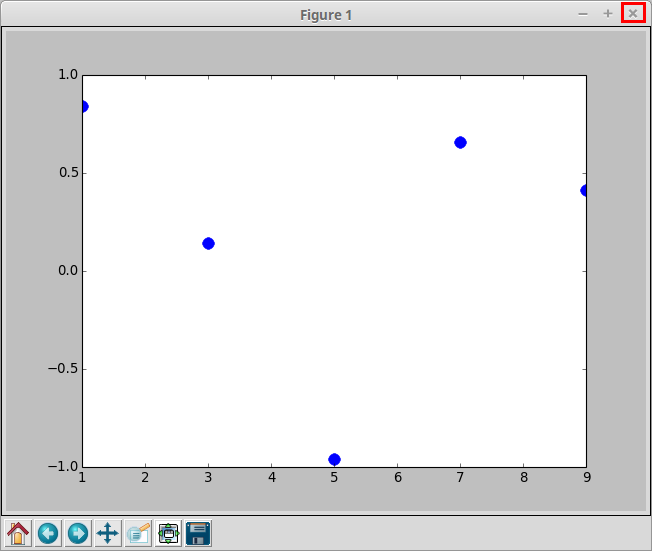
Wprowadzenie

W ramach tych zajęć nauczymy się korzystać z bibliotek Pythona na przykładzie NumPy, Matplotlib i SciPy. W praktyce większość narzędzi z których korzysta się na codzień w Pythonie pochodzi właśnie z wymienionych bibliotek. Oprócz tych zagadnień nauczymy się jak odczytywać/zapisywać pliki oraz jak wykonywać przydatne operacje na poziomie systemu.

Otwórzmy plik “test\_script.py”. Plik ten zawiera testowy kod, który wykorzystuje biblioteki NumPy i Matplotlib.

Jeśli program zadziała poprawnie to będzie znaczyło, że udało się zainstalować je poprawnie.



Okno wyniku działania testowego kodu

Jeśli program zadziałał poprawnie, to powinniśmy zobaczyć powyższy wykres w nowym oknie.

Wykorzystywanie istniejących modułów

Podczas poprzednich zajęć powiedzieliśmy, że każdy plik jest nazywany modułem. Aby z niego skorzystać w innym pliku należy na początek zaimportować go do aktualnego pliku. W tym celu posługujemy się następującym wyrażeniem:

import nazwa\_modulu

Jeśli utworzyliśmy plik o nazwie “matrix.py” zawierający jakieś funkcje które wykonują operacje na macierzach, to aby skorzystać z tych funkcji musimy się do nich odwołać za pośrednictwem nazwy modułu, tzn.:

import matrix

A = matrix.create() *#wywolanie funkcji "create" z pliku matrix.py*

matrix.invert(A)

Czasami jednak takie odwływanie się jest uciążliwe, ponieważ musimy za każdym razem powtarzać nazwę “matrix”. Sytuacja będzie jeszcze trudniejsza jeśli np. plik “matrix.py” znajduje się folderze “tools”:

import tools.matrix

A = tools.matrix.create()

tools.matrix.invert(A)

Do rozwiązania takiego problemu służy słowo “as” które pozwala zmienić nazwę importowanego modułu. Dzięki temu możemy odwoływać się do tych funkcji za pomocą skróconego zapisu:

import tools.matrix as mat

A = mat.create()

mat.invert(A)

Innym sposobem rozwiązania tego problemu jest częściowy import, który pozwala na import tylko wybranych elementów danego pakietu:

from tools.matrix import create

from tools.matrix import invert

A = create()

invert(A)

W powyższym kodzie zamiast importować moduł tools.matrix zaimportowaliśmy tylko same funkcje “create” i “invert”. Należy jednak uważać nazwy importowanych funkcji nie wprowadzały konfliktu z innymi funkcjami. Załóżmy, że importujemy z dwóch różnych pakietów funkcje invert:

from tools.matrix import invert

from other.numerical import invert

invert()

W tej sytuacji funkcja “invert” z pakietu tools.matrix zostanie “przykryta” drugą funkcją z pakiety “other.numerical” i nie będziemy mieli do niej dostępu. Dlatego w takiej sytuacji lepiej jest korzystać z funkcji wykorzystując nazwę pakietu.

Ostatnim użytecznym sposobem importowania narzędzi jest skorzystanie ze znaku “\*" zamiast nazw funkcji. Pozwala to na import wszystkich funkcji znajdujących się wewnątrz danego pliku. Oczywiście, podobnie jak poprzednio należy zachować szczególną uwagę na nazwy funkcji. Taki sposób importowania jest przydatny gdy piszemy bardzo krótki kod:

from tools.matrix import \*

A = create()

invert(A)

Dokładnie w taki sam sposób możemy importować wszystkie narzędzia, nie koniecznie tylko te które sami napisaliśmy, ale także te które pochodzą z zainstalowanych bibliotek. Aby skorzystać z funkcji służącej do całkowania znajdującej się w bibliotece SciPy możemy przykładowo napisać taki kod:

from scipy.integrate import odeint

*# ...*

*# ... jakis kod wyznaczajacy wektory Y0 i timeSteps*

**def** funkcja\_prawych\_stron():

**pass**

Y = odeint(funkcja\_prawych\_stron, Y0, timeSteps )

