade por classificação





- Alta correlação positiva:
- IDH,
- Anos de Escolaridade
- Alta correlação negativa:
  - Taxa de mortalidade adulto



Media Correlação positiva:

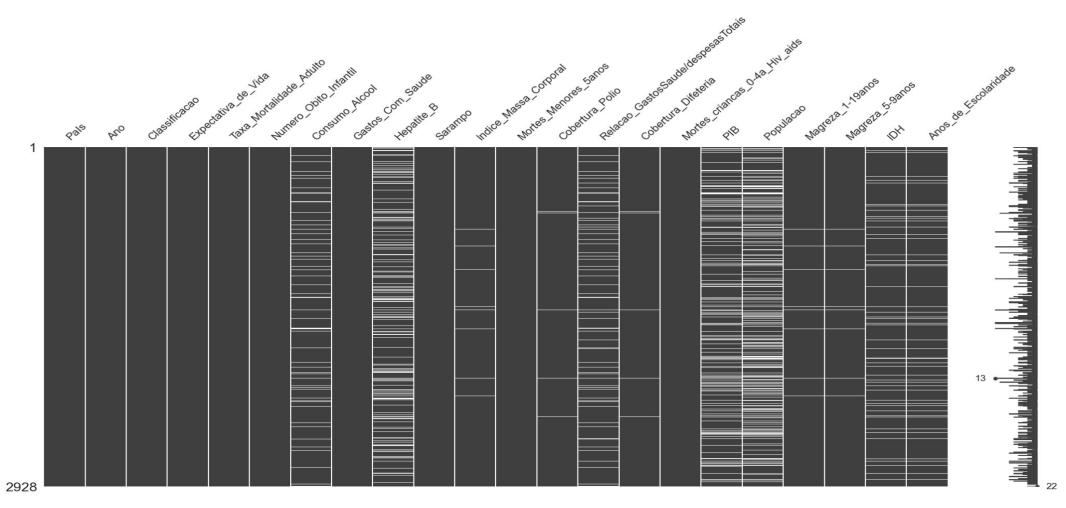
1.00

0.50

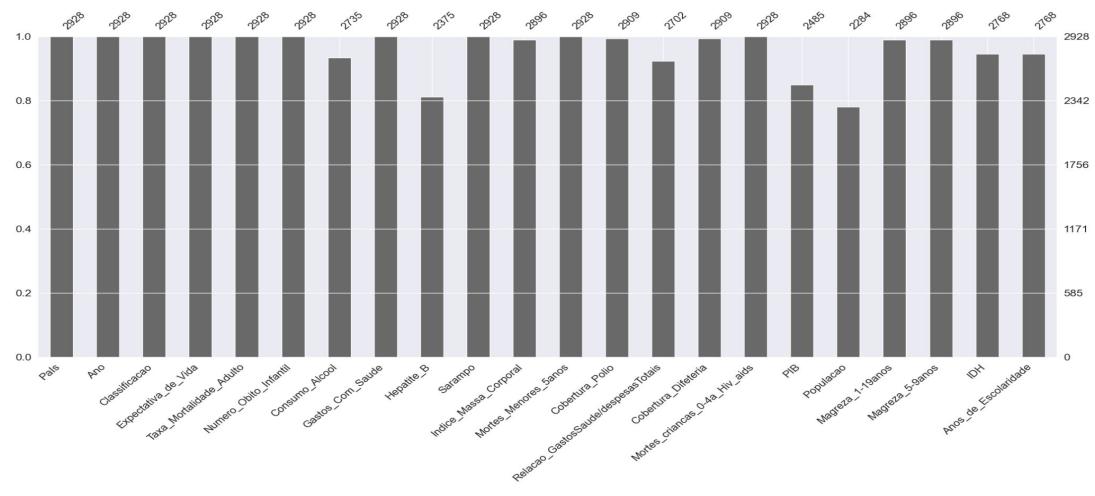
0.25

-0.50

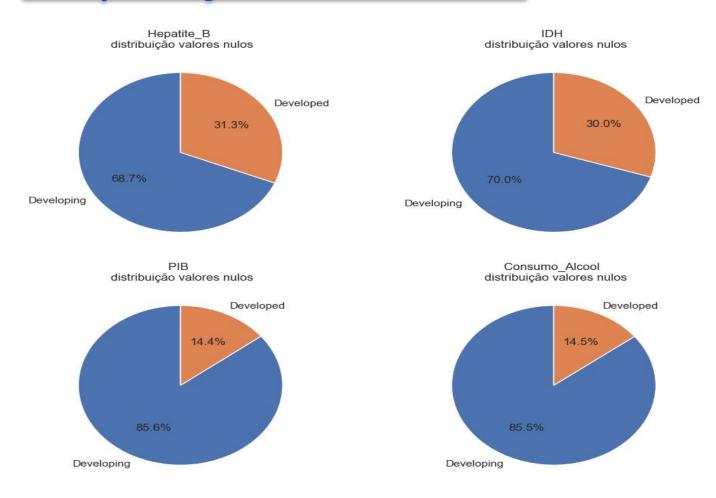
- Índice de massa corporal
- Média -0.75Correlação -1.00negativa:
  - Morte Crianças 0-4 anos Hiv/Aids



