

ATGCATGGAGATACACCTACATTGCATGAATATATGTTAGATTTTGCAACCAGAGACAACCTGATCTCTACTGTTATGAGCAATTAAATGACAGCTCAGAGGAGGAGGATGAAATAGATGGTCCAGCTGGACAAGCAGAACC

0 15 30 45 60 75 90 105 120 135

GGACAGAGCCCATTACAATATTGTAAACCTTTTGTGCAAGTGTGACTCTACGCTTCGGTTGTGCGTACAAAGCACACACGTAGACATTCGTACTTTTGGGAAGACCTGTTAATGGGCACACTAGGAATTGTGTGCCCCATCT

150 165 180 195 210 225 240 255 270

GTTCTCAGAAACCATAA

285