Generator enumerate i zip w pętli for

Na poprzednich zajęciach pokazaliśmy jak iterować po kolejnych elementach listy, albo po indeksach przy użyciu funkcji ***range***. Bardzo często zdarza się, że zarówno chcemy pobierać element z listy, ale także znać indeks tego elementu. Bazując na poznanych narzędziach mamy 2 opcje:

aList = [ i\*\*2 **for** i in range(10)]

index=0

**for** elmnt in aList:

print ( "Element aList[%d]=%f" % (index, elmnt))

index += 1

lub:

aList = [ i\*\*2 **for** i in range(10)]

**for** index in range(10):

print ( "Element aList[%d]=%f" % (index, aList[index]))

Takie konstrukcje wymagają dodatkowej operacji, zliczania indeksów albo pobierania elementów z listy. Aby ułatwić pisanie takich pętli w Pythonie posiada wbudowana funkcję o nazwie ***enumerate*** która zwraca generator **par** (index, wartosc\_z\_sekwencji). Dzięki możliwości rozwijania sekwencji (tutaj wspomnianej pary) do zmiennych możemy powyższe kody uprościć do takiej pętli:

aList = [ i\*\*2 **for** i in range(10)]

**for** index, elmnt in enumerate(aList):

print ( "Element aList[%d]=%f" % (index, elmnt))

Jak widać w powyższym kodzie zamiast iterować po elementach listy ***aList*** iterujemy po elementach generatora ***enumerate***. Jeśli chcemy iterować tylko po kolejnych indeksach z listy o danej długości należałoby napisać pętlę:

for i in range(len(aList)):

print i

W tej sytuacji także możemy skorzystać z funkcji ***enumerate*** która jest krótszym zapisem niż zagnieżdżone ***len*** w ***range***. Ale w tej sytuacji będziemy dostawali zbędny element który trzeba przypisać do zmiennej. W takich sytuacjach programiści czasami korzystają ze “sztuczki” i przypisują drugi element z pary do zmiennej o nazwie “\_“:

for i,\_ in enumerate(aList):

print i

Taki kod wygląda bardziej elegancko, jednak może być wolniejszy w wywołaniu, ponieważ zawsze będą pobierane elementy z listy.

Oprócz generatora ***enumerate*** bardzo użyteczny jest także generator o nazwie ***zip***. Służy on do iterowania po dwóch listach na raz. Generator ten, podobnie do ***enumerate*** zwraca **pary**, które możemy rozwinąć do zmiennych lub korzystać nich jako para:

aList = [ i\*\*2 for i in range(10)]

bList = [ (i-1)\*\*2 for i in range(10)]

# with pair

for p in zip(aList, bList):

print p[0], p[1]

# or by

for a, b in zip(aList, bList):

print a, b

Nazwane argumenty funkcji

Podczas używania różnych funkcji często spotykamy się z sytuacją gdy do funkcji przekazujemy argument z pewną nazwą, np.:

tab = np.zeros(20, dtyp=int)

W powyższym przykładzie jako nazwany argument użyliśmy “dtype”. Nazwane argumenty funkcji mogą być przekazywane w dowolnej kolejności, np. oba poniższe wywołania wykonają ten sam kod:

plot(x,y, linestyle="-", color="red")

plot(x,y, color="red", linestyle="-")

Za pomocą nazwanych argumentów można wywoływać własne funkcje przekazując je w dowolnej kolejności:

**def** funkcja(xarg, yarg):

print "xarg="+str(xarg)

print "yarg="+str(yarg)

funkcja(yarg=3, xarg=1)

Numpy array zamiast list

Na poprzednich zajęciach uczyliśmy się jak przechowywać dane w listach. Listy są kontenerami zawierającymi dowolne typy. Ma to duży wpływ na wydajność kody gdy w rzeczywistości wiemy, że lista na której pracujemy składa się tylko z liczb tego samego typu. Wbudowany typ ***list*** przed wywołaniem dowolnej operacji, np. dodawania, będzie musiał wykonać sprawdzenie czy taka operacja może być wykonana na przekazanych typach. Dlatego w przypadku wykonywania operacji na dużych zbiorach danych lepiej jest skorzystać z narzędzi, które potrafią zoptymalizować wykonanie takiego kodu. Jednym z takich narzędzi jest klasa ***array*** pochodząca z biblioteki ***NumPy***. Tablice te różnią się znacząco od list, ponieważ: 1. rozmiar jest stały, 2. typ zmiennych jest ten sam w całej liście.

Dlaczego jeszcze należy poznać bibliotekę NumPy? Głównie dlatego, że większość innych narzędzi związanych z obliczeniami numerycznymi czy rysowaniem wykresów jako wynik obliczeń zwraca obiekty które są właśnie typu numpy.array.

