Базовые модели машинного обучения: кластеризация

Гирдюк Дмитрий Викторович Першин Антон Юрьевич, Ph.D. Никольская Анастасия Николаевна

Программа «Большие данные и распределенная цифровая платформа» Санкт-Петербургский государственный университет

Практика по дисциплине «Технологии ИИ» 29 апреля 2023 г.

Обучение без учителя

- → Обучение без учителя (unsupervised learning) это тип машинного обучения, который ищет ранее необнаруженные закономерности в наборе данных без ранее существовавших меток и с минимальным или полностью отсутствующим контролем человека.
- ightarrow 3адача обучения без учителя покрывает не только кластеризацию, но и
 - о поиск ассоциативных правил
 - о заполнение пропущенных значений
 - поиск аномалий
 - о сокращение размерности и визуализация данных

Постановка задачи кластеризации

- → Кластерный анализ или кластеризация это задача группировки набора объектов таким образом, чтобы объекты в одной группе (называемой кластером) были более похожи (в некотором смысле) друг на друга, чем на объекты в других группах (кластерах).
- ightarrow Проще говоря, имеем
 - \circ Пространство объектов $X=\{x_i\}_{i=1}^n, x_i \in \mathbb{R}^m$ и выборку из него \widehat{X}
 - \circ Мера расстояния между объектами $ho: X imes X o R^+$

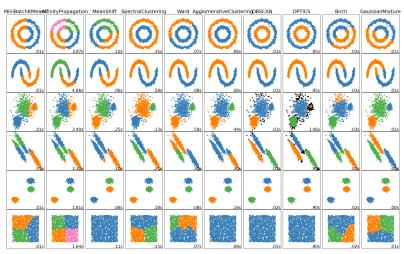
Хотим получить

- \circ Множество групп/кластеров $Y=\{y_i\}_{i=1}^n, y_i\in\mathbb{N}$
- \circ Алгоритм кластеризации lpha:X o Y

Приложения

- \rightarrow Разделение на группы с целью упрощения работы (отдельные модели для каждой группы).
- \rightarrow Сокращение объемов наблюдений и сжатие данных (например, квантизация нейронных сетей).
- \rightarrow Выделение новизны/аномалий.
- → Построение иерархии/таксономии объектов.

Примеры кластеризации



Источник изображения

Классификация алгоритмов

В большинстве источников выделяют пять групп алгоритмов

- → *Основанные на центроидах* (centroid based): **k-means**, k-modes, k-medoids, **Meanshift**, FCM, Affiniy propagation.
- → Иерархические (hierarchical): агломеративные (Ward, single/average/complete linkage), BIRCH, на основе теории графов (выделение связных компонент и минимальное остовное дерево), Spectral Clustering, CURE, ROCK, Chameleon, Echidna, SNN, CACTUS, GRIDCLUST.
- ightarrow Ochoванные на плотности (density based): **DBSCAN**, OPTICS, DBCLASD, GDBSCAN, DENCLU, SUBCLU.
- → Сеточные (grid based): STING, Wave cluster, BANG, CLIQUE, OptiGrid, MAFIA, ENCLUS, PROCLUS, ORCLUS, FC, STIRR.
- → Основанные на модели данных (model based): **Expectation Maximization** (EM), COBWEB, CLASSIT, SOM.

k-means

- → Алгоритм k-means один из самых простых и популярных алгоритмов кластеризации, заключающийся в поиске заранее заданного числа кластеров путем минимизации суммы квадратов внутрикластерных расстояний между точками кластеров и соответствующих им центроидами.
- → Получаемая оптимизационная задача вычислительно трудна (NP-сложная), однако разработано достаточно много эвристических алгоритмов, позволяющих достаточно быстро отыскать локальный минимум.

Формальное определение

- ightarrow Пусть $S = \{S_1, S_2, \dots, S_k\}$ есть разбиение выборки на k непересекающихся множеств.
- ightarrow Тогда задача минимизации суммы квадратов внутрикластерных расстояний может быть записана следующим образом

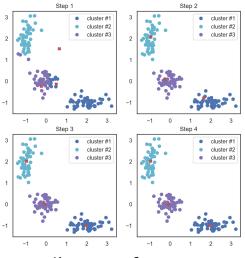
$$\arg\min_{S} \sum_{i=1}^k \sum_{x \in \mathcal{S}_i} ||x - \mu_i||^2 = \arg\min_{S} \sum_{i=1}^k |S_i| \operatorname{Var} S_i,$$

$$\mu_i = \frac{1}{|S_i|} \sum_{x \in \mathcal{S}_i} x$$

k-means: описание алгоритма Ллойда

- 1. Зафиксировав число кластеров, произвольным образом инициализируем k центроид. Это могут быть наблюдения из выборки, произвольные точки в пространстве данных или что-нибудь более умное, вроде использования эмпирической плотности распределения данных (k-means++).
- 2. Относим каждое наблюдение к кластеру, чей центроид (центр тяжести) находится к наблюдению ближе всего.
- 3. Обновляем центроиды с учетом всех входящих в каждый кластер наблюдений.
- 4. Повторяем шаги 2 и 3 фиксированное количество раз или до тех пор, пока все центроиды не стабилизируются (т.е. изменяются по норме не больше заранее заданного ε).

k-means: пример



Источник изображения

k-means: алгоритм Ллойда

Algorithm 1: k-means

input : Выборка $X=\{x_1,\ldots,x_n\}$, количество кластеров k и ε Произвольным образом инициализируем k центроид μ_i while True do

