

# TD 4

Aude Tavenard

1. Importer les jeux de données `lab.txt` et `labsupp.txt`.

```
PROC IMPORT OUT= lab
DATAFILE=  "/home/u49948743/SAS2021/lab.txt" DBMS=DLM REPLACE;
    DELIMITER=" ";
    GETNAMES=YES;
    DATAROW=2;
RUN;

PROC IMPORT OUT= labsupp
DATAFILE=  "/home/u49948743/SAS2021/labsupp.txt" DBMS=DLM REPLACE;
    DELIMITER=" ";
    GETNAMES=YES;
    DATAROW=2;
RUN;
```

2. Observer la structure ainsi que le contenu des jeux de données. A votre avis, à quoi correspond la variable `AVAL` ?

`AVAL` reporte la valeur de chaque paramètre.

3. Trouver le patient qui est présent dans le jeu de données `lab` mais absent de `labsupp`.

```
proc sort data=lab; by patient; run;
proc sort data=labsupp; by patient; run;
data one;
    merge lab(in=a) labsupp(in=b);
    by patient;
    if a and not b;
run;
```

4. Après avoir observé la structure des jeux de données, fusionnez les de manière pertinente.

```
data laball;
    set lab labsupp;
run;
```

5. Créer la variable AVALUNIT qui réunit les deux colonnes AVAL et UNIT.

```
data laball;  
  set laball;  
  avalunit=cat(aval," ",unit);  
run;
```

6. Faire un tableau croisé reportant les différents paramètres de laboratoire (PARAM) par groupe (GROUP) en incluant les statistiques descriptives : moyenne, écart type, minimum et maximum.

```
proc tabulate data=laball;  
  class param group;  
  var aval;  
  table param, group*aval*(mean std min max);  
run;
```

7. Faire des boîtes à moustache reportant pour chaque paramètre (PARAM) la distribution des valeurs par groupe (GROUP).

```
proc sort data=laball; by group param; run;  
proc boxplot data=laball;  
  plot aval*param(group);  
run;
```

```
/*OR*/  
proc sgplot data=laball;  
  vbox aval/category=param group=group;  
run;
```