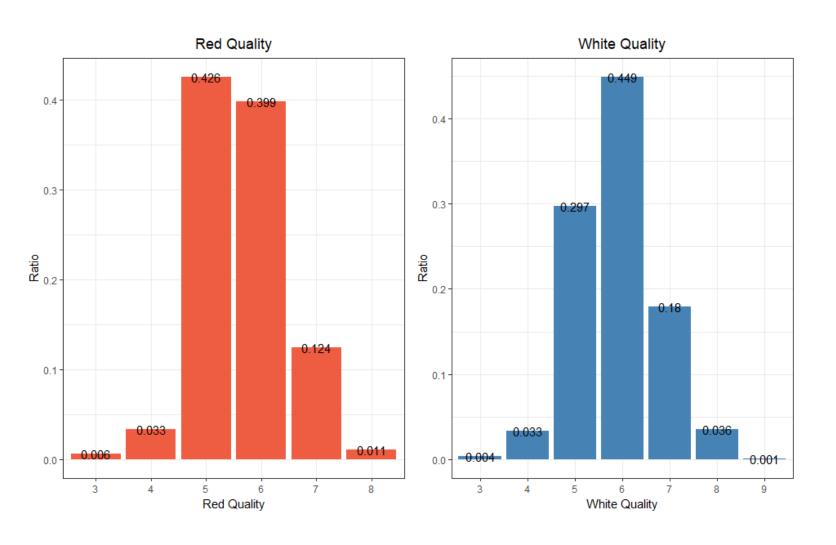
# 紅白酒分類問題

利用隨機森林模型



## 探索性分析 - 紅白酒品質分布 → 了解品質分布狀況

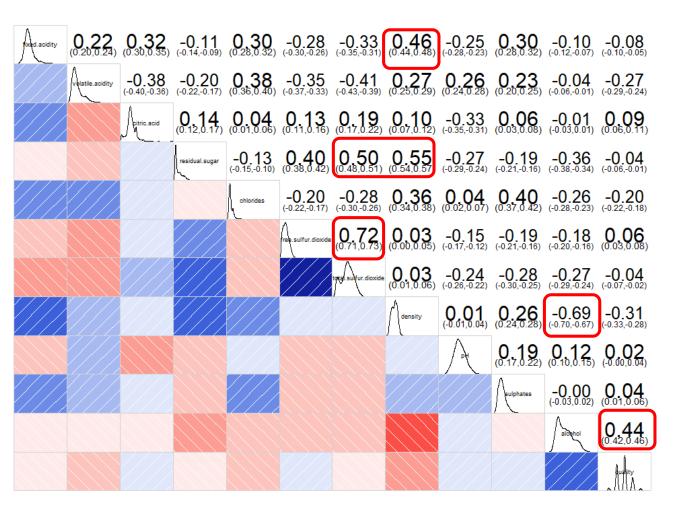


### 說明

紅酒分布以第五級、第六級最多 白酒分布以第六級為最多

→等級分布上可能有些微差異

## 探索性分析 - 相關係數矩陣圖→觀察變數彼此間影響程度

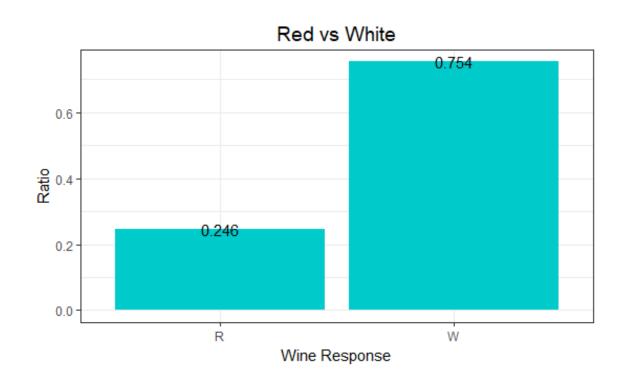


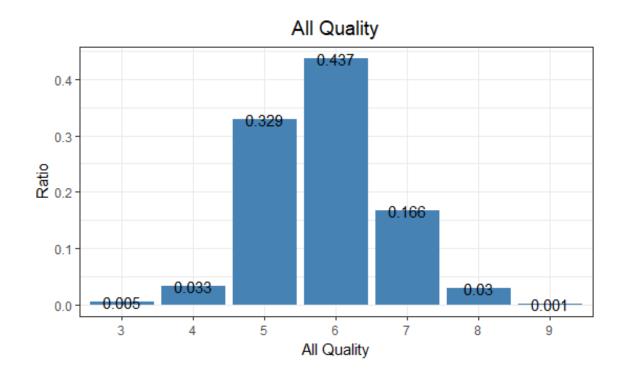
#### 說明

固定酸度和密度有高度正相關 糖分和密度有高度正相關 總二氧化硫和游離二氧化硫高度正相關 總二氧化硫和糖分高度正相關 酒精濃度和密度高度負相關 品質和酒精濃度高度正相關

→密度和許多因素都有相關,可能成為代表性的特徵

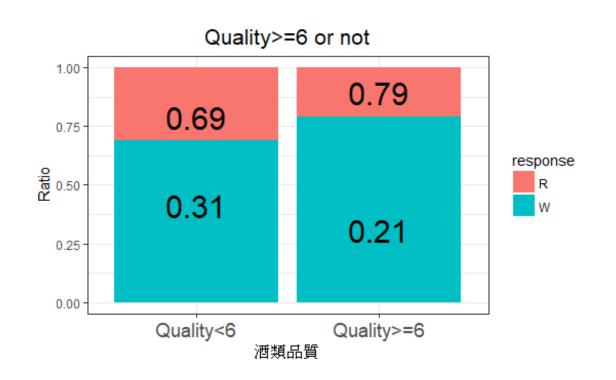
### 合併紅白酒資料 - 探索性分析





- (1) 紅白酒資料合併後,比例上有明顯差異,紅酒對白酒約為1:3,在配模及切割訓練資料時須注意。
- (2) 合併後的資料中,Quality以5,6為最多,可能可當作分界點判斷紅白酒。

## 合併紅白酒資料 - Feature engineering



```
> table(all$GoodQuality,all$response)

R W
0 744 1640
1 855 3258

> chisq.test(table(all$GoodQuality,all$response))

Pearson's Chi-squared test with Yates' continuity correction

data: table(all$GoodQuality, all$response)