Tworzenie tablic numpy.array

Aby utworzyć nową tablicę można skorzystać z konstruktora (funkcji tworzącej obiekt) klasy numpy.array. Konstruktor przyjmuje Jako argument obiekt, po którym można iterować, tzn. taki którego można użyć w pętli for. W ten sposób utworzymy tablicę wypełnioną zadanymi elementami:

import numpy as np

tablica1 = np.array([1,2,5,12,5])

print tablic1*# >> [ 1 2 5 12 5]*

Możemy także skorzystać wprost z generatora ***range***:

import numpy as np

tablica1 = np.array([i **for** i in ragne(10])

print tablic1*# >> [0 1 2 3 4 5 6 7 8 9]*

tablica1 = np.array(range(10)

print tablic1*# >> [0 1 2 3 4 5 6 7 8 9]*

Drugim sposobem inicjalizacji tablicy jest wykorzystanie funkcji:

* zeros - generuje tablicę o zadanym rozmiarze wypełnioną zerami
* ones - generuje tablicę o zadanym rozmiarze wypełnioną jedynkami
* zeors\_like - generuje tablicę wypełnioną zerami o rozmiarze takim samym jak przekazana tablica
* ones\_like - generuje tablicę wypełnioną jedynkami o rozmiarze takim samym jak przekazana tablica

import numpy as np

tablica1 = np.zeros(10)

print tablica1 *#>> [ 0. 0. 0. 0. 0. 0. 0. 0. 0. 0.]*

tablica2 = np.ones\_like(tablica1)

print tablica2 *#>> [ 1. 1. 1. 1. 1. 1. 1. 1. 1. 1.]*

W poprzednim przypadku przekazaliśmy listę o elementach składających się z integerów, dlatego wynikowa tablica została utworzona jako tablica integerów. W drugiej sytuacji wygenerowaliśmy tablicę która składa się ze elementów typu float, ponieważ ten typ jest domyślnie przyjmowany. W obu przypadkach możemy jednak zdecydować z jakiego typu powinna się składać dana tablica:

import numpy as np

tablica1 = np.array( [1, 2, 3, 4, 5], dtype=float)

print tablica1 *#>>[ 1. 2. 3. 4. 5.]*

tablica2 = np.zeros(10, dtype=int)

print tablica2 *#>> [0 0 0 0 0 0 0 0 0 0]*

Jak widać definicję typu przeprowadzamy za pomocą nazwanego argumentu ***dtype***.

Dostęp do elementów - optymalizacja działań

Teraz przejdźmy do wykorzystywania tablic. Zazwyczaj jesteśmy przyzwyczajeni do korzystania z nich za pośrednictwem pętli for, jednak w przypadku tych tablic tak nie jest. Wynika to z tego, że pętla for będzie wymagała pobierania elementów z tablicy. Każdy taki element następnie staje się obiektem Python, co jest kosztowne. Każda następna operacja, np. dodawanie, zanim zostanie wykonana, będzie wymagała sprawdzenia typów, które z założenia zawsze są takie same. Dlatego do wykonywania takich operacji lepiej nadaje się skorzystanie z gotowej funkcji, która potrafi np. zsumować kolejne elementy dwóch tablic, ale tak, że ta operacja jest wykonana optymalnie już na poziomie kodu natywnego a nie interpretowanego. Aby lepiej zobaczyć różnicę przeanalizujmy poniższy kod, który będzie mierzył czas wykonania operacji sumowania:

import timeit

size=1000000

start = timeit.default\_timer()

list1 = [i **for** i in range(size)]

list2 = [i **for** i in range(size)]

list3 = [0 **for** i in range(size)]

start = timeit.default\_timer()

**for** i in range(size):

list3[i] = list1[i] + list2[i]

t1 = float(timeit.default\_timer()-start)

print "Czas :", str(t3)

import numpy as np

list1 = np.array(range(size))

list2 = np.array(range(size))

list3 = np.zeros\_like(list2)

start = timeit.default\_timer()

**for** i in range(size):

list3[i] = list1[i] + list2[i]

t2 = float(timeit.default\_timer()-start)

print "Czas :", str(t3)

start = timeit.default\_timer()

list3 = list1 + list2

t3 = float(timeit.default\_timer()-start)

print "Czas :", str(t3)

print "t2/t1", t2/t1

print "t1/t3", t1/t3

print "t2/t3", t2/t3

W pierwszej sytuacji wykonaliśmy sumowanie w pętli elementów znajdujących się listach. W drugim przypadku także wykonaliśmy sumowanie w pętli for, ale tym razem elementów znajdujących się tablicach numpy.array. W ostatnim przypadku wykonaliśmy sumowanie wykorzystując operator + (czyli w praktyce pewną funkcję) który wykonał zoptymalizowaną operację (w rzeczywistości operacja sumowania została oddelegowana do funkcji znajdującej się w skompilowanym binarnym kodzie). W wyniku działania powyższego skryptu otrzymaliśmy następujący wynik:

