Maestría en Ciencia y Análisis de Datos- Universidad Mayor de San Andrés

# Modelos lineales y modelos lineales generalizados

Rolando Gonzales Martinez, PhD

Fellow postdoctoral Marie Skłodowska-Curie

Universidad de Groningen (Países Bajos)

Investigador (researcher)

Iniciativa de Pobreza y Desarrollo Humano de la Universidad de Oxford (UK)

### Contenido del curso

### (2) Diagnóstico y Evaluación de Modelos Lineales

- Diagnóstico de residuos.
- Multicolinealidad.
- Otras patologías que pueden surgir en los modelos lineales.
- Métricas de evaluación de ajuste.
- Laboratorio: Evaluación de modelos lineales

### Teorema Gauss-Markov

En un modelo lineal de regresión múltiple (MLRM), si se cumplen las siguientes condiciones:

$$y = Xeta + \epsilon$$
  $E(\epsilon) = 0$ 

$$Var(\epsilon) = \sigma^2 I$$

$$Cov(\epsilon_i,\epsilon_j)=0$$

$$Cov(X,\epsilon)=0$$

- 1. Linealidad: El modelo es lineal en los parámetros
- 2. Los errores tienen media cero
- 3. Homocedasticidad: Los errores tienen varianza constante
- 4. No autocorrelación: Los errores no están correlacionados entre sí
- **5.** Independencia entre X y ε: Los errores no están correlacionados con las variables explicativas

Entonces, el estimador de mínimos cuadrados ordinarios es el mejor estimador lineal insesgado (MELI, BLUE). Esto significa que:

- ullet Insesgado:  $E(\hat{eta}) = eta$
- Varianza mínima: Entre todos los estimadores lineales insesgados, el estimador MCO tiene la varianza más baja.

### Normalidad de los residuos

- La normalidad de los residuos no es parte del Teorema Gauss-Markov, por lo que no es necesaria para que los estimadores MCO/OLS sean MELI/BLUE.
- Sin embargo la normalidad de residuos es relevante para la docimasia de hipótesis y para la construcción de intervalos de confianza precisos.
- Si los residuos son normales los estimadores MCO coinciden con los estimadores máximo verosímiles y son eficientes en el sentido de tener varianza mínima.

# Diagnóstico de residuos

Diferentes pruebas estadísticas pueden aplicarse a los residuos para testear normalidad y los supuestos del teorema Gauss-Markov respecto a los residuos de la regresión:

	Test	Hipótesis nula
Linealidad	Harvey-Collier	Linealidad
Normalidad	Jarque-Bera	Normalidad
	D'Agostino,and Pearson	Normalidad
Homocedasticidad (heteroscedasticidad)	Breusch–Pagan	Homocedasticidad
	Goldfeld-Quandt	Homocedasticidad
	White	Homocedasticidad
	Engle	Homocedasticidad

# Diagnóstico de residuos

	Test	Hipótesis nula
Correlación en los residuos (autocorrelación, correlación serial de primer orden y de órdenes superiores)	Durbin-Watson	No correlación (+/-) de primer orden
	Breusch-Godfrey	No (auto)correlación (+/-) de primer orden y órdenes superiores
	Ljung-Box	No (auto)correlación (+/-) de primer orden y órdenes superiores
Independencia entre X y ε (exogeneidad)	Hausman	Los errores no están correlacionados con los regresores

# Test Jarque-Bera de normalidad

- El estadígrafo de Jarque-Bera se distribuye asintóticamente como una distribución chicuadrado con dos grados de libertad
- La hipótesis nula es una hipótesis conjunta de que la asimetría y el exceso de curtosis son nulos (asimetría = 0 y curtosis = 3).

$$JB=rac{n}{6}\left(S^2+rac{1}{4}(K-3)^2
ight)$$

$$S = rac{\hat{\mu}_3}{\hat{\sigma}^3} = rac{rac{1}{n} \sum_{i=1}^n (x_i - ar{x})^3}{\left(rac{1}{n} \sum_{i=1}^n (x_i - ar{x})^2
ight)^{3/2}}$$

$$K = rac{\hat{\mu}_4}{\hat{\sigma}^4} = rac{rac{1}{n} \sum_{i=1}^n (x_i - ar{x})^4}{\left(rac{1}{n} \sum_{i=1}^n (x_i - ar{x})^2
ight)^2}$$