X-squared = 87.762, df = 1, p-value < 2.2e-16</pre>
```

說明

利用Quality是否大於六作為分界,製作二元的特徵變數,經過卡方檢定確認此特徵對紅白酒有顯著差異。

## 資料分割 - Train and Test set split

```
#共有6497筆資料,拿6000筆為train,497筆為test
train_red = all[sample(which(all$response=="R"),6000*0.246),]
train_white = all[sample(which(all$response=="W"),6000*0.754),]
train_set = rbind(train_red,train_white)
test_set = all[-as.numeric(rownames(train_set)),]
```

- (1) 共有6497筆資料,取6000筆為training data,497筆為testing data。
- (2) 分割時按照紅白酒1:3的比例切割,使train 和 test 當中紅白酒的比例都是1:3

## 資料建模 - Random Forest 隨機森林模型

### 原理

- (1) 用隨機的方式建立決策樹森林,裏頭包含各個決策樹,之間並無關聯。
- (2) 利用投票的方式,决定分類的答案,因為樹夠多,能夠減少噪音的產生,並涵蓋所有情況。
- (3) 由於每個樹都是隨機獨立的,能夠降低over-fitting的現象(隨機產生樹,每個樹的訓練集都不同)

### 優點

- (1) 能夠處理高維特徵的訓練資料,並無須降維
- (2) 無須進行交叉驗證,在生成過程中能夠獲取內部生成誤差
- (3) 對於skewed型態的資料有好的處理效果
- (4) 能夠知道各變數在分類問題上的重要性