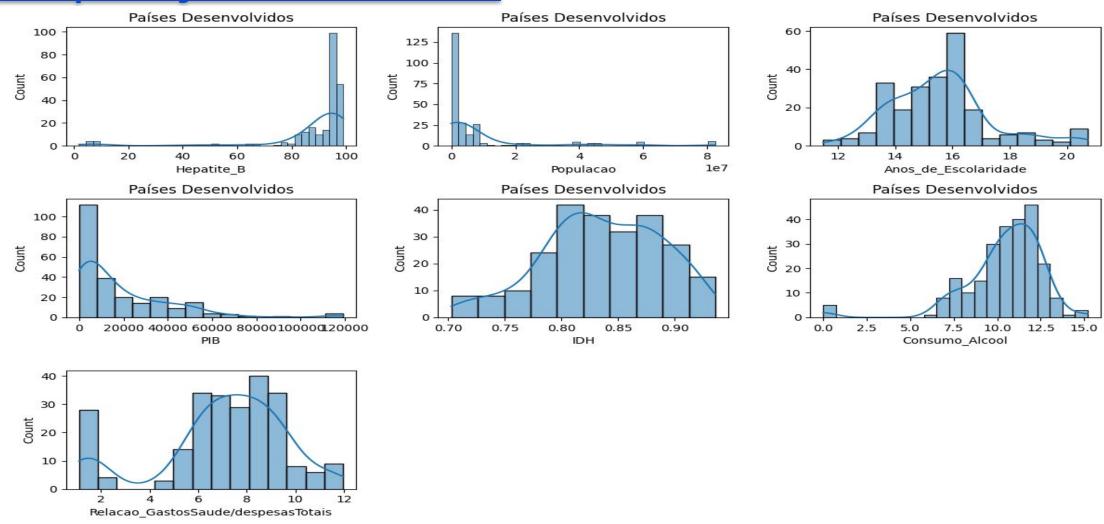
8. Distribuição por Colunas de Valores Nulos