# Test omnibus D'Agostino-Pearson de normalidad

$$z_1 = \sqrt{rac{(n+1)(n+3)}{6(n-2)}} \cdot S$$
  $z_2 = rac{(n-2)}{24} \cdot \left(rac{(n+3)(n+5)}{(n-1)(n+1)}
ight) \cdot (K-3)$ 

$$_{DP}=z_{1}^{2}+z_{2}^{2}$$
  $_{DP}$  ~  $\chi_{(2)}^{2}$ 

# Linealidad: test Harvey-Collier

$$y_{j} = x'_{j}\beta + u_{j}, \qquad j = 1, \dots, n,$$

$$\tilde{u}_{j} = \frac{y_{j} - x'_{j}b_{j-1}}{(1 + x'_{j}(X'_{j-1}X_{j-1})^{-1}x_{j})^{\frac{1}{2}}}, \qquad j = k+1, \dots, n,$$

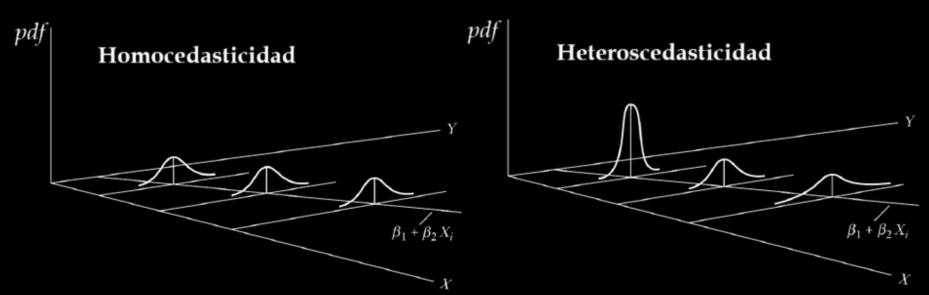
$$\psi = \left[ (n-k-1)^{-1} \sum_{i=k+1}^{n} (\tilde{u}_{j} - \tilde{u})^{2} \right]^{-\frac{1}{2}} (n-k)^{-\frac{1}{2}} \sum_{i=k+1}^{n} \tilde{u}_{j}$$

$$\psi \sim t(n-k-1)$$

Harvey, A. C., & Collier, P. (1977). Testing for functional misspecification in regression analysis. Journal of Econometrics, 6(1), 103-119.

# Homocedasticidad y Heterocedasticidad

$$Y_i = \beta_1 + \beta_2 X_i$$



Afecta eficiencia y validez de la inferencia

# Homocedasticidad: Test Breusch-Pagan

$$egin{aligned} y_i &= X_i eta + arepsilon_i, \quad i = 1, \ldots, n \ g_i &= \hat{arepsilon}_i^2 / \hat{\sigma}^2, \quad \hat{\sigma}^2 = \sum_i \hat{arepsilon}_i^2 / n \ g_i &= lpha_0 + lpha_1 X_1 + lpha_2 X_2 + \ldots + lpha_k X_k + v \ LM &= rac{n \cdot R^2}{2} \end{aligned}$$

$$F = rac{\left(SSR_{ ext{reducido}} - SSR_{ ext{completo}}
ight)/k}{SSR_{ ext{completo}}/(n-k-1)}$$

## Homocedasticidad: Test Goldfeld-Quandt

Ordenar los datos y dividir en 2 grupos:

Para el primer grupo:

$$y_i = eta_0 + eta_1 X_{1i} + eta_2 X_{2i} + \ldots + eta_k X_{ki} + \epsilon_i$$

