

2 (0.5)	0 (0)	1 (1.3)	1 (10.3)	0 (0)	1 (1.6)	0 (0)	0 (0)	DHG, H3 G35
9 (0.6)	0 (0)	4 (1.3)	2 (5.2)	0 (0)	4 (1.6)	1 (0.9)	0 (0)	DHG, H3 G35, TP53
1 (0.7)	0 (0)	0 (0)	0 (0)	0 (0)	1 (6.2)	0 (0)	0 (0)	DIPG, H3 wildtype
1 (0.7)	0 (0)	0 (0)	0 (0)	0 (0)	1 (6.2)	0 (0)	0 (0)	DIPG, H3 wildtype, TP53
0 (0)	0 (0)	0 (0)	0 (0)	0 (0)	2 (NR)	0 (0)	0 (0)	DIPG, To be classified
40 (4.5*)	0 (0)	2 (0.2)	0 (0)	0 (0)	5 (0.7)	1 (0.3)	0 (0)	DMG, H3 K28
59 (2.5*)	1 (0.6)	10 (0.7)	1 (0.4)	0 (0)	10 (0.8)	0 (0)	0 (0)	DMG, H3 K28, TP53
20 (0.3)	3 (4.5*)	10 (1.1)	1 (0.6)	4 (9.1*)	9 (1.2)	8 (4.3*)	3 (NR)	HGG, H3 wildtype
19 (0.8)	0 (0)	6 (1.1)	1 (1.1)	2 (3.9)	4 (0.7)	4 (2.5)	0 (0)	HGG, H3 wildtype, TP53
4 (0.7)	0 (0)	1 (0.8)	0 (0)	0 (0)	2 (2.1)	1 (2.5)	0 (0)	HGG, IDH, TP53
1 (0.1)	1 (6.4)	8 (24.6*)	0 (0)	0 (0)	0 (0)	0 (0)	0 (0)	HGG, PXA
0 (0)	0 (0)	1 (NR)	0 (0)	0 (0)	0 (0)	0 (0)	0 (0)	HGG, PXA, TP53
17 (1.1)	1 (2)	4 (0.8)	1 (1.4)	0 (0)	4 (1)	2 (1.3)	0 (0)	HGG, To be classified
0 (0)	0 (0)	1 (NR)	0 (0)	0 (0)	0 (0)	0 (0)	0 (0)	IHG, ALK–altered
2 (1.5)	0 (0)	1 (2.7)	0 (0)	0 (0)	0 (0)	0 (0)	0 (0)	IHG, NTRK–altered
1 (0.7)	0 (0)	0 (0)	1 (40)	0 (0)	0 (0)	0 (0)	0 (0)	IHG, ROS1–altered
1	2	3	4	5	6	7	8	