Относим наблюдения к ближайшим центроидам:

$$S_i := \{x_p : ||x_p - \mu_i||^2 \leqslant ||x_p - \mu_j||^2, 1 \leqslant j \leqslant k\}$$

Обновляем центроиды:

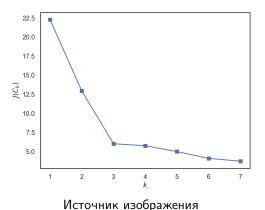
$$\mu_i = \frac{1}{|S_i|} \sum_{x \in S_i} x$$

k-means: обсуждение

- ightarrow Отличное базовое решение.
- ightarrow Алгоритм метрический, потому либо нормализуем данные, либо определяем специальную метрику.
- ightarrow Алгоритм прост и понятен, имеет большое количество всевозможных обобщений (k-medians, k-medoids, k-means++ и т.д.).
- → Не гарантируется достижение глобального минимума суммарного квадратичного отклонения, а только одного из локальных минимумов. Кроме того, полученные кластеры зачастую стремятся иметь сферическую форму ввиду вида целевой функции.
- → Результат зависит от выбора исходных центров кластеров, их оптимальный выбор неизвестен. Чаще всего алгоритм запускают несколько раз и выбирают то разбиение, которое показало наименьшее значение целевой функции.

k-means: эвристика выбора числа кластеров

 \rightarrow Число кластеров необходимо задавать заранее. На практике производят разбиения для различных значений k, строят график значений целевой функции и ищут такое значение k, после которого значение целевой функции перестает сильно изменяться (так называемый «метод локтя»).



k-means: sklearn

- \rightarrow k-means реализован в sklearn'e.
- \rightarrow Кроме числа кластеров n_clusters основными гиперпараметрами являются:
 - init. Метод инициализации центроид. k-means++
 (стандартный), рандомный и определенный пользователем.
 - n_init. Количество запусков алгоритма (было описано ранее на слайдах).
 - algorithm. Алгоритм Ллойда или Элкана. Второй является модификацией алгоритма Ллойда: ускорение работы путем исключения некоторого числа вычислений расстояний за счет использования неравенства треугольника.

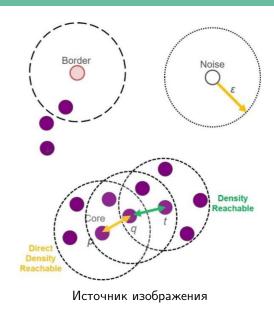
DBSCAN

- → Density-Based Spatial Clustering of Appliations with Noise (DBSCAN) – алгоритм кластеризации, основанный на плотности точек, изначально разработанный с целью кластеризации в базах данных, содержащих геометрические представления наблюдений.
- → Основными преимуществами алгоритма авторы выделили минимальную необходимость понимания предметной области данных при подборе гиперпараметров метода, а также способность обнаруживать кластеры произвольной формы.
- ightarrow Алгоритм достаточно прост, наряду с k-means один из самых популярных.

DBSCAN: описание алгоритма

- ightarrow Алгоритм имеет 2 гиперпараметра: величина окрестности точки arepsilon и минимальное количество наблюдений в окрестности MinPts
- ightarrow При кластеризации точка может быть причислена к одному из 3 типов:
 - \circ корневая: в ее ε -окрестности не менее MinPts точек
 - \circ граничная: в ее ε -окрестности меньше MinPts точек, но среди них есть как минимум одна корневая
 - о шумовая: не корневая и не граничная

DBSCAN: иллюстрация типов наблюдений



DBSCAN: алгоритм

Algorithm 2: DBASCAN

```
input : Выборка X = \{x_1, \dots, x_n\}, параметры \varepsilon и MinPts
U = X, K = \emptyset, a = 0, a_1, \dots, a_n = -1;
while U \neq \emptyset do
    Взять x \in U:
    if |U_{\varepsilon}(x)| < MinPts then
         Пометить x как потенциально шумовую точку;
    else
         K = U_{\varepsilon}(x), a = a + 1;
         for x' \in K do
              if |U_{\varepsilon}(x')| \geq MinPts then
                 K = K \cup U_{\varepsilon}(x');
              else
                   пометить x' как граничную точку кластера K;
         foreach x_i \in K do a_i = a;
         U = U \setminus K:
```

DBSCAN: Подбор гиперпараметров

- \rightarrow Общая идея состоит в построении графика, по ординате у которого расстояние до *MinPts*-го соседа, а по абсциссе точки, отсортированные в порядке увеличения этого расстояния.
- ightarrow Существенный скачок в значении идентифицирует выбросы, посему задавая некоторый процент на их число можно определить arepsilon.
- \rightarrow Обычно строят несколько таких графиков для различных значений *MinPts*.
- ightarrow В некоторых источниках значение MinPts предлагают выбирать равным $\dim X + 1$, Где-то встречается $2*\dim X$

DBSCAN: sklearn

- ightarrow Есть реализация в sklearn'e. Кроме того, там же представлена модификация алгоритма под названием OPTICS, фактически отличающаяся от него тем, что задает интервал для значений arepsilon, что позволяет выделять кластеры с различными плотностями.
- \rightarrow Основные гиперпараметры:
 - \circ eps и min samples. ε и MinPts соответственно.
 - algorithm. Способ поиска соседей: брутфорс, ball-дерево, KD-дерево, и автоматический подбор подходящего с учетом обучающей выборки (дефолтное).
 - ∘ leaf_size. Максимальный размер листа в дереве, если выбрано ball/KD-дерево.
 - \circ metric и p. Метрику можно как реализовать самостоятельно, так и использовать из имеющегося: Минковского (p ее параметр) и ее частные случаи (Чебышева и Манхэттенская).