Czas : 0.142781019211

Czas : 0.458594083786

Czas : 0.00325489044189

t2/t1 3.21187008134

t1/t3 43.8666129505

t2/t3 140.893861705

Jak widać najgorzej spisała się implementacja, która w pętli wykonywała sumowanie z tablicy numpy.array. Sumowanie elementów z listy było 3 razy szybsze niż z tablicy. Wynika to z tego, że dostęp do elementów tablice jest wolniejszy, ponieważ każdy element tablicy jest kopiowany z natywnego kodu do obiektu Pythona. Zwróćmy teraz uwagę na ostatni przypadek. Operacja sumowania “całych” tablic na raz jest wykonana ponad 40 razy szybciej niż iterowanie po elementach listy i aż 140 razy szybciej niż iterowanie po elementach tablicy. Wynika z tego następujący wniosek - **jeśli korzystasz z tablic typu numpy.array unikaj za wszelką cenę pętli!**. Bardzo dużo operacji można wykonać za pomocą różnych funkcji z pakiety NumPy oraz za pomocą wycinków tablic, podobnych do wycinków list.

Tworzenie i dostęp do elementów tablicy wielowymiarowej

Klasa array z biblioteka NumPy domyślnie wspiera tworzenie tablic wielowymiarowych. Tablicę taką można utworzyć podobnie jak w przypadku jednowymiarowej tablicy:

* Za pomocą konstruktora: ```python import numpy as np

tab2D = np.array( [[1,2,3],[3,2,1], [2,3,1]]) print tab2D # >> [[1 2 3] # [3 2 1] # [2 3 1]]

tab2D = np.array( [ [i\*j for i in range(3)] for j in range(3)] ) print tab2D # >> [[0 0 0] # [0 1 2] # [0 2 4]] ```

* Za pomocą funkcji zeros, ones, zeros\_like, ones\_like: ```python import numpy as np

tab2D = np.zeros( (3, 3) ) print tab2D # >> [[0 0 0] # [0 0 0] # [0 0 0]]

tab2D = np.ones\_like( tab2D ) print tab2D # >> [[1 1 1] # [1 1 1] # [1 1 1]] ``` Jak widać w powyższym przykładzie tablice wielowymiarowe tworzymy przekazując jako rozmiar obiekt ***tuple*** (liczby znajdujące się w nawiasach ()) który jako elementy przyjmuje rozmiar tablicy w kolejnych wymiarach. Oczywiście, podobnie jak w przypadku tablicy jednowymiarowej możemy wybrać typ elementów za pomocą nazwanego argumentu ***dtype***.

W przypadku tablic wielowymiarowych można dostać się do jej elementów dokładnie tak samo jak w przypadku list:

import numpy as np

tab2D = np.zeros((3,3))

print "Element z drugiego wiersza i drugiej kolumny to", tab2D[1][1]

Jednak dostęp do elementów w powyższy sposób może być wolniejszy, ponieważ tablica taka najpierw musi zwrócić cały wiersz, a następnie dopiero odpowiednią kolumnę. Wielowymiarowe tablice NumPy domyślnie wspierają odwoływanie się do konkretnego elementy poprzez podanie wiersza i kolumny w obrębie jednego nawiasu []:

import numpy as np

tab2D = np.zeros((3,3))

print "Element z drugiego wiersza i drugiej kolumny to", tab2D[1,1]

Sprawdzanie rozmiaru tablic

Gdy posiadaliśmy obiekt typu ***list*** to liczbę elementów można było sprawdzić za pomocą funkcji ***len***. Ta funkcja także zadziała w przypadku tablic:

import numpy as np

tab = np.zeros(10)

print len(tab) *# >> 10*

A w przypadku tablic wielowymiarowych funkcja ta zwróci tylko rozmiar pierwszego wymiaru (np. liczbę wierszy w tablicy dwuwymiarowej). Dlatego aby sprawdzić wymiar korzystamy ze zmiennej “shape” przypisanej do obiektu tablicy, która sama w sobie jest typu ***tuple***:

import numpy as np

tab2D = np.ones((10,5), dtype=int)

print tab2D.shape *# >> (10, 5)*

print "Pierwszy wymiar", tab2D.shape[0] *# >> Pierwszy wymiar 10*

print "Drugi wymiar", tab2D.shape[0] *# >> Drugi wymiar 5*

Wycinki tablic i uzupełnianie wartości tablicy

Podczas poprzednich zajęć pokazaliśmy jak można wygodnie pracować na części listy. Podobne, a nawet dalej idące, narzędzie wspierają tablice. Tworzenie wycinków w tablicach jednowymiarowych jest dokładnie takie same jak w przypadku list. Tablice pozwalają jednak na przypisanie tej samej wartości do wszystkich elementów z wycinka:

import numpy as np

tab = np.zeros(5)

tab[:3] = 2

print tab *# >> [ 2. 2. 2. 0. 0.]*

W przypadku list nie mogliśmy tak zrobić, można było tylko przypisać do inną listę o tym samym wymiarze.

