

CURSO INTERNACIONAL

Secuenciación y Análisis de Datos Genómicos para la Detección Microbiológica de Enfermedades transmitidas por Alimentos y Aguas









DIAGNÓSTICO DE FIEBRE Q EN UNA HACIENDA LECHERA DE LA SIERRA ECUATORIANA

Ecuador

Mónica Salomé Guerrero Freire

Caracas, Noviembre 2023

Gente, Ciencia y Tecnología al Servicio de la Salud



Ingeniera en biotecnología, Universidad de las Américas.

Candidata a doctorado en Ciencias Veterinarias, Universidad de Buenos Aires.



Habilidades:

- Biología molecular
- Inmunodiagnóstico
- Bioinformática
- Microbiología

Áreas de experiencia:

- Paratuberculosis
- Mastitis: Prototheca spp.
- Identificación de micobacterias atípicas.
- Tuberculosis bovina.
- Fiebre Q.
- Genética animal: leche A2, kappa-caseína.





(UDLA, 2011)



El brote inicia en 2005, con tasas de aborto superiores al 60% en algunas granjas. (Roest et al., 2011)

Diagnóstico de fiebre Q en 2 granjas de cabras lecheras.

2005

2007

Primeros casos en humanos

Entre 2007 a 2010

Reporte de 4000 casos en humanos

Fiebre Q





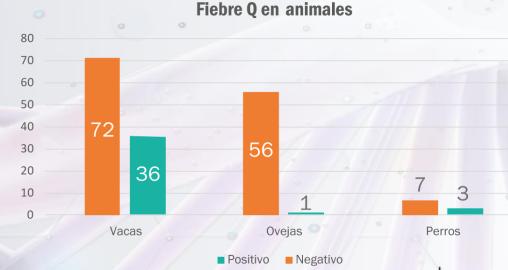


Fiebre Q en humanos 10 Man ■ Positivo ■ Negativo

Estudio sobre aborto en vacas:

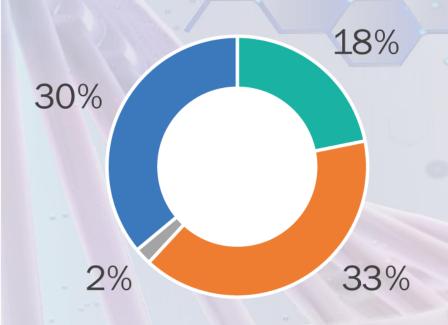
Existe relación de la seropositividad para fiebre Q por ELISA y el aborto (análisis chi cuadrado, p=0,0097).

Se encontró una asociación positiva entre la infección por C. burnetii y el aborto en la hacienda de estudio (Odds Ratio [OR] 2,97; [CI 95% 1.30-6,78]).





Seroprevalecia Fiebre Q en estudio general





Humanos



Vacas



Ovejas



Perros

Aportes del curso para mi investigación

- Ampliación de conocimientos en microbiología.
- Técnicas moleculares avanzadas.
- Bioinformática y análisis genómico.
- Detección temprana y seguimiento de brotes.
- Capacidad para diseñar estrategias de control y prevención más efectivas.
- Integración de técnicas complementarias.
- Colaboración e intercambio de experiencias.