Para el segundo grupo:

$$y_j = \beta_0 + \beta_1 X_{1j} + \beta_2 X_{2j} + \ldots + \beta_k X_{kj} + \epsilon_j$$

$$egin{aligned} RSS_1 &= \sum_{i \in ext{Grupo } 1} \hat{\epsilon}_i^2 \ RSS_2 &= \sum_{j \in ext{Grupo } 2} \hat{\epsilon}_j^2 \end{aligned}$$

$$F=rac{rac{RSS_2}{df_2}}{rac{RSS_1}{df_1}}$$

### Homocedasticidad: Test de White

 $y = \beta_0 + \beta_1 X_1 + \beta_2 X_2 + \epsilon$ 

$$y = eta_0 + eta_1 X_1 + eta_2 X_2 + \ldots + eta_k X_k + \epsilon$$
  $\hat{\epsilon}^2 = lpha_0 + lpha_1 X_1 + lpha_2 X_2 + \ldots + lpha_k X_k + lpha_{k+1} X_1^2 + lpha_{k+2} X_2^2 + \ldots + lpha_{2k} X_k^2 + lpha_{2k+1} X_1 X_2 + \ldots + v$ 

$$\hat{\epsilon}^2 = lpha_0 + lpha_1 X_1 + lpha_2 X_2 + lpha_3 X_1^2 + lpha_4 X_2^2 + lpha_5 X_1 X_2 + v$$

$$LM = n \cdot R^2 \sim \chi^2_{(d)}$$

# Homocedasticidad: Test ARCH de Engle

$$Y_t = X_t' b_0 + \varepsilon_t$$
  $t = 1, ..., T$   $\varepsilon_t = \xi_t h_t^{1/2}$   $e_t^2 = \alpha_0 + \sum_{j=1}^q \alpha_j \varepsilon_{t-j}^2 + v_t$   $h_t = \alpha_0 + \sum_{j=1}^q \alpha_j \varepsilon_{t-j}^2$ 

$$H_A: \alpha_j \ge 0, j = 1, ..., q$$

 $H_0$ :  $\alpha_j = 0$  for j = 1, ..., q

### Heterocesdasticidad: soluciones

- Transformaciones de variables, WLS
- En el contexto de series de tiempo: modelizar la heteroscedasticidad dinámica
- Matriz varianza-covarianza robusta:
  - HC0: Matriz varianza-covarianza robusta clásica Huber-White. No ajusta los grados de libertad. Adecuada para muestras grandes.
  - o HC1: Ajuste de MacKinnon y White (1985) para muestras pequeñas.
  - HC2, HC3: Ajustes alternativos para muestras más pequeñas.

### Heterocesdasticidad: WLS

$$y_i = eta_0 + eta_1 x_i + \epsilon_i \ \min_{eta_0,eta_1} \sum_{i=1}^n \epsilon_i^2 = \min_{eta_0,eta_1} \sum_{i=1}^n (y_i - eta_0 - eta_1 x_i)^2 \ \min_{eta_0,eta_1} \sum_{i=1}^n w_i \epsilon_i^2 = \min_{eta_0,eta_1} \sum_{i=1}^n w_i (y_i - eta_0 - eta_1 x_i)^2 \ y = Xeta + \epsilon \ W = egin{pmatrix} w_1 & 0 & \cdots & 0 \\ 0 & w_2 & \cdots & 0 \\ \vdots & \vdots & \ddots & \vdots \\ 0 & 0 & \cdots & w_n \end{pmatrix} egin{array}{c} S(eta) = (y - Xeta)^T W(y - Xeta) \\ rac{\partial S(eta)}{\partial eta} = -2X^T W(y - Xeta) = 0 \\ eta = (X^T W X)^{-1} X^T W y \end{pmatrix}$$

