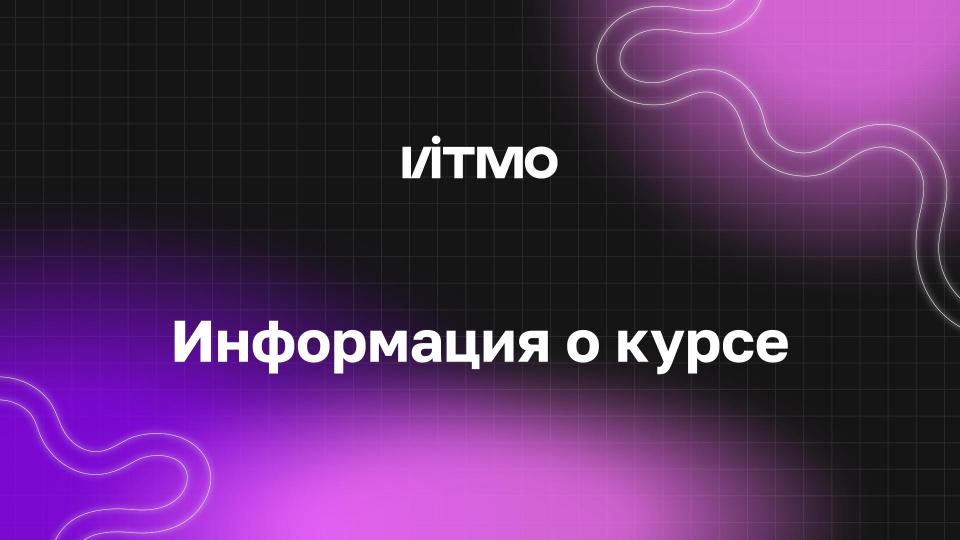
VITMO

Анализ графовых данных и глубокое обучение

Азимов Рустам Высшая школа цифровой культуры



План курса



Познакомиться с методами машинного и глубокого обучения для работы с графовыми данными:



- Построение эмбеддингов для вершин: DeepWalk, Node2Vec
- Графовые нейронные сети (GNN): GCN, GraphSAGE, GAT...
- Анализ графов знаний (Knowledge graphs): TransE, BetaE
- **Генеративные графовые модели**: GraphRNN
- Практическое применение GNN

Пререквизиты



Желательны, но не обязательны знания в следующих областях:



- Машинное и глубокое обучение
- Теория графов и алгоритмы
- Теория вероятностей
- Математическая статистика

Желательные навыки программирования:

- Python
- sklearn, PyTorch

Инструменты



• PyG (PyTorch Geometric)

- PyG
 S
- Самая популярная библиотека для GNN
- <u>GraphGym</u> платформа для проектирования GNN
 - Реализовано множество модулей GNN
 - Упрощенный подбор гиперпараметров
 - Гибкая кастомизация
- NetworkX полезная библиотека для различных манипуляция над графами и сетевого анализа

Полезные ссылки



• GitHub репозиторий курса

- <u>Graph Representation Learning Book</u> Will Hamilton
- CS224W: Machine Learning with Graphs



Оценивание курса



- Практические домашние задания (2-3)
- Теоретические домашние задания (1-2)
- Проект (групповой на 2-3 человека)
- Экзамен (устный)





Правила сдачи заданий

LITMO



Экзамен

VİTMO







Машинное обучение для анализа графов

Почему графы?



Графы - это универсальный язык для описания и анализа сущностей с отношениями/взаимодействиями

