

# Projeto de algoritmo genético

**nomes:** Marco souza, Rodrigo Rolim, Paulo nakaima

1. funções escolhidas: f2 e f6
2. cromossoma constituído por uma cadeia de 30 genes representados por números reais de precisão igual a 3
3. O método de seleção aplicado será o de roleta com elitismo após a mutação
4. crossover com  $P_c = 0.7$  e mutação com  $P_m = 0.01$
- 5.

- **função f2:**

- cromossoma: [7.052, -2.641, -1.942, -4.591, -2.807, 4.946, 7.288, -3.001, -0.141, 2.789, -8.177, 9.613, -0.683, -6.01, -8.889, -7.743, -10.95, 8.874, 3.995, 4.948, -7.072, 8.472, 9.406, 8.078, -6.384, -0.048, 7.31, -7.936, -7.295, -4.237]
- fitness: 9.999999999978845e+29

- **função f6:**

- cromossoma: [-84.028, -3.447, -60.083, 45.826, 0.291, 31.97, 58.968, 22.587, 56.898, -69.079, 29.892, 59.364, -77.349, 2.067, -41.627, -54.923, -42.859, -91.222, 26.921, -12.138, -62.263, 64.406, 97.979, -17.526, 28.477, -47.461, 53.658, 7.768, 11.476, -39.314]
- fitness: 139.771