

2 (0.6)	2 (0.5)	2 (2.4)	24 (1.4)	1 (1.4)	LGG, BRAF V600E
0 (0)	0 (0)	0 (0)	6 (NR*)	0 (0)	LGG, BRAF V600E, CDKN2A/B
0 (0)	0 (0)	0 (0)	2 (NR*)	0 (0)	LGG, BRAF V600E, other MAPK
0 (0)	1 (3.7)	0 (0)	2 (0.8)	0 (0)	LGG, BRAF/MAPK
0 (0)	0 (0)	0 (0)	2 (NR*)	0 (0)	LGG, CDKN2A/B
1 (0.6)	2 (1.1)	1 (2.3)	11 (1.1)	0 (0)	LGG, FGFR
0 (0)	0 (0)	0 (0)	1 (NR)	0 (0)	LGG, FGFR, NF1–germline
0 (0)	0 (0)	0 (0)	1 (NR)	0 (0)	LGG, FGFR, NF1–somatic
0 (0)	0 (0)	0 (0)	5 (NR*)	0 (0)	LGG, IDH
23 (1.9)	21 (1.2)	3 (0.5)	109 (0.7)	5 (1.7)	LGG, KIAA1549–BRAF
0 (0)	0 (0)	0 (0)	1 (NR)	0 (0)	LGG, KIAA1549–BRAF, BRAF V600E
0 (0)	0 (0)	0 (0)	1 (NR)	0 (0)	LGG, KIAA1549–BRAF, CDKN2A/B
0 (0)	1 (3.7)	0 (0)	2 (0.8)	0 (0)	LGG, KIAA1549–BRAF, other MAPK
1 (1.7)	2 (3.8)	0 (0)	3 (0.4)	0 (0)	LGG, KIAA1549–BRAF, RTK
1 (8.4)	1 (7.4)	0 (0)	0 (0)	0 (0)	LGG, MAPK
0 (0)	1 (2.5)	0 (0)	3 (1.2)	0 (0)	LGG, MYB/MYBL1
0 (0)	0 (0)	0 (0)	4 (NR*)	0 (0)	LGG, NF1–germline
0 (0)	0 (0)	0 (0)	1 (NR)	0 (0)	LGG, NF1–germline, BRAF V600E
0 (0)	0 (0)	0 (0)	1 (NR)	0 (0)	LGG, NF1–germline, CDKN2A/B
0 (0)	0 (0)	0 (0)	1 (NR)	0 (0)	LGG, NF1–germline, FGFR
0 (0)	0 (0)	0 (0)	1 (NR)	0 (0)	LGG, NF1–germline, other MAPK
0 (0)	0 (0)	0 (0)	1 (NR)	0 (0)	LGG, NF1–germline, RTK, FGFR
1 (2.8)	1 (2.5)	0 (0)	2 (0.4)	0 (0)	LGG, NF1–somatic
0 (0)	0 (0)	0 (0)	3 (NR*)	0 (0)	LGG, NF1–somatic, FGFR
0 (0)	0 (0)	0 (0)	3 (NR*)	0 (0)	LGG, NF1–somatic, NF1–germline
0 (0)	0 (0)	0 (0)	2 (NR*)	0 (0)	LGG, NF1–somatic, NF1–germline, FGFR
2 (0.8)	1 (0.3)	0 (0)	18 (1.8)	1 (2.1)	LGG, other MAPK
0 (0)	0 (0)	0 (0)	1 (NR)	0 (0)	LGG, other MAPK, CDKN2A/B
1 (1.4)	0 (0)	0 (0)	6 (2.4)	0 (0)	LGG, RTK
0 (0)	1 (NR)	0 (0)	0 (0)	0 (0)	LGG, RTK, BRAF V600E
0 (0)	2 (NR*)	0 (0)	0 (0)	0 (0)	LGG, RTK, CDKN2A/B
1 (0.2)	4 (0.7)	3 (2.7)	35 (1.6)	1 (1)	LGG, To be classified
6 (2.1)	4 (1.1)	2 (2.3)	19 (0.5)	1 (1.4)	LGG, wildtype
0 (0)	0 (0)	0 (0)	1 (NR)	0 (0)	SEGA, RTK
2 (5.7*)	2 (5*)	0 (0)	1 (0.1)	0 (0)	SEGA, To be classified
0 (0)	0 (0)	1 (16.3)	2 (0.8)	0 (0)	SEGA, wildtype
AFR	AMR	EAS	EUR	SAS	