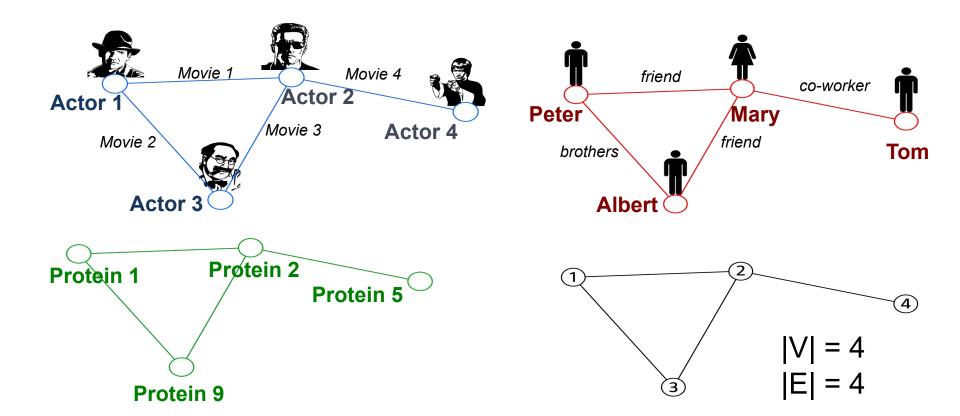




Данные во многих областях естественным образом представляются в виде графов

Графы - универсальный язык



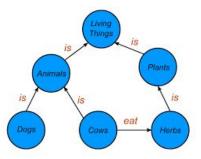


Графы в реальной жизни

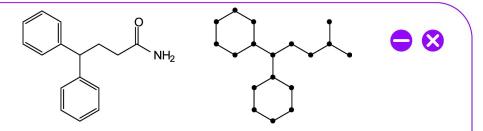
VITMO



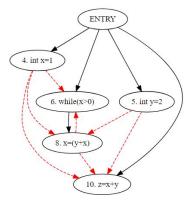
Социальные сети



Графы знаний



Молекулы



Программы

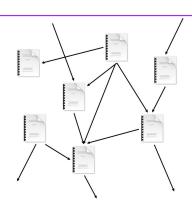
Графы в реальной жизни

VITMO

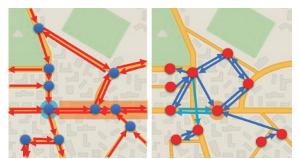


Компьютерные сети





Граф цитирований



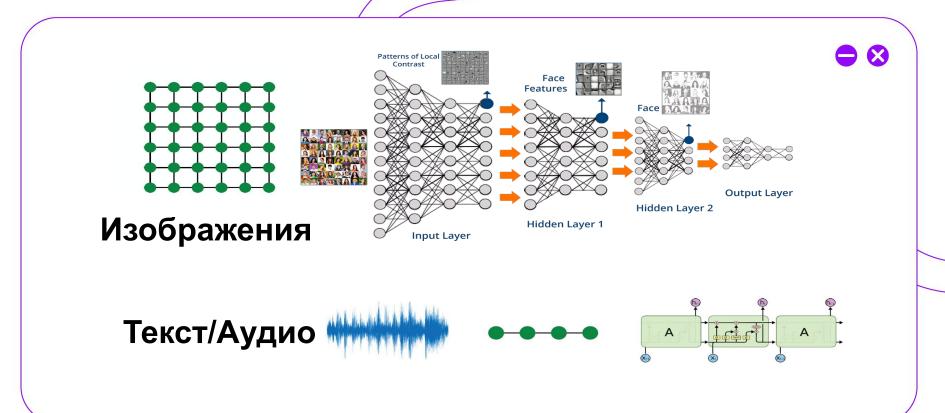
Навигация





Современные ML инструменты





Современные ML инструменты

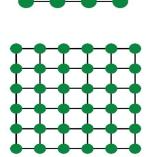


• Инструменты для глубокого обучения изначально спроектированы для анализа лишь подмножества графов



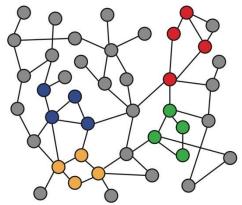


- Последовательности
- Сетки



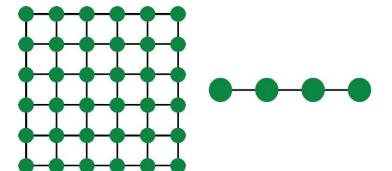
Сложность анализа графов





- Сложная топологическая структура (нет пространственной локальности как в сетках)
- Нету начальной вершины или порядка обхода графа
- Граф часто динамичный
- Вершины могут иметь мультимодальные признаки

VS



Этот курс

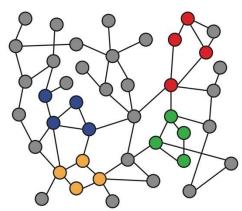


Как мы можем спроектировать нейронные сети намного более общего применения?



