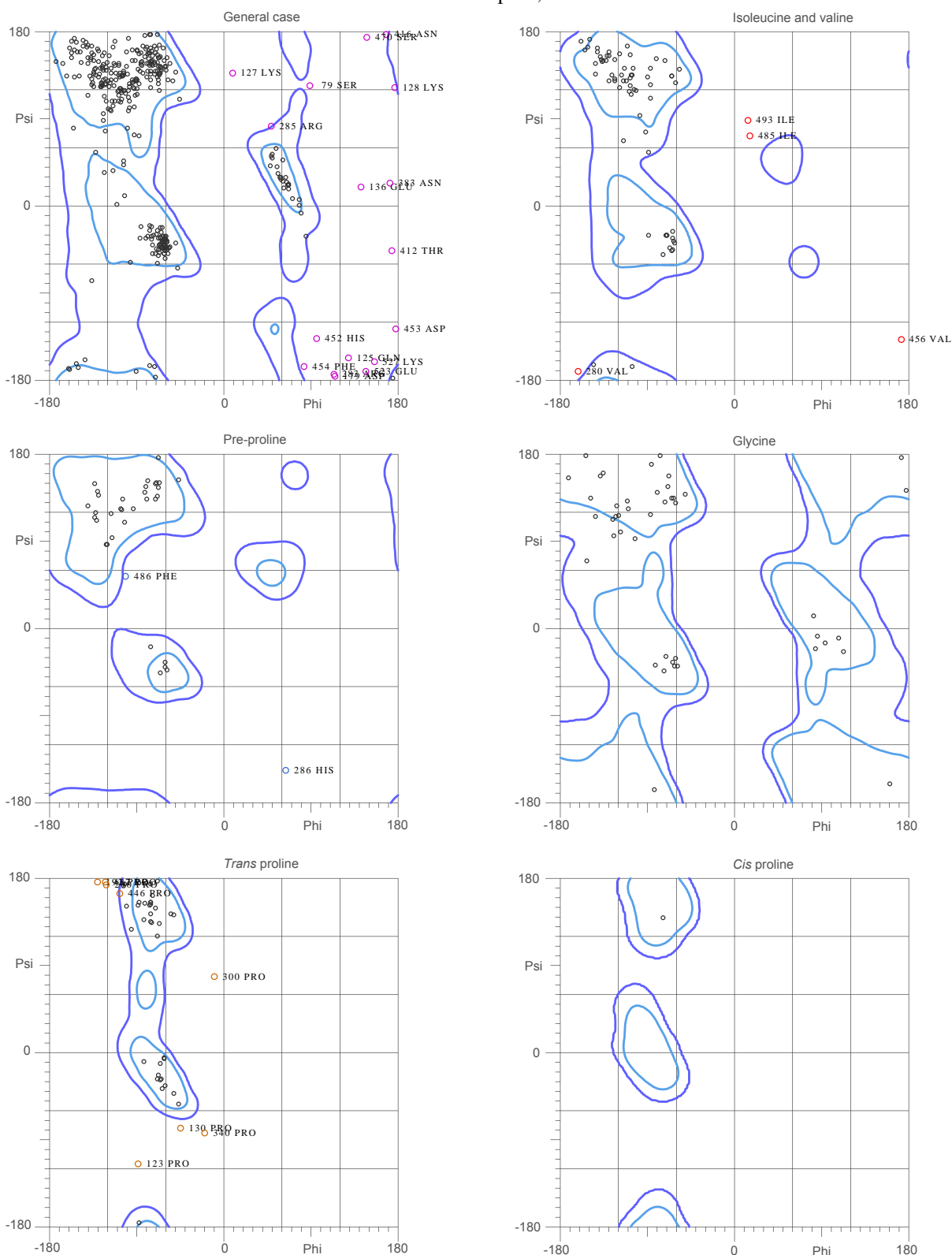


MolProbity Ramachandran analysis

1aozA.B99990003.pdb, model 1



86.7% (177/203) of all residues were in favored (98%) regions.
10.9% (22/203) of all residues were in allowed (100%) regions.

Residue (chain ID, residue number)

100 ASP (A, 100)
101 ASP (A, 101)
102 ASP (A, 102)
103 ASP (A, 103)
104 ASP (A, 104)
105 ASP (A, 105)
106 ASP (A, 106)
107 ASP (A, 107)
108 ASP (A, 108)
109 ASP (A, 109)
110 ASP (A, 110)
111 ASP (A, 111)
112 ASP (A, 112)
113 ASP (A, 113)
114 ASP (A, 114)
115 ASP (A, 115)
116 ASP (A, 116)
117 ASP (A, 117)
118 ASP (A, 118)
119 ASP (A, 119)
120 ASP (A, 120)
121 ASP (A, 121)
122 ASP (A, 122)
123 ASP (A, 123)
124 ASP (A, 124)
125 ASP (A, 125)
126 ASP (A, 126)
127 ASP (A, 127)
128 ASP (A, 128)
129 ASP (A, 129)
130 ASP (A, 130)
131 ASP (A, 131)
132 ASP (A, 132)
133 ASP (A, 133)
134 ASP (A, 134)
135 ASP (A, 135)
136 ASP (A, 136)
137 ASP (A, 137)
138 ASP (A, 138)
139 ASP (A, 139)
140 ASP (A, 140)
141 ASP (A, 141)
142 ASP (A, 142)
143 ASP (A, 143)
144 ASP (A, 144)
145 ASP (A, 145)
146 ASP (A, 146)
147 ASP (A, 147)
148 ASP (A, 148)
149 ASP (A, 149)
150 ASP (A, 150)
151 ASP (A, 151)
152 ASP (A, 152)
153 ASP (A, 153)
154 ASP (A, 154)
155 ASP (A, 155)
156 ASP (A, 156)
157 ASP (A, 157)
158 ASP (A, 158)
159 ASP (A, 159)
160 ASP (A, 160)
161 ASP (A, 161)
162 ASP (A, 162)
163 ASP (A, 163)
164 ASP (A, 164)
165 ASP (A, 165)
166 ASP (A, 166)
167 ASP (A, 167)
168 ASP (A, 168)
169 ASP (A, 169)
170 ASP (A, 170)
171 ASP (A, 171)
172 ASP (A, 172)
173 ASP (A, 173)
174 ASP (A, 174)
175 ASP (A, 175)
176 ASP (A, 176)
177 ASP (A, 177)
178 ASP (A, 178)
179 ASP (A, 179)
180 ASP (A, 180)
181 ASP (A, 181)
182 ASP (A, 182)
183 ASP (A, 183)
184 ASP (A, 184)
185 ASP (A, 185)
186 ASP (A, 186)
187 ASP (A, 187)
188 ASP (A, 188)
189 ASP (A, 189)
190 ASP (A, 190)
191 ASP (A, 191)
192 ASP (A, 192)
193 ASP (A, 193)
194 ASP (A, 194)
195 ASP (A, 195)
196 ASP (A, 196)
197 ASP (A, 197)
198 ASP (A, 198)
199 ASP (A, 199)
200 ASP (A, 200)
201 ASP (A, 201)
202 ASP (A, 202)
203 ASP (A, 203)