## Heterocesdasticidad: matrices robustas

$$egin{aligned} &\mathrm{HC0} = X'X^{-1}X'\mathrm{diag}(u_i^2)XX'X^{-1} \ &\mathrm{HC1} = \left(rac{n}{n-k}
ight)\mathrm{HC0} \end{aligned}$$

$$ext{HC2} = X'X^{-1}X' ext{diag}\left(rac{u_i^2}{1-h_i}
ight)XX'X^{-1} \ H = X(X'X)^{-1}X'$$

$$ext{HC3} = X'X^{-1}X' ext{diag}\left(rac{u_i^2}{(1-h_i)^2}
ight)XX'X^{-1}$$

# Ejemplo: matriz Huber-White (estimador sandwich)

$$egin{aligned} X &= egin{pmatrix} 1 & x_{11} \ 1 & x_{21} \ 1 & x_{31} \end{pmatrix} & \hat{\epsilon} &= egin{pmatrix} 2 \ -1 \ 1 \end{pmatrix} \ \hat{D} &= \operatorname{diag}(\hat{\epsilon}_1^2, \hat{\epsilon}_2^2, \hat{\epsilon}_3^2) = \operatorname{diag}(4, 1, 1) \ X^T X &= egin{pmatrix} 1 & 1 & 1 \ x_{11} & x_{21} & x_{31} \end{pmatrix} egin{pmatrix} 1 & x_{11} \ 1 & x_{21} \ 1 & x_{31} \end{pmatrix} = egin{pmatrix} 3 & \sum x_{i1} \ \sum x_{i1}^2 \end{pmatrix} \ X^T \hat{D} X &= egin{pmatrix} 1 & 1 & 1 \ x_{11} & x_{21} & x_{31} \end{pmatrix} egin{pmatrix} 4 & 0 & 0 \ 0 & 1 & 0 \ 0 & 1 & 0 \ 0 & 0 & 1 \end{pmatrix} egin{pmatrix} 1 & x_{11} \ 1 & x_{21} \ 1 & x_{31} \end{pmatrix} = egin{pmatrix} 4 & 4x_{11} \ 1 & x_{21} \ 1 & x_{31} \end{pmatrix} egin{pmatrix} 1 & x_{11} \ 1 & x_{21} \ 1 & x_{31} \end{pmatrix} \ \hat{\Sigma}_{ ext{robusta}} &= (X^T X)^{-1} (X^T \hat{D} X) (X^T X)^{-1} \end{aligned}$$

# Heterocesdasticidad: modelos de la familia (G)ARCH

$$egin{aligned} X_t &= \phi_1 X_{t-1} + \phi_2 X_{t-2} + \cdots + \phi_p X_{t-p} + \epsilon_t \ Y_t &= 
abla^d X_t \ X_t &= \epsilon_t + heta_1 \epsilon_{t-1} + heta_2 \epsilon_{t-2} + \cdots + heta_q \epsilon_{t-q} \ & 
abla^d X_t &= \phi_1 
abla^d X_{t-1} + \phi_2 
abla^d X_{t-2} + \cdots + \ \phi_p 
abla^d X_{t-p} + \epsilon_t + heta_1 \epsilon_{t-1} + heta_2 \epsilon_{t-2} + \cdots + heta_q \epsilon_{t-q} \ & 
abla^2 &= lpha_0 + lpha_1 \epsilon_{t-1}^2 + lpha_2 \epsilon_{t-2}^2 + \cdots + lpha_q \epsilon_{t-q}^2 \ & 
abla^2 &= lpha_0 + \sum_{i=1}^q lpha_i \epsilon_{t-i}^2 + \sum_{j=1}^p eta_j \sigma_{t-j}^2 \end{aligned}$$

# Correlación de los residuos: Estadígrafo Durbin-Watson

$$e_t = \rho e_{t-1} + \nu_t$$

$$DW = rac{\sum_{t=2}^{n}(e_{t}-e_{t-1})^{2}}{\sum_{t=1}^{n}e_{t}^{2}}$$

DW varía entre 0 y 4:

- DW = 2 indica que no hay autocorrelación en los residuos.
- DW < 2 sugiere autocorrelación positiva.</li>
- DW > 2 sugiere autocorrelación negativa.

### Valores Críticos dL y dU:

- Si DW < dL: hay evidencia de autocorrelación positiva.</li>
- o Si dL ≤ DW ≤ dU: la prueba es inconclusa.
- Si DW > dU: no hay evidencia de autocorrelación positiva.
- o Para la autocorrelación negativa, se compara DW con 4 dU y 4 dL.

