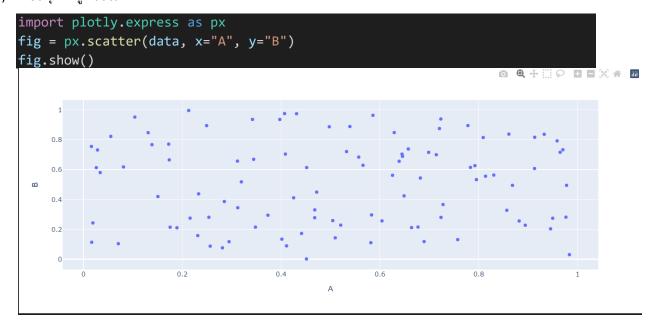
เริ่มต้นด้วยการ import

```
import numpy as np
import matplotlib.pyplot as plt
from sklearn import cluster
import pandas as pd
from scipy.cluster.hierarchy import dendrogram, linkage
from scipy.spatial import distance_matrix
```

```
data = pd.read_csv("data/data2Dset3.csv",header=None)
data.columns = ["A","B"]
data.head()

A
B
0 0.028405 0.731484
1 0.471940 0.449512
2 0.970259 0.732859
3 0.070531 0.104092
4 0.539139 0.888368
```

2) Plot จุดข้อมูล data1



3) Data2Dset3 เริ่มด้วยการเขียนโปรแกรม plot จุดข้อมูลโดยใช้วิธี kmeans

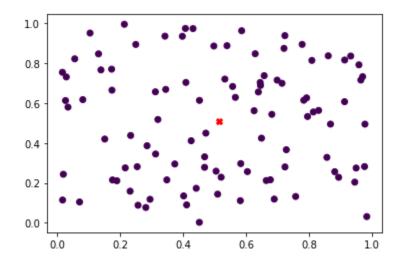
K=1

```
model_kmeans.fit(data)
data1['cluster_id'] = model_kmeans.labels_
centroids = model_kmeans.cluster_centers_
print(centroids)
```

[[0.51374147 0.51161133]]

```
plt.scatter(data['A'],data['B'], c=data1['cluster_id'])
plt.scatter(centroids[:,0],centroids[:,1],marker='X',c='r')
plt.show()
```

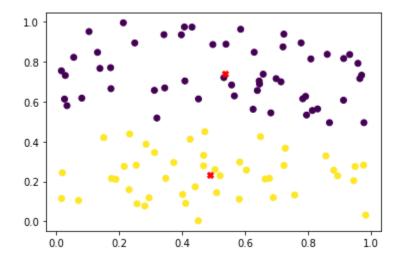
ผลลัพธ์ K=1



K=2

```
plt.scatter(data['A'],data['B'], c=data['cluster_id'])
plt.scatter(centroids[:,0],centroids[:,1],marker='X',c='r')
plt.show()
```

ผลลัพธ์ K=2



K=3

```
model_kmeans = cluster.KMeans(n_clusters=3, max_iter=50, random_state=1)
model_kmeans.fit(data)
data['cluster_id'] = model_kmeans.labels_
centroids = model_kmeans.cluster_centers_
print(centroids)

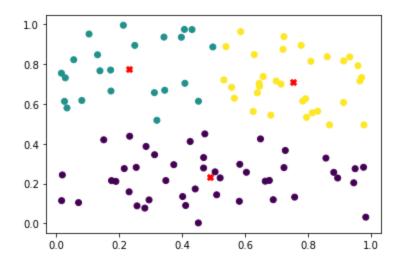
[[4.87167648e-01 2.33232575e-01 1.000000000e+00]

[2.31849764e-01 7.77406137e-01 1.11022302e-16]

[7.53720560e-01 7.12041439e-01 2.77555756e-16]]

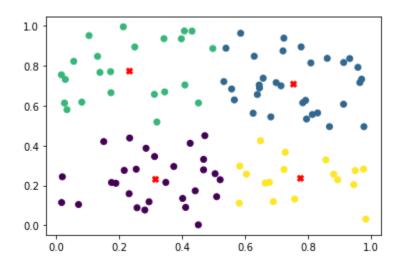
plt.scatter(data['A'],data['B'], c=data['cluster_id'])
plt.scatter(centroids[:,0],centroids[:,1],marker='X',c='r')
plt.show()
```