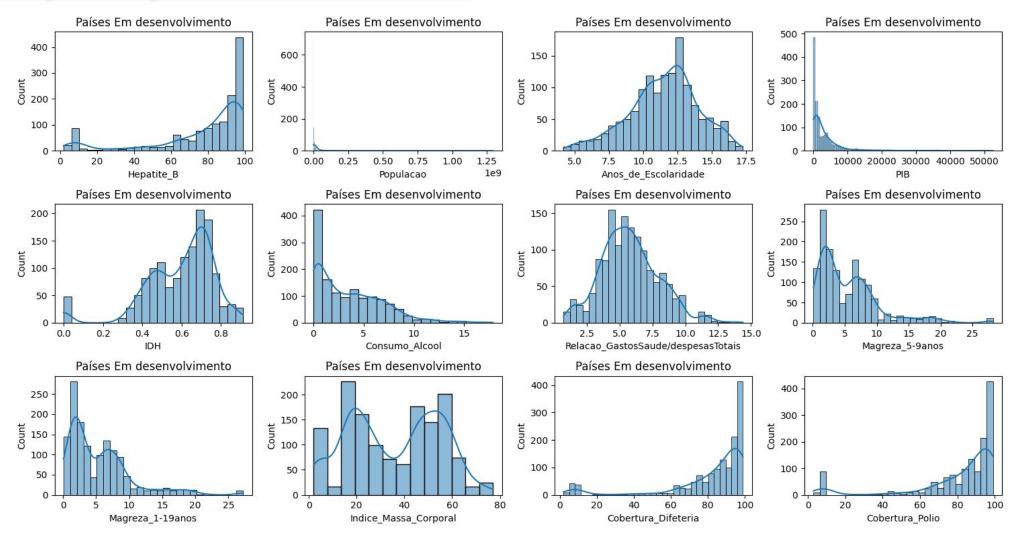


9. Gráfico de Barras Valores Nulos

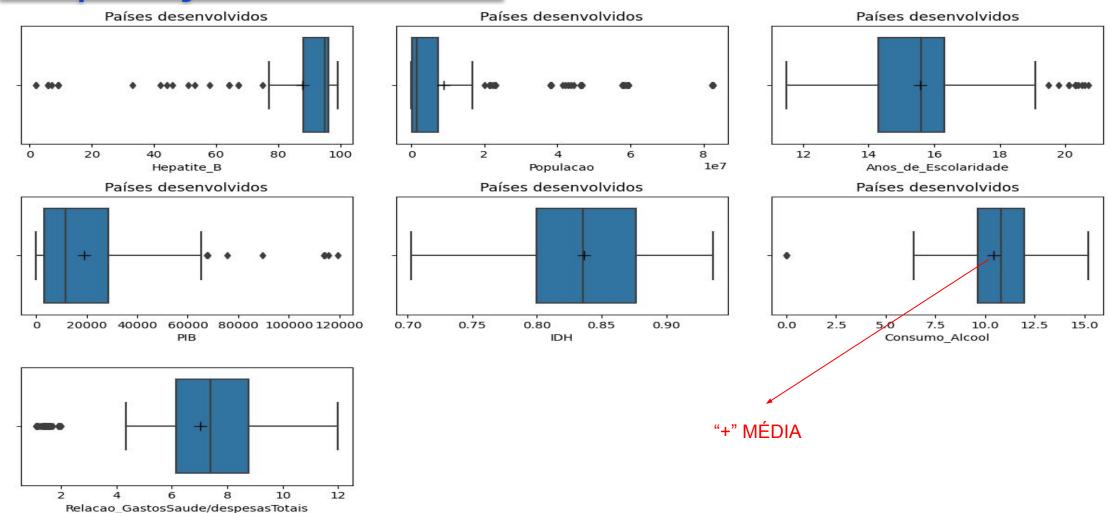


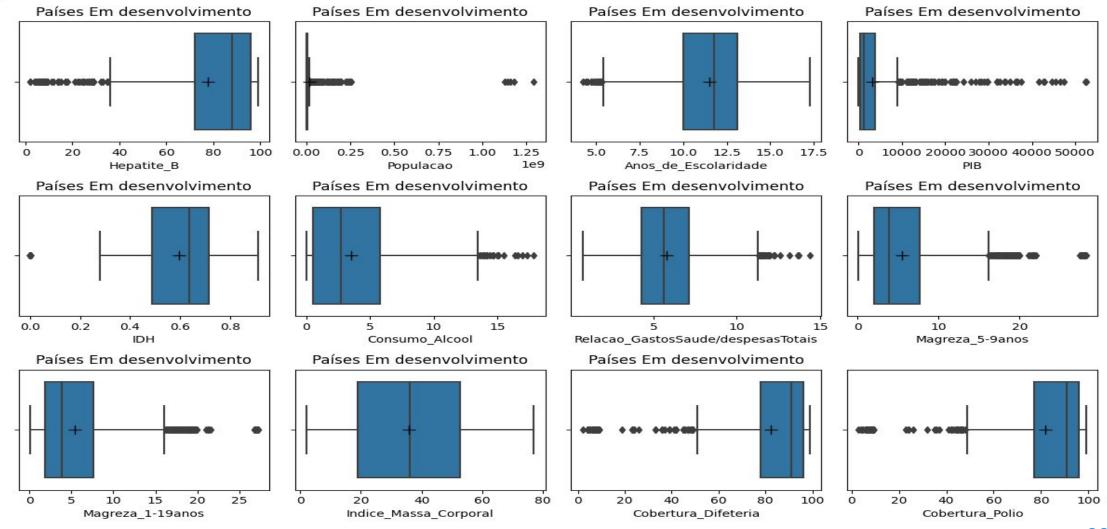
# Valores nulos desbalanceados





12. Atributos sem valores nulos por Classificação

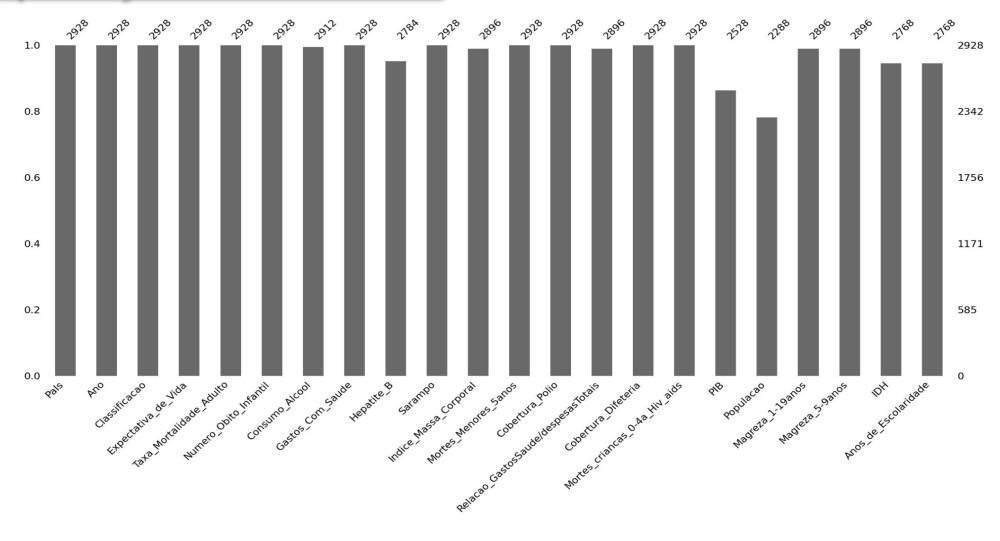


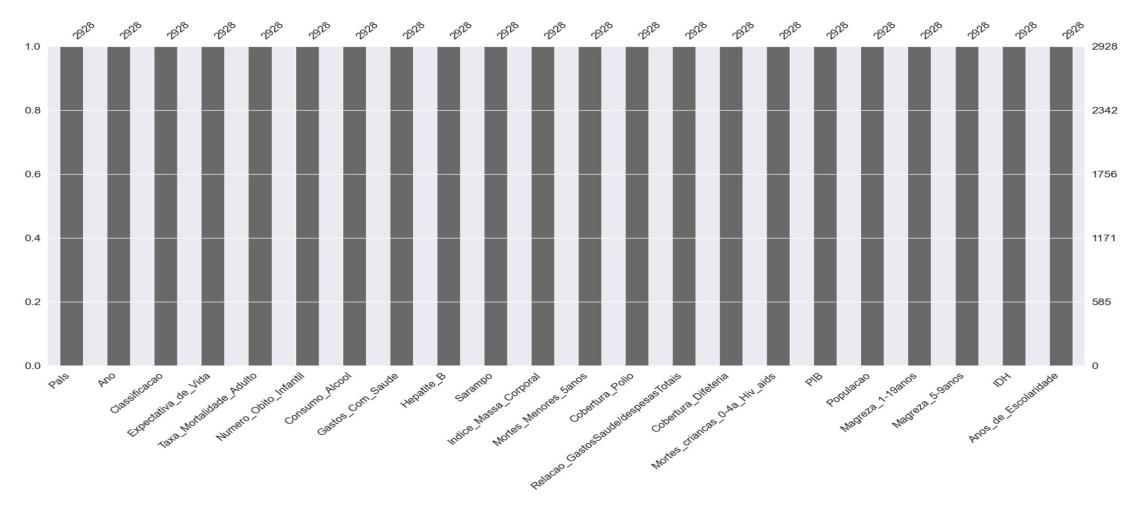


22

Código para imputação de valores parcialmente faltantes por país

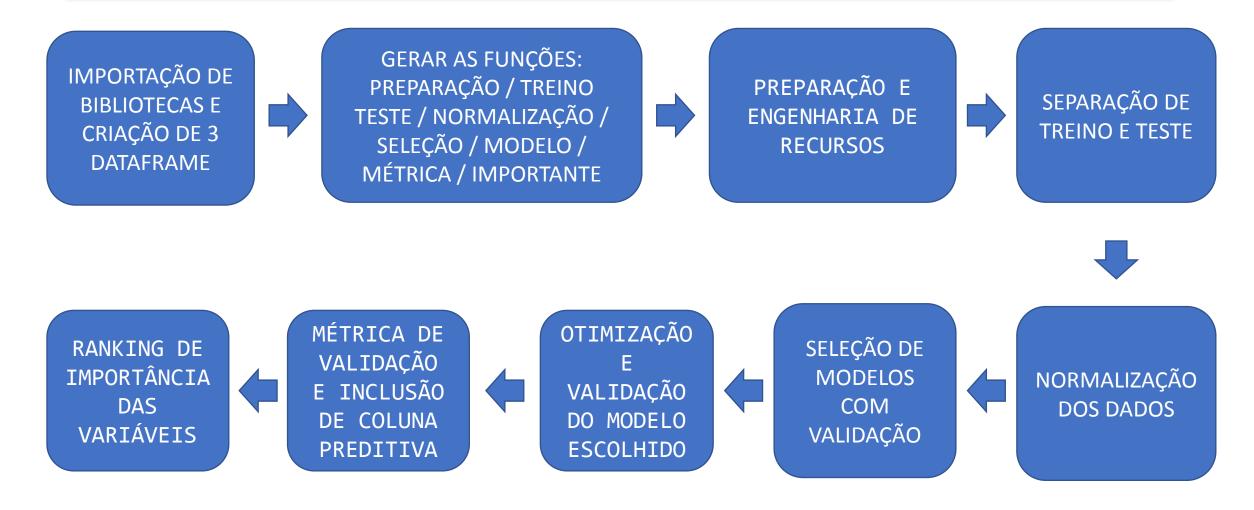
Código para imputação de valores totalmente faltantes por país





16. Conjunto de Dados com preparação agrupando por classificação

# 2ª Etapa do Estudo



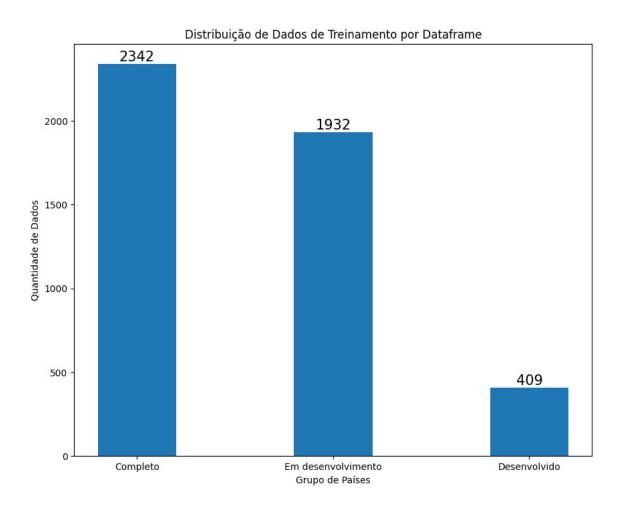
### Modelagem dos Dados

```
import pandas as pd
    import numpy as np
    from sklearn.model selection import train test split
    from sklearn.preprocessing import StandardScaler
    from sklearn.dummy import DummyRegressor
    from sklearn.svm import SVR
    from sklearn.tree import DecisionTreeRegressor
    from sklearn.ensemble import RandomForestRegressor
    from sklearn.ensemble import GradientBoostingRegressor
    from sklearn.neural network import MLPRegressor
    from sklearn.model selection import GridSearchCV
    from sklearn.model_selection import KFold
    from sklearn.metrics import mean_squared_error
    from sklearn.model selection import cross val score
    import seaborn as sns
    import matplotlib.pyplot as plt
    import warnings
    warnings.filterwarnings('ignore')