Podobnie sprawa ma się w przypadku tablic wielowymiarowych:

tab2D = np.zeros((4,4))

tab2D[:2,:2] = 2

print tab2D *#>> [[ 2. 2. 0. 0.]*

*# [ 2. 2. 0. 0.]*

*# [ 0. 0. 0. 0.]*

*# [ 0. 0. 0. 0.]]*

Wycinki tablic za pomocą indeksów i masek

Tablice NumPy pozwalają także na inny sposób tworzenia wycinków tablic: 1. Za pomocą listy indeksów. 2. Za pomocą maski - tablica o tej samej długości co źródłowa i złożona ze zmiennych typu boolean - wartość True oznacza wybór elementy a False pominięcie

Sprawdź działanie poniższego kodu:

import numpy as np

tab = np.zeros(10)

tab[[1,4,8,9]] = 2

print tab

mask = tab == 0

print mask

tab[ mask ] = -1

print tab

from random import randint

tab = np.array( [ randint(0,9) **for** i in range(10)])

print "Liczby losowe wieksze od 5:"

**for** e in tab[tab > 5]:

print e

Operacje matematyczne na całych tablicach

Obiekty klasy ***numpy.array*** wspierają większość znanych funkcji takich jak ***sin, cos, exp, abs, …*** oraz operatory \*\* +, -, /, \*, . Pełną lista funkcji matematycznych zobacz [tutaj](http://docs.scipy.org/doc/numpy/reference/routines.math.html). Aby skorzystać z tych funkcji trzeba odwoływać się do nich poprzez nazwę pakietu.

Inna bardzo przydatna funkcja należąca do pakietu NumPy to ***linspace(start, stop, step)*** która generuje tablicę o liczbach równomiernie rozłożonych w zadanym zakresie:

import numpy as np

xy = np.zeros((10,2))

xy[:, 0] = np.linspace(-1, 1, 10)

print xy[:,0] *#>>[-1. -0.77777778 -0.55555556 -0.33333333 -0.11111111 0.11111111 0.33333333 0.55555556 0.77777778 1. ]*

xy[:, 1] = np.exp( xy[:, 0] )

print xy

Operacje na plikach

Podstawy wczytywania i zapisywania danych do plików w Pythonie niczym szczególnym nie różni się od pracy w innych językach. Aby otworzyć strumień danych z pliku wystarczy utworzyć obiekt typu ***file*** za pomocą funkcji ***open(filename, mode)***, gdzie parametr ***mode*** określa cel otwarcia pliku:

* “r” - wczytywanie danych z pliku, strumień ustawiony jest na początku pliku.
* “r+” - wczytywanie i zapisywanie do pliku, strumień ustawiony na początku pliku.
* “a” - zapisywanie danych do pliku, strumień jest ustawiony na końcu pliku.
* “a+” - zapisywanie danych do pliku, strumień jest ustawiony na końcu pliku.
* “w” - zapisywanie danych do pliku, jeśli plik nie jest pusty zostanie wyczyszczony.
* “w+” - wczytywanie i zapisywanie danych do pliku, jeśli plik nie jest pusty zostanie wyczyszczony.

Po zakończeniu pracy z plikiem należy pamiętać o zamknięciu strumienia do pliku, co można sprawdzić dzięki zmiennej ***closed*** należącej do obiektu plik:

plik = open("tmp.txt", "r")

**if** not plik.closed:

print "closing file ..."

plik.close()

Czasami można zapomnieć zamknąć strumień, bądź pojawi się wyjątek (który automatycznie przerwie wykonywanie kodu) w trakcie pracy nad plikiem. Taka sytuacja może spowodować niepoprawną pracę kodu. W związku z tym istniej potrzeba takiej konstrukcji, w której kod, niezależnie od tego co się stanie w pewnej jego części, wykona “sprzątającą” operację. W wielu językach taka konstrukcja nazywa się ***try/finally*** która zapewnia, że nie zależnie od tego co się stanie po słowie ***try*** zostanie wykonany kod ***finally***. W przypadku pracy z plikami miałoby to postać:

plik = open("tmp.txt", "r")

**try**:

.... operacje na pliku .....

**finally**:

plik.close()

W Pythonie taka konstrukcja także istnieje, ale posiada on także jeszcze jedną, która potrafi automatycznie wykonać sprzątanie i jest bardzo przyjazna dla oka :). Zapewnia ona, że zasoby wykorzystywane przez kod zostaną zwolnione i wyczyszczone. Ta nowa konstrukcja ma następującą postać:

**with** wyrazenie[as zmienna]:

... blok kodu operujacego na obiekcie zmienna ...

W przypadku pracy z plikami jako “wyrazenie” wystarczy użyć funkcję ***open***:

**with** open("tmp.txt","r") as plik:

... kod pracujacy na zmiennej plik ....