ผลลัพธ์ K=3



K=4

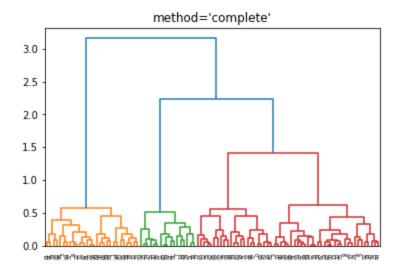
ผลลัพธ์K=4



จากผลลัพธ์สรุปได้ว่า K=4 ดีที่สุดสำหรับ Data2Dset2 เพราะข้อมูลจะดูละเอียดอ่อนมากขึ้นถ้าเทียบกับKอื่นๆ ตัว ข้อมูลจะถูกแบ่งเป็น 4กลุ่มใหญ่ๆอย่างเห็นได้ชัด

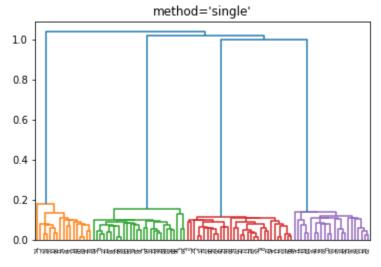
4) เขียนโปแกรมจัดกลุ่มชุดข้อมูลที่อ่านเข้ามา โดยใช้วิชี Hierarchical Clustering
 4.1) ให้เลือกใช้method ที่ต่างกัน 3 แบบ แสดง dendrogram ที่ได้แต่ละแบบ
 Complete:

```
linkage_data = linkage(data, method='complete' , metric='euclidean')
dendrogram(linkage_data)
plt.title("method='complete'")
plt.show()
```



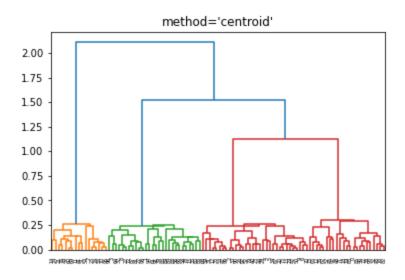
Single:

```
linkage_data = linkage(data, method='single' , metric='euclidean')
dendrogram(linkage_data)
plt.title("method='single'")
plt.show()
```



Centroid:

```
linkage_data = linkage(data, method='centroid' , metric='euclidean')
dendrogram(linkage_data)
plt.title("method='centroid'")
plt.show()
```



4.2) เลือก cut-off โดยกำหนด criterion='distance' และให้นักศึกษาเลือกระบุค่า t ที่คิดว่า เหมาะสม สำหรับแต่ ละ dendrogram ที่ได้ในข้อ 4.1)

Complete: ค่า t ที่เหมาะที่สุดคือ 1

```
cluster_id = fcluster(linkage_data,t=1,criterion='distance')
plt.scatter(data["A"],data["B"],c=cluster_id)
plt.show()
```

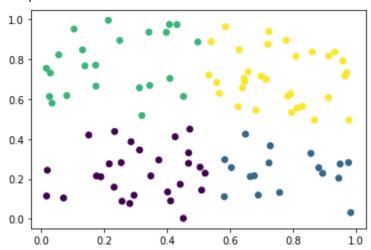
Single: ค่า t ที่เหมาะที่สุดคือ 1

```
cluster_id = fcluster(linkage_data,t=1,criterion='distance')
plt.scatter(data["A"],data["B"],c=cluster_id)
plt.show()
```

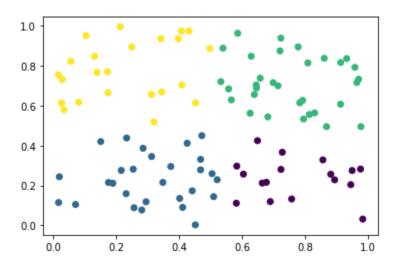
Centroid: ค่า t ที่เหมาะที่สุดคือ 1

```
cluster_id = fcluster(linkage_data,t=1,criterion='distance')
plt.scatter(data["A"],data["B"],c=cluster_id)
plt.show()
```

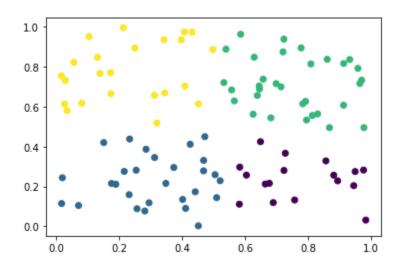
Complete:



Single:



Centroid:



- 6. เขียนบรรยายสรุปผลการทดลอง แสดงความคิดเห็น วิธีใด เหมาะกับ ชุดข้อมูลแบบใหน แต่ละวิธีมีข้อดี/ ข้อเสีย อย่างไร
- Data2DSet2 จากการทดลองพบว่า วิธี Hierarchical Clusterings เพราะจะมีความละเอียดมากกว่าและจาก ข้อมูลเราไม่สามารถแยกข้อมูลด้วยตาเปล่าได้ การใช้ kmeans จึงค่อนข้างยาก