19
  9.95
```

```
def preparacao(def_model):
    df_model = def_model.drop(columns=['PaIs','Ano'])
    df_model = pd.get_dummies(df_model,columns=['Classificacao'])
    x = df_model.drop(columns='Expectativa_de_Vida')
    y = df_model.Expectativa_de_Vida
    return x , y

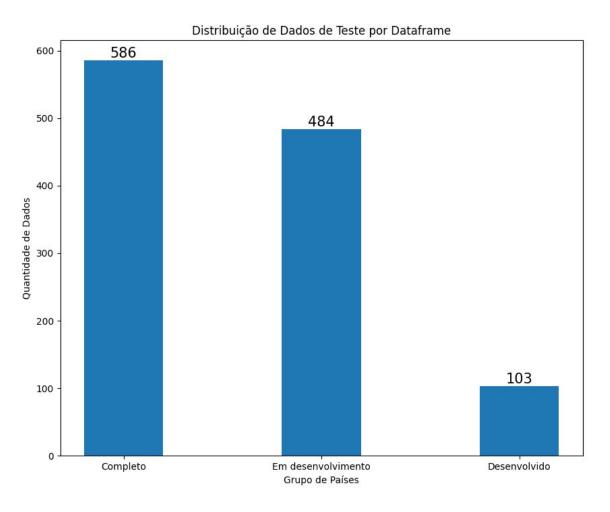
    0.0s
```

### Modelagem dos Dados



28

### Modelagem dos Dados



29

#### Modelagem e Predição dos Dados

```
def normalizacao(X_train, X_test):
    scaler = StandardScaler()
    scaler_fit = scaler.fit(X_train)
    X_train_norm = scaler_fit.transform(X_train)
    X_train_dfnorm = pd.DataFrame(X_train_norm,columns=X_train.columns)
    X_test_norm = scaler_fit.transform(X_test)
    X_test_dfnorm = pd.DataFrame(X_test_norm,columns=X_train.columns)
    return X_train_norm , X_train_dfnorm , X_test_norm , X_test_dfnorm,
    scaler_fit
```

❖ Normalização = StandardScaler

Cross Validation = Kfold

```
def selecao(X_train , X_test , Y_train , Y_test):
    X_rank = pd.concat([X_train, X_test])
    Y_rank = pd.concat([Y_train, Y_test])
    for model in [DummyRegressor,SVR,DecisionTreeRegressor,
        RandomForestRegressor,GradientBoostingRegressor,MLPRegressor]:
    cls = model()
    kfold = KFold(n_splits=10,shuffle=True, random_state=20)
    s = cross_val_score(cls, X_rank, Y_rank,
        scoring="neg_mean_squared_error", cv=kfold)
    print(f"{model.__name__:22} MSE: "f"{s.mean():.3f} STD: {s.std():.2f}")
```