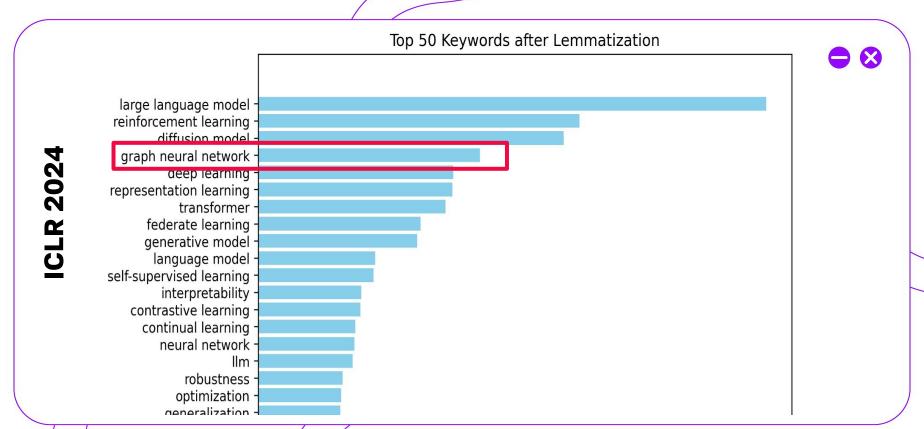


Произвольные графы



Популярность GNN







Геторогенные графы



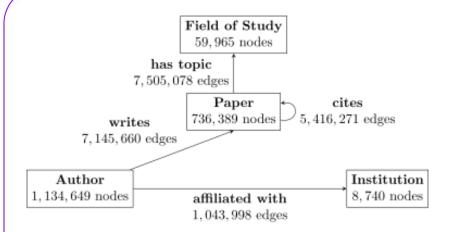
• Во многих областях данные могут быть представлены в виде геторогенного графа G = (V, E, R, T)



- \circ Вершины $v_i \in V$
- \circ Рёбра $(v_i, r, v_j) \in E$
- \circ Типы отношений $r \in R$
- У вершин и рёбер могут быть атрибуты/признаки

Пример гетерогенного графа







- ogbn-mag (Microsoft Academic Graph)
- Типы вершин: author, paper,
 institution и field of study
- Типы рёбер: writes,
 affiliated with, cites и has
 topic





Выбор подходящего представления ИТМО

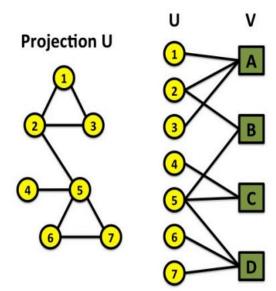
Как построить граф?

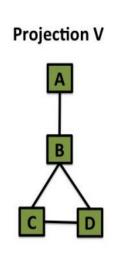
0

- Что сделать вершинами?
- Что сделать рёбрами?
- Направленный vs ненаправленный
- Нужны ли веса на рёбрах?
- Какие типы вершин/рёбер?
- Какие признаки хранятся в вершинах/рёбрах?
- Нужен ли особый вид графа?
- От сделанного выбора зависит природа вопросов, на которые можно будет ответить в результате анализа графа

Двудольные графы







- Примеры двудольных графов
 - Авторы-Статьи
 - Пользователи-Фильмы
 - Покупатели-Товары
- Можно провести дополнительные рёбра и получить новые графы
 - Соавторы
 - Пользователи/покупатели со схожими вкусами