Na koniec przyjrzyjmy się kilku metodom jakie należą do obiektów typu ***file***, które pozwolą na praktyczne wczytywanie danych:

* read() - wczytuje na raz cały plik, można przekazać parametr “size” który ograniczy ilość bitów do jego wartości.
* readline() - wczytuje kolejną linię z pliku.
* readlines() - wczytuje wszystkie linie z pliku i zwraca listę.
* write(str) - zapisuje przekazany ciąg znaków do pliku
* writelines(sekwencja\_stringow) - zapisuje kolejne linie z przekazanej sekwencji stringów (np. listy)

Oprócz tych funkcji należy pamiętać, że obiekt ***file*** sam w sobie jest sekwencją stringów, dzięki czemu pozwala on iterować w pętli for po kolejnych liniach:

**with** open("tmp.txt","r") as plik:

**for** linia in plik:

print "Wczytalem linie tekstu = ", linia

Z kolei jeśli chcemy zapisać dane, wygodnie jest skorzystać z metody ***write***:

zdanie="Jaki ten python jest latwy i czytelny"

**with** open("tmp.txt", "w") as plik:

**for** slowo in zdanie.split():

plik.write(slowo + "\n")

lub jeszcze w jednej linii kodu:

zdanie="Jaki ten python jest latwy i czytelny"

**with** open("tmp.txt", "w") as plik: plik.writelines([s+"\n" **for** s in zdanie.split()])

Podstawowe narzędzie obsługi systemu

Python jako język skryptowy bardzo dobrze nadaje się do obsługi zadań związanych z zarządzaniem plikami/katalogami bądź wywoływania różnych procesów. Duży zbiór takich narzędzi znajduje się pakiecie o nazwie ***os***, z którego opiszemy poniżej kilka najbardziej przydatnych funkcji. Zbiór wszystkich funkcji można znaleźć [tutaj](https://docs.python.org/2/library/os.html#module-os).

Ścieżki do plików

Czasami pojawia się potrzeba przetwarzania ścieżek do plików bądź wyciąganie z niej odpowiednich informacji. W tym celu korzystamy z pod-modułu path w którym znajdują się przydatne funkcje:

* ***abspath(path)*** zwraca pełną ścieżkę
* ***basename(path)*** zwraca nazwę pliku lub najwyższego folderu w podanej ścieżce
* ***dirname(path)*** zwraca ścieżkę do folderu w którym znajduje się plik/folder wskazywany przez “path”
* ***gettatime/gettmtime*** - zwracają czas ostatniego dostępu/modyfikacji pliku
* ***splitext(path)*** - funkcja dzieli podaną ścieżkę na parę (“ścieżka z tylko nazwa pliku”, “rozszerzenie pliku z kropką”)
* ***exists(path)*** - zwraca False gdy nie istnieje dana ścieżka bądź wskazuje na zepsuty link
* ***isabs(path)*** - sprawdza czy ścieżka jest ścieżką absolutną
* ***isfile(path)*** - sprawdza czy ścieżka wskazuje na plik (podąża za linkami)
* ***isdir(path)*** - sprawdza czy ścieżka wskazuje na folder
* ***islink(path)*** - sprawdza czy ścieżka wskazuje na link
* ***join(path,* paths)**\* - łączy ścieżki używając systemowego

from os import path

sciezka = "/home/student/tmp/python/some/module.py"

*#nazwa pliku:*

print path.basename(sciezka) *# >> module.py*

*#sciezka do folderu zawierajacego plik:*

print path.dirname(sciezka) *#>> /home/student/tmp/python/some*

*# Czy sciezka istnieje, i czy jest plikiem*

**if** path.exists(sciezka):

print "Is "+sciezka+" file?" + str( path.isfile(sciezka) )

home = "/home/student"

folder = "tmp/python/some"

plik = "module.py"

print "Full path:" + path.join(home, folder, plik)

Należy tutaj zwrócić uwagę, że funkcja ***os.path.join*** łączy ścieżki wykorzystując separator odpowiedni dla danego systemu operacyjnego. Sam separator wykorzystywany przez tą funkcję można także wykorzystać jawnie ponieważ znak ten jest przechowywany w zmiennej globalnej w module ***os*** o nazwie ***sep***:

import os

print os.sep

print "folder" + os.sep + "plik"

Aby kod działał poprawnie na wszystkich systemach należy wystrzegać się jawnego używania znaku “" lub”/" a należy korzystać ze zmiennej ***os.sep*** lub funkcji ***os.path.join***.

Listowanie katalogów

Do przejrzenia plików w danym folderze służy funkcja ***listdir*** z pakietu ***os***. Funkcja ta zwraca listę stringów będących nazwami plików i folderów:

import os

currentDir = "."

**for** entry in os.listdir(currentDir):

**if** os.path.isdir(entry):

print entry + " is directory"

**elif** os.path.isfile(entry):

print entry + "is file"

Czasami jednak istnieje potrzeba listowania plików o specyficznej nazwie określonej za pomocą jakiegoś wzorca. W bashu do tego celu najczęściej korzysta się ze znaku “*“, np.”*.txt” oznacza dowolny plik kończący się rozszerzeniem .txt. Podobnie można listować pliki w Pythonie, ale do tego celu należy skorzystać z funkcji ***globe1*** pakietu ***globe***:

from glob import glob1

**for** txtFile in glob1("/home/student/Desktop", "\*.txt"):

print "Plik text: "+txtFile

Manipulacje folderami i plikami za pomocą modułu “os”

Pakiet ***os*** pozwala także na dokonywanie tworzenie jednego folderu - ***os.mkdir(path, [mode])*** gdzie opcjonalny parametr ***mode*** określa prawa dostępu (domyślna wartość to 0777).