#### Predição dos Dados

```
Dataset todos os países:
DummyRegressor
                      MSE: -90.759 STD: 5.19
SVR
                      MSE: -11.957 STD: 1.54
DecisionTreeRegressor MSE: -6.500 STD: 0.87
RandomForestRegressor MSE: -3.175 STD: 0.52
GradientBoostingRegressor MSE: -5.003 STD: 0.64
MLPRegressor
                      MSE: -14.869 STD: 1.48
 Dataset países desenvolvidos:
                      MSE: -15.453 STD: 3.20
DummyRegressor
SVR
                      MSE: -5.359 STD: 1.41
DecisionTreeRegressor MSE: -5.910 STD: 2.58
RandomForestRegressor MSE: -2.952 STD: 0.72
GradientBoostingRegressor MSE: -3.496 STD: 0.78
MLPRegressor
                      MSE: -418.718 STD: 73.43
 Dataset países em desenvolvimento:
DummyRegressor
                      MSE: -81.174 STD: 3.42
SVR
                      MSE: -12.973 STD: 1.57
DecisionTreeRegressor MSE: -7.109 STD: 1.27
RandomForestRegressor MSE: -3.318 STD: 0.60
GradientBoostingRegressor MSE: -4.956 STD: 0.73
MLPRegressor
                      MSE: -34.685 STD: 2.25
```

Random

 Forest
 Regressor
 foi escolhido
 para
 Otimização e

 Validação

```
def modelo (x_train , y_train):
   param_grid = {
    'bootstrap': [True],
    'max_depth': [20],
    'max_features': [0.4],
    'min_samples_leaf': [1],
    'min_samples_split': [2,3],
    'n_estimators': [700,800],
    'random state': [20],
   rf = RandomForestRegressor()
   grid search = GridSearchCV(estimator = rf, param_grid = param_grid,
                           cv = 10, n jobs = -1, verbose = 3,
                              scoring='neg_mean_squared_error',
                              return train score=True)
   grid search.fit(x train, y train)
   return grid search
```

### Validação de Dados

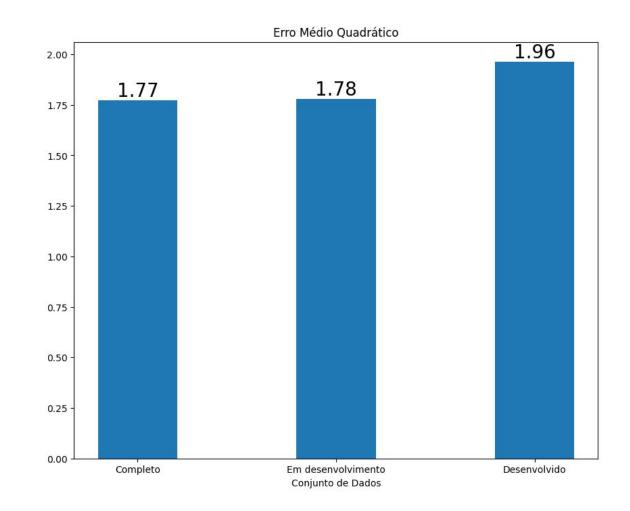
```
1  def metrica(y_test,x_test,model):
2     metrica = mean_squared_error(y_test,model.predict(x_test),squared=False)
3     return metrica

$\square$ 0.0s
```

```
1 def importante (x_train,feature):
2    imp = pd.DataFrame({"Variáveis": x_train.columns,"importantes": feature})
3    var_imp = imp.sort_values(by='importantes',ascending=False).reset_index
        (drop=True)
4    return var_imp
```

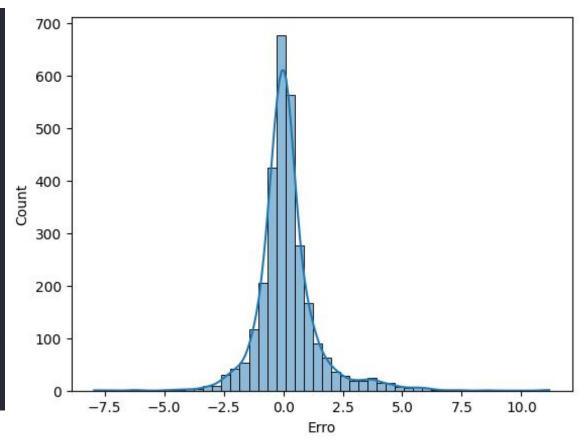
# Validação de Dados

Conjunto
 com todos
 os países,
 ligeiramente,
 teve o
 menor erro.