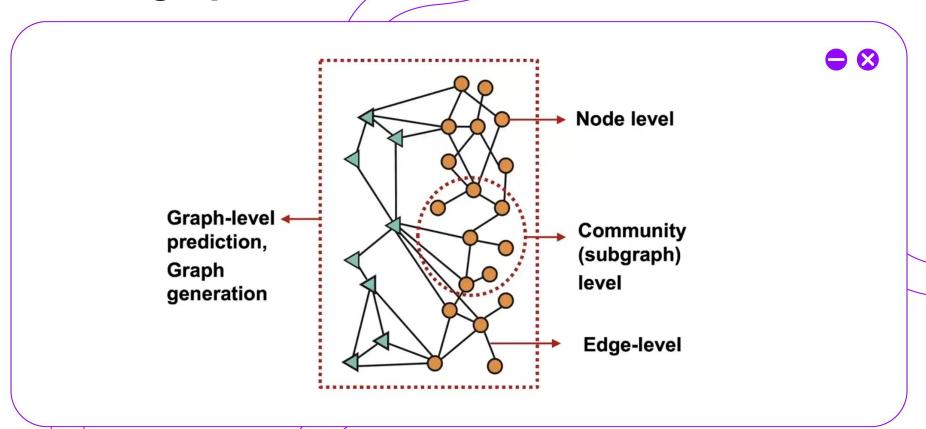


VITMO

Виды задач машинного обучения на графах

Виды graph ml задач

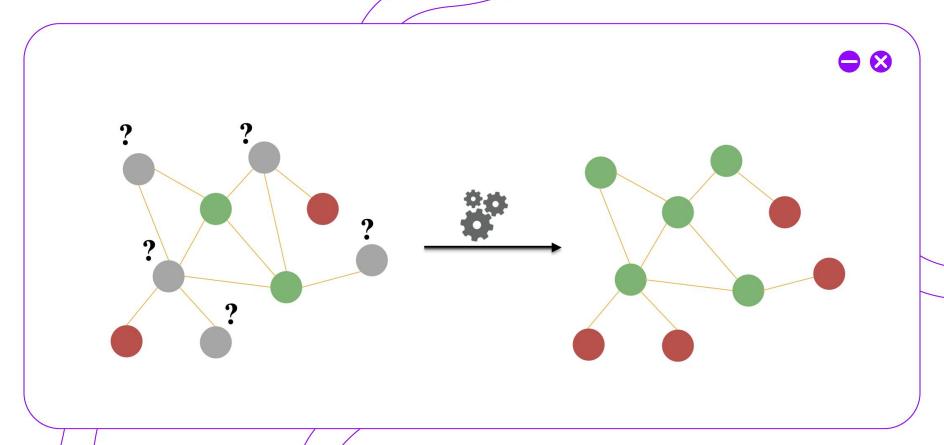






Node classification





Node classification



• Предсказываем признаки отдельных вершин



- Например, категоризация
 - Покупателей
 - о Товаров
 - Транзакций
 - Лекарств

Protein folding

Every protein is made up



 Белки, составленные из аминокислот, под действием магнитных и прочих воздействий сворачиваются в сложные 3D фигуры

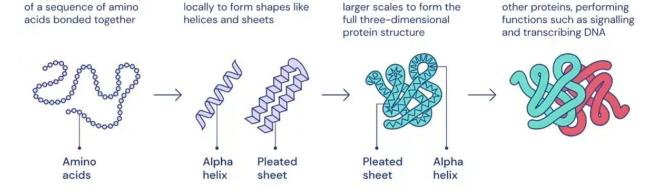




• От этого зависят многие важные биологические функции

These amino acids interact

 Взаимодействие лекарств с белками и изменение процессов в организме для выздоровления



These shapes fold up on

Proteins can interact with

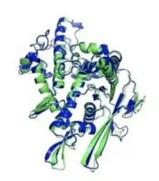
Protein folding



 Задача - предсказать 3D структуру белка, основываясь только на последовательности аминокислот











T1049 / 6y4f 93.3 GDT (adhesin tip)

