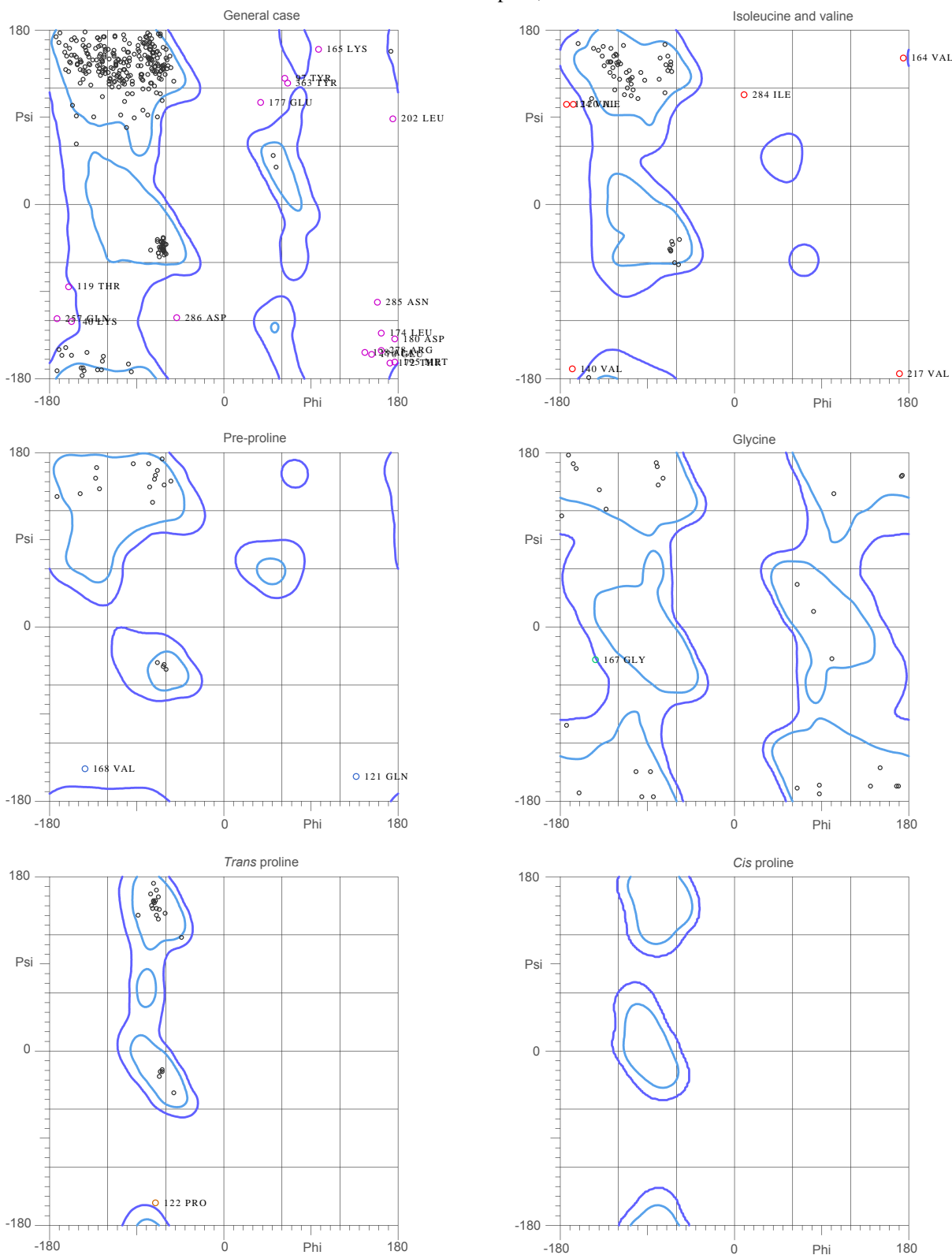


# MolProbity Ramachandran analysis

1ad3A.B99990038.pdb, model 1



86.7% (102/122) of all residues were in favored (FF) regions.  
10.7% (13/122) of all residues were in allowed (AA) regions.