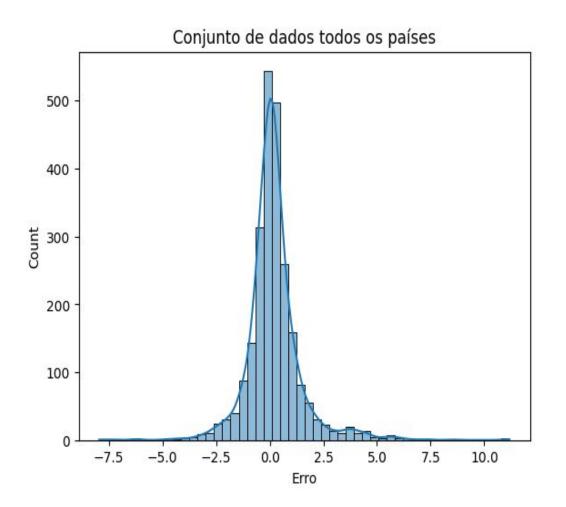


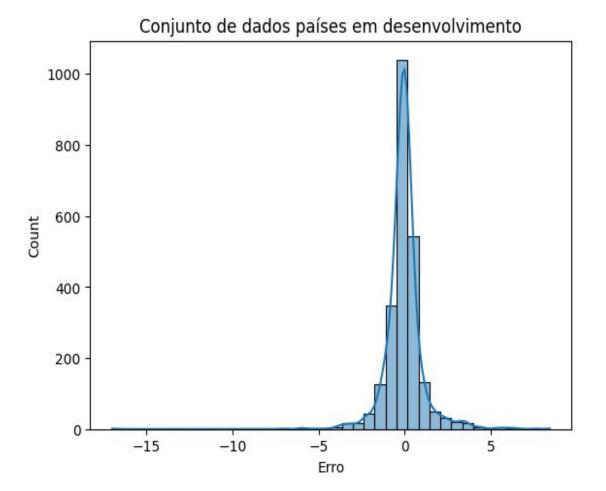
### Validação dos Dados

	Pals	Ano	Classificacao	Expectativa_Vida_real	Expectativa_Vida_previsto	Erro
0	Afghanistan	2015	Developing	65.0	63.348404	1.651596
20	Albania	2011	Developing	76.6	76.456180	0.143820
40	Algeria	2007	Developing	73.8	73.335380	0.464620
60	Angola	2003	Developing	46.8	47.632599	-0.832599
80	Argentina	2015	Developing	76.3	76.416321	-0.116321
2840	Vanuatu	2007	Developing	73.0	72.877812	0.122188
2860	Venezuela (Bolivarian Republic of)	2003	Developing	72.4	72.627280	-0.227280
2880	Yemen	2015	Developing	65.7	64.610620	1.089380
2900	Zambia	2011	Developing	58.2	57.960701	0.239299
2920	Zimbabwe	2007	Developing	46.6	48.752486	-2.152486