- Experimental result
- Computational prediction

Image credit: DeepMind

AlphaFold

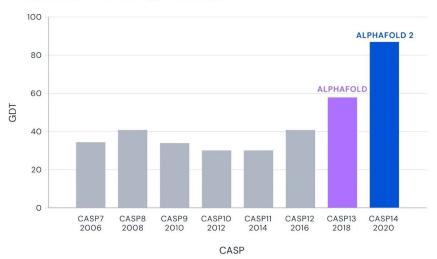


• Начиная с 1970-ых годов пытаются решить данную задачу



• Использование GNN позволило сделать прорыв и решить задачу с 90% точностью

Median Free-Modelling Accuracy



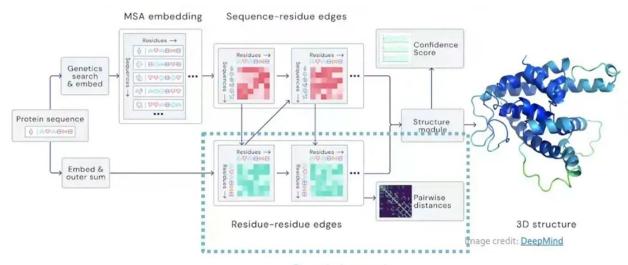
AlphaFold



• Идея - представить белок в виде графа (пространственного графа)

9 6

- Вершины аминокислоты
- Рёбра пространственная близость аминокислот



Spatial graph



Link prediction



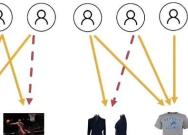






Task: Learn node embeddings z_i such that $d(z_{cake1}, z_{cake2})$ $< d(z_{cake1}, z_{sweater})$

Users (2)



Interactions

"Vou might a

"You might also like"

Recommendation system



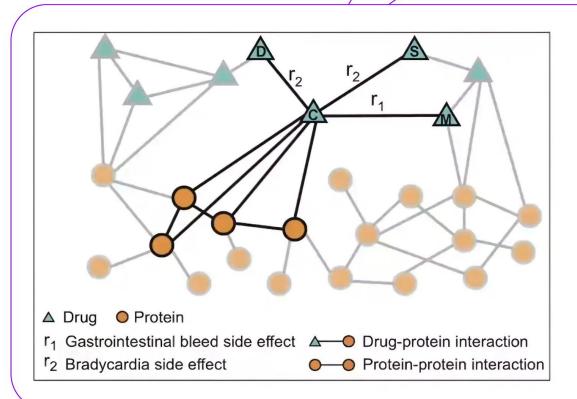
• Многие компании используют GNNs для более точных рекомендаций



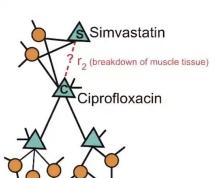
- Pinterest
- o LinkedIn
- o Instagram
- Например, изображения (вершины) в Pinterest кодируются на основе взаимодействия пользователей и визуального контента
- Похожие вершины получают близкие представления (эмбеддинги)
- В итоге качество рекомендаций становится выше, чем после анализа только изображений

Взаимодействия лекарств





Query: How likely will Simvastatin and Ciprofloxacin, when taken together, break down muscle tissue?







Предсказание побочных эффектов ИТМО



Rank	Drug i	Drug j	Side effect r	Evidence
1	Pyrimethamine	Aliskiren	Sarcoma	Stage et al. 2015
2	Tigecycline	Bimatoprost	Autonomic neuropathy	
3	Omeprazole	Dacarbazine	Telangiectases	
4	Tolcapone	Pyrimethamine	Breast disorder	Bicker et al. 2017
5	Minoxidil	Paricalcitol	Cluster headache	
6	Omeprazole	Amoxicillin	Renal tubular acidosis	Russo et al. 2016
7	Anagrelide	Azelaic acid	Cerebral thrombosis	
8	Atorvastatin	Amlodipine	Muscle inflammation	Banakh et al. 2017
9	Aliskiren	Tioconazole	Breast inflammation	Parving et al. 2012
10	Estradiol	Nadolol	Endometriosis	

Zitnik et al., Modeling Polypharmacy Side Effects with Graph Convolutional Networks, Bioinformatics 2018