# Correlación de los residuos: Estadígrafo Durbin-Watson

- El estadígrafo DW es sesgado (subestima autocorrelacion) en el contexto de modelos AR(I)MA
- El estadígrafo H se distribuye asintóticamente como una distribución gaussiana estándar

$$e_t = 
ho e_{t-1} + 
u_t$$
  $DW = rac{\sum_{t=2}^n (e_t - e_{t-1})^2}{\sum_{t=1}^n e_t^2}$ 

$$H = \left(1 - rac{DW}{2}
ight)\sqrt{rac{n}{1 - n
ho^2}}$$

# Correlación de los residuos: test Breusch-Godfrey

Correlación de primer orden (p=1) y de ordenes superiores (p > 1):

 $nR^2 \sim \chi_p^2$ 

$$egin{aligned} y_t &= eta_0 + eta_1 x_{1t} + eta_2 x_{2t} + \dots + eta_k x_{kt} + \epsilon_t \ \hat{e}_t &= lpha_0 + lpha_1 x_{1t} + lpha_2 x_{2t} + \dots + \ lpha_k x_{kt} + 
ho_1 \hat{e}_{t-1} + \dots + 
ho_p \hat{e}_{t-p} \ \\ LM &= n \, R^2 \end{aligned}$$

# Correlación de los residuos: test Breusch-Godfrey

Correlación de primer orden (p=1) y de ordenes superiores (p > 1) hasta el rezago m:

$$\hat{
ho}_l = rac{\sum_{t=l+1}^n (e_t - ar{e})(e_{t-l} - ar{e})}{\sum_{t=1}^n (e_t - ar{e})^2}$$

$$Q=n(n+2)\sum_{l=1}^mrac{\hat
ho_l^2}{n-l}$$

$$Q \sim \chi^2_{(m)}$$

# Exogeneidad: Test de Hausman

$$egin{aligned} y &= Xeta + \epsilon \ \hat{eta}_{OLS} &= (X'X)^{-1}X'y & \operatorname{Var}(\hat{eta}_{OLS}) = \sigma^2(X'X)^{-1} \ \hat{eta}_{IV} &= (Z'X)^{-1}Z'y & \operatorname{Var}(\hat{eta}_{IV}) = \sigma^2(X'P_ZX)^{-1} \ H &= (\hat{eta}_{IV} - \hat{eta}_{OLS})' \left[ \operatorname{Var}(\hat{eta}_{IV}) - \operatorname{Var}(\hat{eta}_{OLS}) 
ight]^{-1} (\hat{eta}_{IV} - \hat{eta}_{OLS}) \ H &\sim \chi^2_{(k)} \end{aligned}$$

- Nula: el estimador OLS (consistente) es preferible al estimador IV (porque se cumple el supuesto de exogeneidad
- Alternativa: el estimador IV es preferible porque el estimador OLS es inconsistente (porque no existe exogeneidad)

### Multicolinealidad

- La multicolinealidad se refiere a la situación en la que dos o más variables explicativas en un modelo de regresión están altamente correlacionadas entre sí.
- El determinante de la matriz X'X proporciona información sobre la dependencia lineal entre las variables explicativas: si det(X'X) tiende a cero, existe evidencia de multicolinealidad, y si det(X'X) = 0 la multicolinealidad es perfecta.
- El número de condición de Belsley (B), el cociente entre el mayor y el menor valor singular de X, también ofrece información sobre el grado de multicolinealidad, siendo ésta severa cuando B > 30. Los valores singulares son las raíces cuadradas no negativas de los autovalores de la matriz X'X.

### Multicolinealidad

Una manera práctica de evaluar y lidiar con la multicolinealidad es emplear los factores de inflación de varianza (variance inflation factors, VIF):

$$egin{aligned} ext{VIF}_i &= rac{1}{1-R_i^2} \ X_1 &= lpha_2 X_2 + lpha_3 X_3 + \cdots + lpha_k X_k + c_0 + e \end{aligned}$$

- VIF ≥ 10: multicolinealidad severa
- VIF ≥ 5: multicolinealidad elevada
- VIF < 5: multicolinealidad débil a moderada</li>