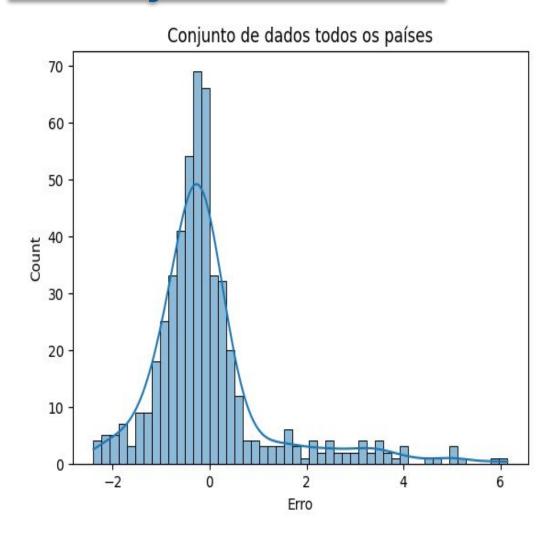


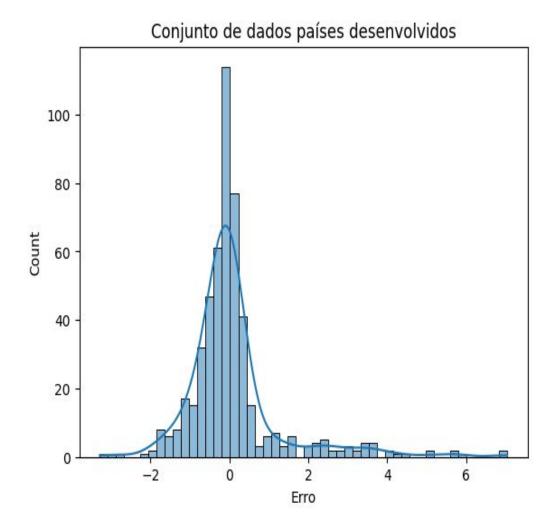
### Validação de Dados

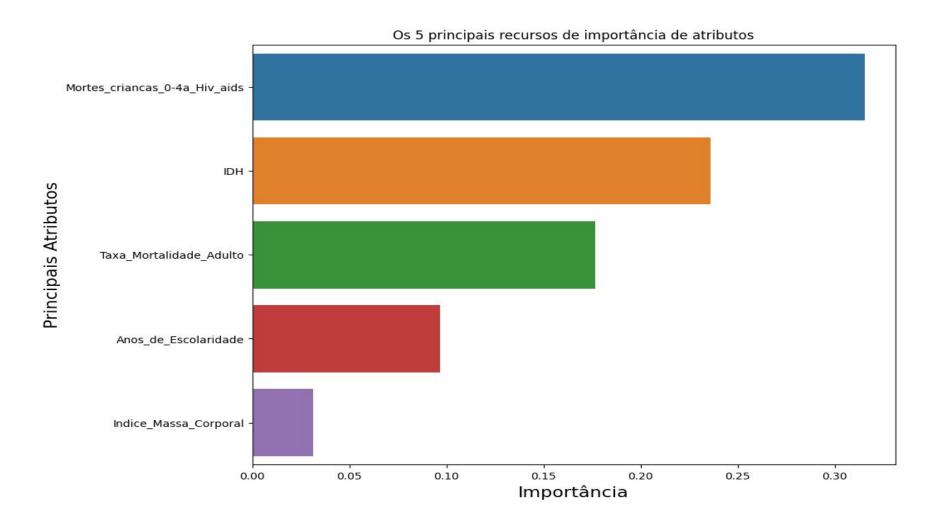




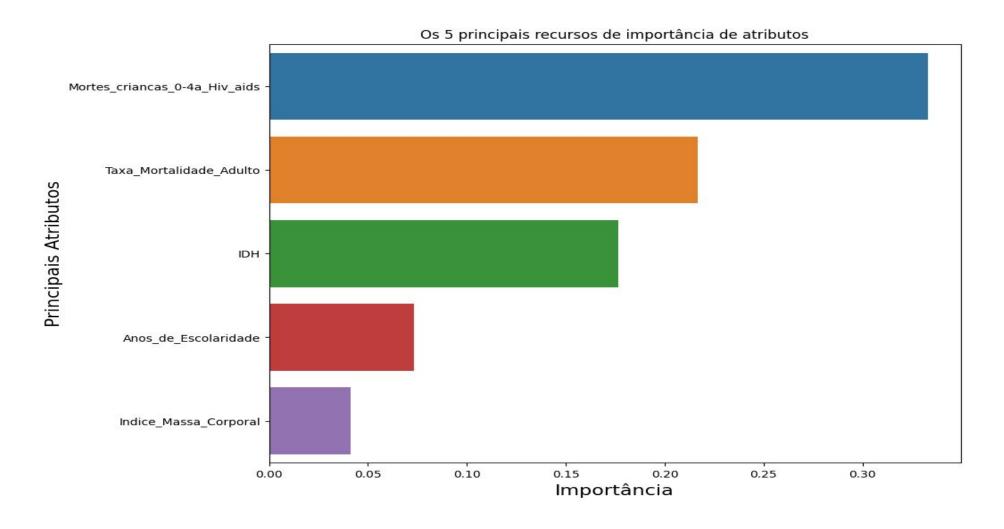
### Validação de Dados



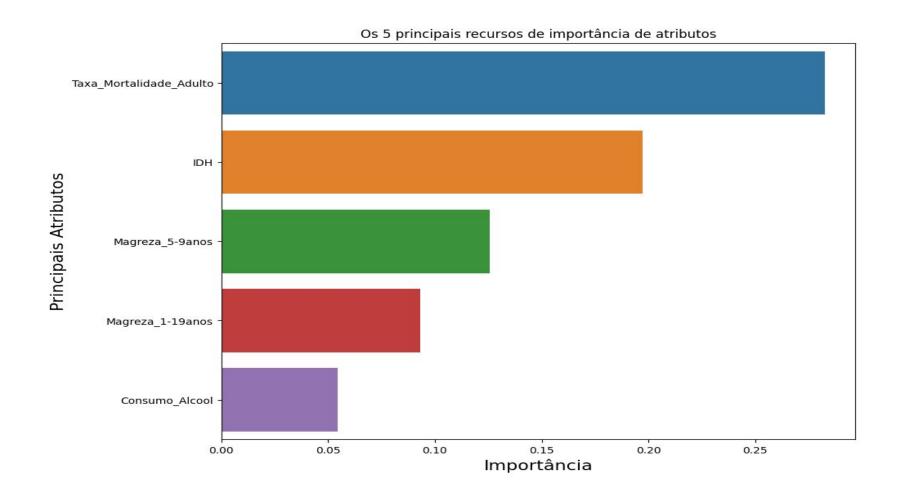


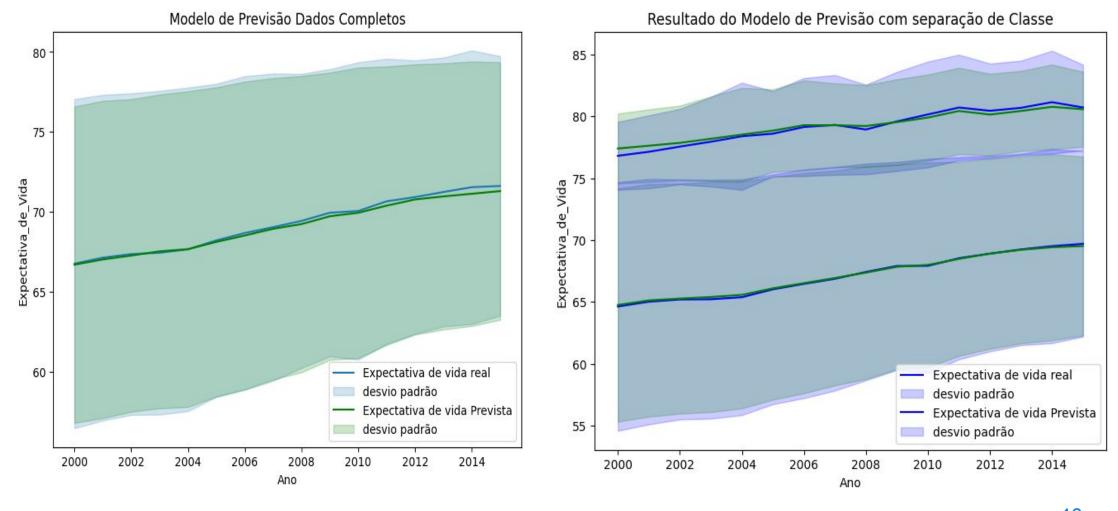


37



38





40

### **Conclusão**

- Claramente a quantidade de dados em cada conjunto de dados impactam na escolha de modelo.entretanto, os modelos de grupos de países separados teve uma amplitude de valores próximo de zero bem maior e uma melhor centralidade nas distribuições dos erros.
- ✔ Podemos sugerir que os países desenvolvidos devem focar os esforços em diminuir a taxa de mortalidade adulta e campanhas para diminuir a magreza de crianças 0-5 anos e jovens de 1-19 anos
- ✔ Países em desenvolvimento também deve ter preocupação com a taxa de mortalidade adulta, entretanto, o foco deve estar voltado para morte de crianças 0-4 anos com HIV/AIDS.
- ✓ Como esperado um alto nível de IDH é importante e os países precisam aumentar os investimentos na área para ter um ganho significativo na expectativa de vida.
- Random Forrest Regressor continua sendo um ótimo modelo de regressão, tendo resultados iniciais muito acima da média.