Z kolei jeśli chcemy utworzyć całą ścieżkę folderów, końcowy i jego właścicieli, to należy skorzystać z funkcji ***os.makedirs(path, [mode])***

import os

from glob import glob1

base = "/home/student/Dekstop"

os.mkdir( os.path.join(base,"test\_dir") )

*#print test\_\* directories*

print [ d **for** d in glob1(base, "test\_\*") **if** os.path.isdir(base+os.sep+d)] *# >> ['test\_dir']*

*# create sequence of directories*

os.makedirs( os.path.join(base, "test2\_dir","internal\_dir") )

Czasami potrzebujemy informację o aktualnym katalogu w którym się znajdujemy. Do tego służy funkcja ***getcwd()*** która zwraca pełną ścieżkę do folderu roboczego, względem którego możemy odwoływać się do innych plików.

Oprócz funkcji tworzących foldery możemy korzystać także z funkcji usuwających je: - ***os.rmdir*** - usuwa pojedynczy folder, ale tylko gdy jest pusty. - ***os.removdirs*** - usuwa całą ścieżkę folderów, ale tylko do miejsca gdzie foldery są puste

Ponadto w pakiecie ***os*** znajduje się funkcja ***remove(path)*** która usuwa pojedynczy plik. Jeśli ścieżka wskazuje na folder, to pojawi się błąd.

Ostatnia przydatna funkcja to ***rename(src, dst)***. Jak nazwa wskazuje służy ona do zmiany nazwy pliku/folderu. Jedna w praktyce to nie zmiana nazwy tylko przeniesienie pliku/folderu ze ścieżki ***src*** do ścieżki ***dst***.

Operacje na plikach za pomocą pakietu “shutil”

Do manipulacji plikami służy służy moduł o nazwie ***shutil***. Pozwala ona na: - kopiowanie pojedynczych plików za pomocą ***shutli.copy(src, dst)***, gdzie ***src*** określa plik źródłowy a ***dst*** ścieżkę do kopii. Jeśli ***dst*** jest folderem to plik **src** zostanie skopiowany z tą samą nazwą do folderu ***dst***. - kopiowanie całych folderów wraz z zawartością. Do tego służy funkcja ***shutil.copytree(src,dst)***. W przypadku tej funkcji folder ***dst*** nie może wcześniej istnieć. - usuwanie folderów wraz całą zawartością za pomocą ***shutil.rmtree(path)***.

Więcej funkcji z tego pakietu możesz znaleźć [tutaj](https://docs.python.org/2/library/shutil.html?highlight=shutil#module-shutil)

Rysowanie wykresów - podstawy biblioteki Matplotlib

Na koniec tych zajęć przedstawimy drugą po ***NumPy*** bardzo przydaną bibliotekę - ***Matplotlib***. Jest to biblioteka służąca z założenia do wyświetlania wykresów. Oprócz samych wykresów pozwala na wyświetlanie i prostą obróbkę wykresów. Biblioteka ta jest tak zaprojektowana, żeby przypominała korzystanie z funkcji MATLABa, dzięki czemu jest dość prosta do nauczenia się. Ponadto jest ona rozszerzeniem pakietu NumPy, dzięki czemu domyślnie operuje na tablicach, ale wspiera także dane w postaci list. W tym punkcie pokażemy jak wykonać prosty wykres, animację i wyświetlić obrazek.

Najprostsze wykresy

Aby utworzyć wykres należy na początek utworzyć okno za pomocą funkcji ***figure*** w którym będzie umieszczony nasz wykres. Aby następnie wyświetlić krzywą korzystamy z funkcji ***plot*** która umieści daną krzywą w domyślnych osiach. Każde następne wywołanie tej funkcji będzie dorysowywać kolejne krzywe w tym samym oknie. Wywołanie funkcji plot nie wyświetli automatycznie okna. Aby to zrobić należy na koniec wywołać funkcję ***show***. Wszystkie te funkcje znajdują się w pod-module ***pyplot*** z pakietu ***matplotlib***.

import matplotlib.pyplot as plt

import numpy as np

x = np.linspace(0,np.pi, 100)

y = np.sin(x)

plt.figure()

plt.plot(x, y)

plt.plot(x, np.cos(x))

plt.show()

Domyślnie program będzie nadawał różne kolory do każdej kolejnej linii. Można jednak wybrać kolor i format linii za pomocą skrótowego formatu, np.:

import matplotlib.pyplot as plt

import numpy as np

x = np.linspace(0,np.pi, 100)

y = np.sin(x)

plt.figure()

plt.plot(x, y, "b.")

plt.plot(x, np.cos(x), "b-")

plt.show()