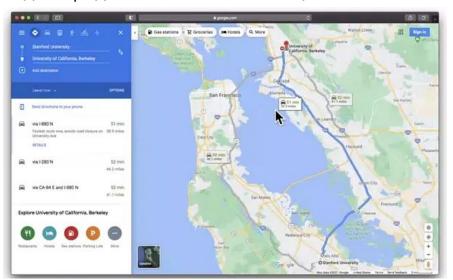
Sub-graph level

VİTMO

Вершины - сегменты дорог



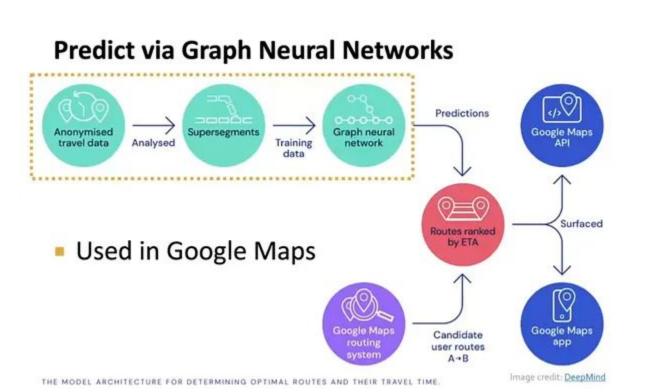
Время поездки предсказывается с помощью GNN





Traffic prediction





Graph-level task







Antibiotics are small molecular graphs

Nodes: Atoms

Edges: Chemical bonds

Konaklieva, Monika I. "Molecular targets of β -lactam-based antimicrobials: beyond the usual suspects." Antibiotics 3.2 (2014): 128-142.

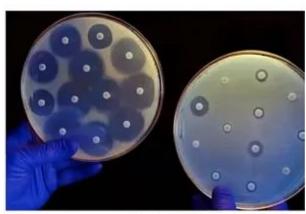


Image credit: CNN

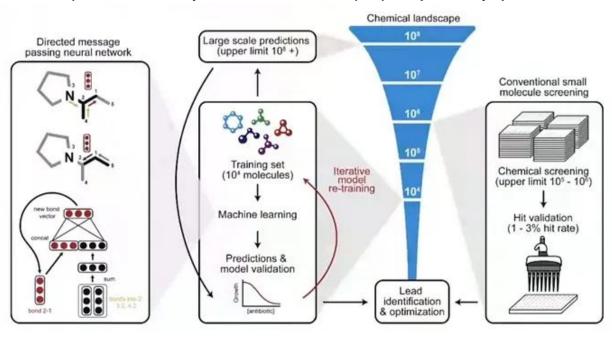
Antibiotic discovery



• Задача - предсказать нужные свойства графов (молекул)





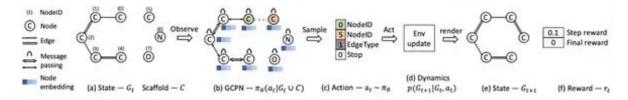


Генерация новых молекул

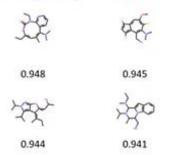




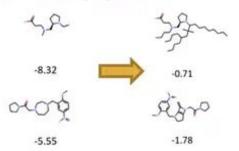




Use case 1: Generate novel molecules with high drug likeness



Use case 2: Optimize existing molecules to have desirable properties



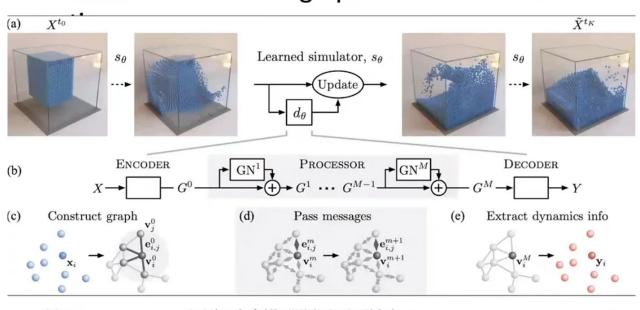
Симуляция изменений графа



A graph evolution task:



Goal: Predict how a graph will evolve over



Заключение