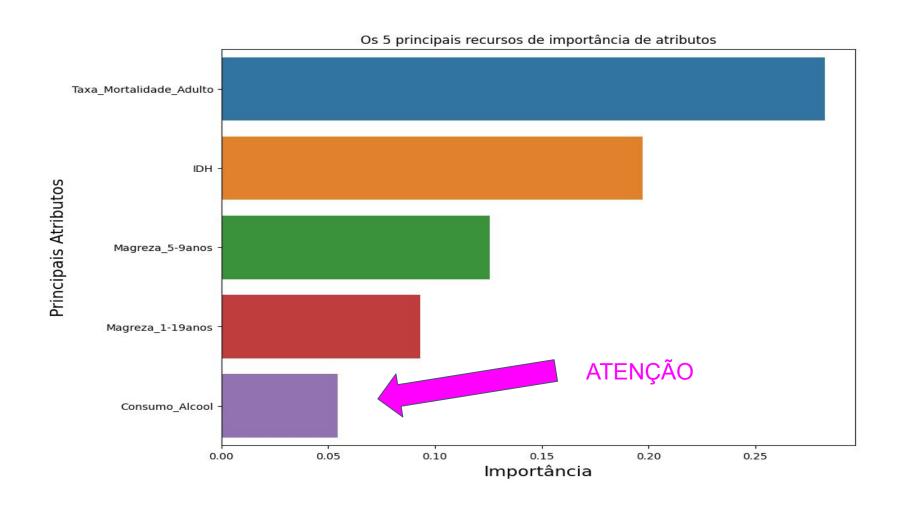
# <u>Curiosidades</u>

# A SEGUIR CENAS DOS PRÓXIMOS CAPÍTULOS...

Coletar um banco de dados com número maior de anos ou com dados semestrais para aperfeiçoar o modelo para o grupo de países desenvolvidos.

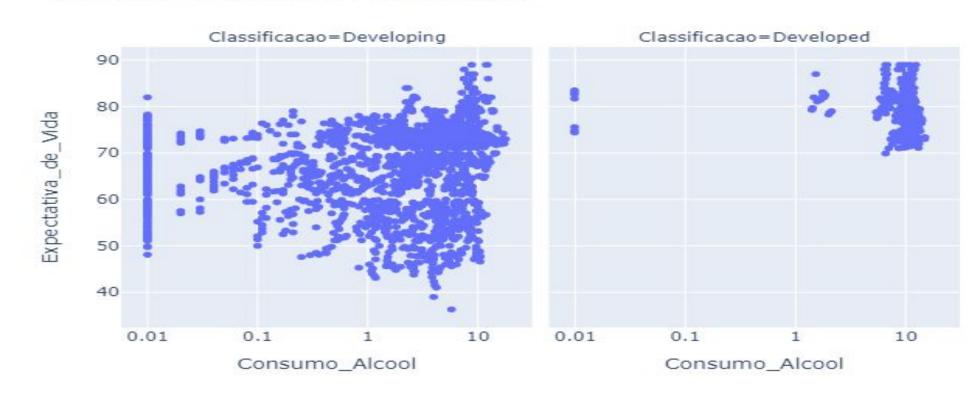
Realizar um estudo focado exclusivamente para o Brasil e suas dificuldades no aumento da expectativa de vida.

# **Curiosidades**

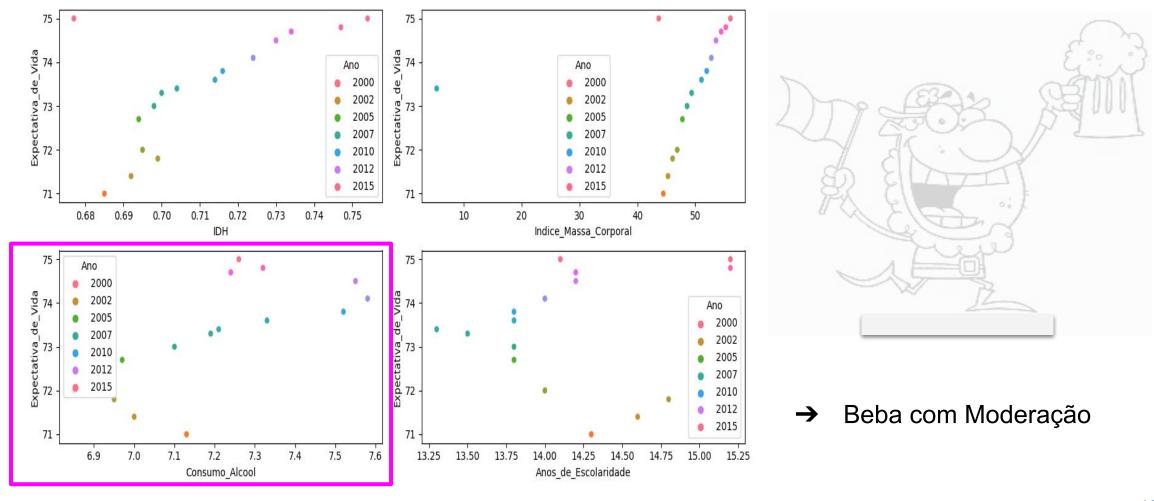


# Curiosidades

#### Consumo de Álcool por Classificação



#### **Curiosidades**



45

# <u>Apêndice</u>

Material utilizado no projeto:

https://github.com/rochamarcio/Expectativa\_de\_vida

#### <u>Agradecimento</u>

"Agradeço a Deus e a minha família.

Há todos os professores e monitores pelos conselhos, dicas e ensinamentos em todo curso.

Aos colegas de classe pela ajuda e compreensão com esse eterno aprendiz.

A todos que trabalham nos bastidores para manter a plataforma operante. muito obrigado a todos."

- Marcio Carvalho

https://www.coursera.org/

https://cloud.ibm.com/

https://github.com/

https://www.infnet.edu.br/infnet/home/

https://www.google.com.br/

https://www.stackoverflow.com

 Machine Learning - Guia de Referência rápida - Trabalhando com dados estruturados em Python - novatec Matt Harrison