Below are 27 outliers (Phi, Psi):  
 165 LYS (165.0, 171.0)  
 166 TYR (166.0, 171.0)  
 167 TYR (167.0, 171.0)  
 168 VAL (168.0, 171.0)  
 169 VAL (169.0, 171.0)  
 170 VAL (170.0, 171.0)  
 171 VAL (171.0, 171.0)  
 172 VAL (172.0, 171.0)  
 173 VAL (173.0, 171.0)  
 174 VAL (174.0, 171.0)  
 175 VAL (175.0, 171.0)  
 176 VAL (176.0, 171.0)  
 177 VAL (177.0, 171.0)  
 178 VAL (178.0, 171.0)  
 179 VAL (179.0, 171.0)  
 180 VAL (180.0, 171.0)  
 181 VAL (181.0, 171.0)  
 182 VAL (182.0, 171.0)  
 183 VAL (183.0, 171.0)  
 184 VAL (184.0, 171.0)  
 185 VAL (185.0, 171.0)  
 186 VAL (186.0, 171.0)  
 187 VAL (187.0, 171.0)  
 188 VAL (188.0, 171.0)  
 189 VAL (189.0, 171.0)  
 190 VAL (190.0, 171.0)  
 191 VAL (191.0, 171.0)  
 192 VAL (192.0, 171.0)  
 193 VAL (193.0, 171.0)  
 194 VAL (194.0, 171.0)  
 195 VAL (195.0, 171.0)  
 196 VAL (196.0, 171.0)  
 197 VAL (197.0, 171.0)  
 198 VAL (198.0, 171.0)  
 199 VAL (199.0, 171.0)  
 200 VAL (200.0, 171.0)  
 201 VAL (201.0, 171.0)  
 202 VAL (202.0, 171.0)  
 203 VAL (203.0, 171.0)  
 204 VAL (204.0, 171.0)  
 205 VAL (205.0, 171.0)  
 206 VAL (206.0, 171.0)  
 207 VAL (207.0, 171.0)  
 208 VAL (208.0, 171.0)  
 209 VAL (209.0, 171.0)  
 210 VAL (210.0, 171.0)  
 211 VAL (211.0, 171.0)  
 212 VAL (212.0, 171.0)  
 213 VAL (213.0, 171.0)  
 214 VAL (214.0, 171.0)  
 215 VAL (215.0, 171.0)  
 216 VAL (216.0, 171.0)  
 217 VAL (217.0, 171.0)  
 218 VAL (218.0, 171.0)  
 219 VAL (219.0, 171.0)  
 220 VAL (220.0, 171.0)  
 221 VAL (221.0, 171.0)  
 222 VAL (222.0, 171.0)  
 223 VAL (223.0, 171.0)  
 224 VAL (224.0, 171.0)  
 225 VAL (225.0, 171.0)  
 226 VAL (226.0, 171.0)  
 227 VAL (227.0, 171.0)  
 228 VAL (228.0, 171.0)  
 229 VAL (229.0, 171.0)  
 230 VAL (230.0, 171.0)  
 231 VAL (231.0, 171.0)  
 232 VAL (232.0, 171.0)  
 233 VAL (233.0, 171.0)  
 234 VAL (234.0, 171.0)  
 235 VAL (235.0, 171.0)  
 236 VAL (236.0, 171.0)  
 237 VAL (237.0, 171.0)  
 238 VAL (238.0, 171.0)  
 239 VAL (239.0, 171.0)  
 240 VAL (240.0, 171.0)  
 241 VAL (241.0, 171.0)  
 242 VAL (242.0, 171.0)  
 243 VAL (243.0, 171.0)  
 244 VAL (244.0, 171.0)  
 245 VAL (245.0, 171.0)  
 246 VAL (246.0, 171.0)  
 247 VAL (247.0, 171.0)  
 248 VAL (248.0, 171.0)  
 249 VAL (249.0, 171.0)  
 250 VAL (250.0, 171.0)  
 251 VAL (251.0, 171.0)  
 252 VAL (252.0, 171.0)  
 253 VAL (253.0, 171.0)  
 254 VAL (254.0, 171.0)  
 255 VAL (255.0, 171.0)  
 256 VAL (256.0, 171.0)  
 257 VAL (257.0, 171.0)  
 258 VAL (258.0, 171.0)  
 259 VAL (259.0, 171.0)  
 260 VAL (260.0, 171.0)  
 261 VAL (261.0, 171.0)  
 262 VAL (262.0, 171.0)  
 263 VAL (263.0, 171.0)  
 264 VAL (264.0, 171.0)  
 265 VAL (265.0, 171.0)  
 266 VAL (266.0, 171.0)  
 267 VAL (267.0, 171.0)  
 268 VAL (268.0, 171.0)  
 269 VAL (269.0, 171.0)  
 270 VAL (270.0, 171.0)  
 271 VAL (271.0, 171.0)  
 272 VAL (272.0, 171.0)  
 273 VAL (273.0, 171.0)  
 274 VAL (274.0, 171.0)  
 275 VAL (275.0, 171.0)  
 276 VAL (276.0, 171.0)  
 277 VAL (277.0, 171.0)  
 278 VAL (278.0, 171.0)  
 279 VAL (279.0, 171.0)  
 280 VAL (280.0, 171.0)  
 281 VAL (281.0, 171.0)  
 282 VAL (282.0, 171.0)  
 283 VAL (283.0, 171.0)  
 284 VAL (284.0, 171.0)  
 285 VAL (285.0, 171.0)  
 286 VAL (286.0, 171.0)  
 287 VAL (287.0, 171.0)  
 288 VAL (288.0, 171.0)  
 289 VAL (289.0, 171.0)  
 290 VAL (290.0, 171.0)  
 291 VAL (291.0, 171.0)  
 292 VAL (292.0, 171.0)  
 293 VAL (293.0, 171.0)  
 294 VAL (294.0, 171.0)  
 295 VAL (295.0, 171.0)  
 296 VAL (296.0, 171.0)  
 297 VAL (297.0, 171.0)  
 298 VAL (298.0, 171.0)  
 299 VAL (299.0, 171.0)  
 300 VAL (300.0, 171.0)