## 資料建模 - Random Forest (original)

#### 說明

- (1) 訓練誤差率→0.47%
- (2) 混淆矩陣 → R失誤率1.49%, W失誤率0.13%

### OOB estimate error(Out Of Bag):

隨機森林的好處之一就是無需做交叉驗證,他會在內部取另外約1/3的tree做樣本,並進行分類計算失誤率,最後生成新的樹。

## 資料建模 - Random Forest (plus new feature)

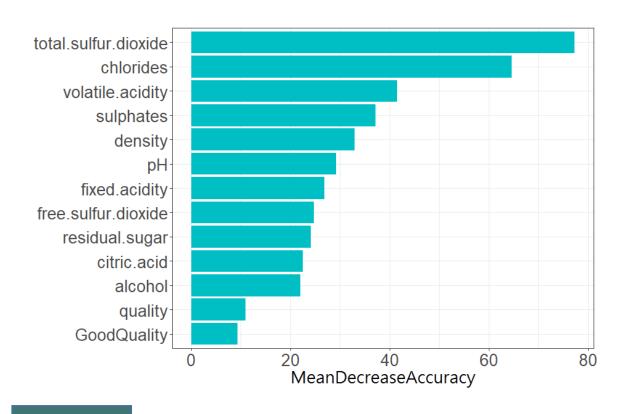
- (1) 訓練誤差率**→**0.48% · 相差不多
- (2) 混淆矩陣 → R失誤率1.42%·W失誤率0.17%

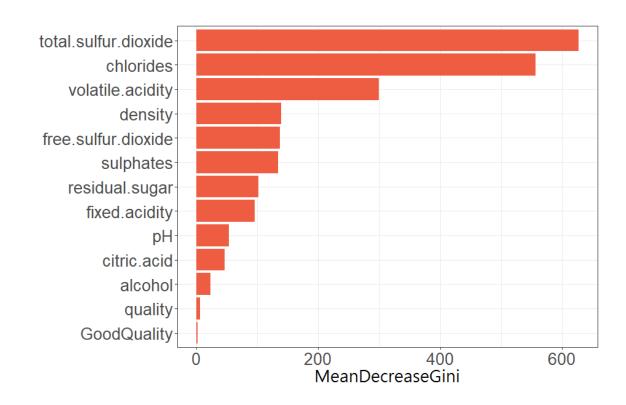
## 結果解釋 - Testing set

```
> table(test_set$response,test_plus)
    test_plus
    R W
R 119  4
W  0 374
```

- (1) 測試誤差率→0.6%
- (2) 混淆矩陣 → R 失誤率 3.2% · W 失誤率0 %

## 結果解釋 - Importance plot





### 說明

下列兩個值愈大,該特徵變數對於該模型的判別影響愈大

- (1) MeanDecreaseAccuracy →利用permute的方法,單獨對每個特徵的值進行改變,然後對所有樹計算平均差距。
- (2) MeanDecreaseGini →計算每棵樹的每個特徵在分類上的提升,然後對所有樹計算權重。
- 簡單來說,Accuracy就是改變這個特徵的值會造成多大影響,Gini就是這個特徵可以提升多少效能。

### 變數篩選 - Feature Selection

```
[1] "volatile.acidity" "chlorides"
[3] "total.sulfur.dioxide" "density"
[5] "response"
Call:
randomForest(formula = response ~ ., data = select_train)
              Type of random forest: classification
                    Number of trees: 500
No. of variables tried at each split: 2
       OOB estimate of error rate: 0.87%
Confusion matrix:
    R W class.error
R 1440 36 0.024390244
   16 4508 0.003536693
```

#### 說明

篩選表現前四好的變數,並建立新模型,訓練誤差率也在1%以下。

- (1) 測試誤差率→0.6%
- (2) 混淆矩陣 → R 失誤率 3.2% · W 失誤率0 %

```
> table(test_set$response,test_select)
    test_select
    R W
R 119  4
W  0 374
```