Format “b.” oznacza skorzystanie z niebieskiej linii z markerami w postaci kropek. Z kolei “b-” oznacza niebieską linię. Podobny efekt uzyskamy za pomocą nazywanych argumentów:

import matplotlib.pyplot as plt

import numpy as np

x = np.linspace(0,np.pi, 100)

y = np.sin(x)

plt.figure()

plt.plot(x, y, color="blue", marker=".", linestyle="")

plt.plot(x, np.cos(x), color="blue", marker="", linestyle="-")

plt.show()

Oczywiście taki wykres można następnie lepiej dostosować poprzez pokazanie siatki, tytułu i nazw osi:

import matplotlib.pyplot as plt

import numpy as np

x = np.linspace(0,np.pi, 100)

y = np.sin(x)

plt.figure()

plt.plot(x, y, color="blue", marker=".", linestyle="")

plt.plot(x, np.cos(x), color="blue", marker="", linestyle="-")

plt.grid(True)

plt.xlable("x")

plt.ylabel("y")

plt.title("sin(x) i cos(x)")

plt.show()

Kilka wykresów w jednym oknie

Funkcja plt.plot, plt.xlabel … dokonuje rysowania na aktywnych osiach. Gdy posiadamy okno z jednym wykresem jest to oczywiste na której z osi go tworzymy, jednak w przypadku dwóch musimy się w jakiś sposób do wybranej osi odwoływać. Do tworzenia kilku wykresów w jednym oknie służy funkcja ***subplots*** która jako argument przyjmuje liczby osi w danym kierunku, np.: plt.subplots(2,2) wygeneruje okno z 4 układami współrzędnych. Funkcja ta zwraca oprócz obiektu “figure” także tablicę NumPy składającą się obiektów “axes”:

import matplotlib.pyplot as plt

fig, axes = plt.subplots(2)

print axes.shape *#>> (2, )*

fig, axes = plt.subplots(2,2)

print axes.shape *#>> (2, 2)*

Jak widać powyżej zmienna “axes” jest tablicą 1 albo dwu wymiarową w której kolejne indeksy odnoszą się do odpowiednich osi. Aby dokonać wykresu w wybranej osi należy skorzystać z nie z plt.plot(..) a np. axes[0,0].plot(...). Ponadto w przypadku niewielkiej liczby wykresów może być przydatnej rozwinięcie tablicy do zmiennych:

import matplotlib.pyplot as plt

import numpy as np

x = np.linspace(0,np.pi, 100)

y = np.sin(x)

fig, (ax1, ax2) = plt.subplots(2)

ax1.plot(x, y, color="blue", marker=".", linestyle="")

ax2.plot(x, np.cos(x), color="blue", marker="", linestyle="-")

ax1.grid(True)

ax1.set\_xlabel("x")

ax1.set\_ylabel("y")

ax1.set\_title("sin(x)")

ax2.set\_title("cos(x)")

plt.show()

Należy tutaj zwrócić uwagę, że metody obiektów klasy ***AxesSubplot*** korzystają z nazw z przedrostkiem “set\_” w odróżnieniu do tych podstawowych z pakiety ***matplotlib.pyplot***.

Tworzenie animacji

Dzięki bibliotece matoplotlib animacje są bardzo proste do zrobienia. Należy tylko umieć aktualizować dane w wybranych liniach na wykresie. Do tego cele należy posługiwać się pewnym uchwytem który pozwala na manipulację wybraną linią z wykresu. Uchwyt taki zawsze otrzymujemy jako zwrot z funkcji ***matplotlib.pyplot.plot***, tylko do tej pory nie przypisywaliśmy go do zmiennej. Teraz to uczynimy:

import matplotlib.pyplot as plt

import numpy as np

x = np.linspace(0,np.pi, 100)

fig = plt.figure()

line, = plt.plot(x, np.zeros\_like(x))

Funkcja ***plot*** zwraca więcej niż jeden argument, dlatego musimy do zmiennych przypisać wszystkie. Jednak my potrzebujemy tylko pierwszy obiekt, dlatego tuż za ***line*** postawiliśmy przecinek a za nim nic. Oznacza to, że pierwszy argument zostanie przypisany do zmiennej ***line*** a reszta nie ma dla nas znaczenia.

Obiekt ***line*** jest typu ***matplotlib.lines.Line2D*** (sprawdź pisząc type(line)). Klasa ta posiada metodę nazywającą się ***set\_ydata***, która przypisuje nowe wartości do wykresu. Z tej właśnie funkcji będziemy korzystali w trakcie animacji podczas zmiany kolejnych klatek.

Do utworzenia animacji skorzystamy z funkcji ***FuncAnimation*** z modułu ***matplotlib.animation***. Funkcja ta jako argument musi przyjąć inną funkcję która będzie służyła do aktualizacji danych w kolejnych klatkach. A zatem:

import matplotlib.pyplot as plt

from matplotlib.animation import FuncAnimation

import numpy as np

x = np.linspace(0,np.pi, 100)

fig = plt.figure()

line, = plt.plot(x, np.zeros\_like(x))

plt.xlim([0, np.pi])

plt.ylim([-1, 1])

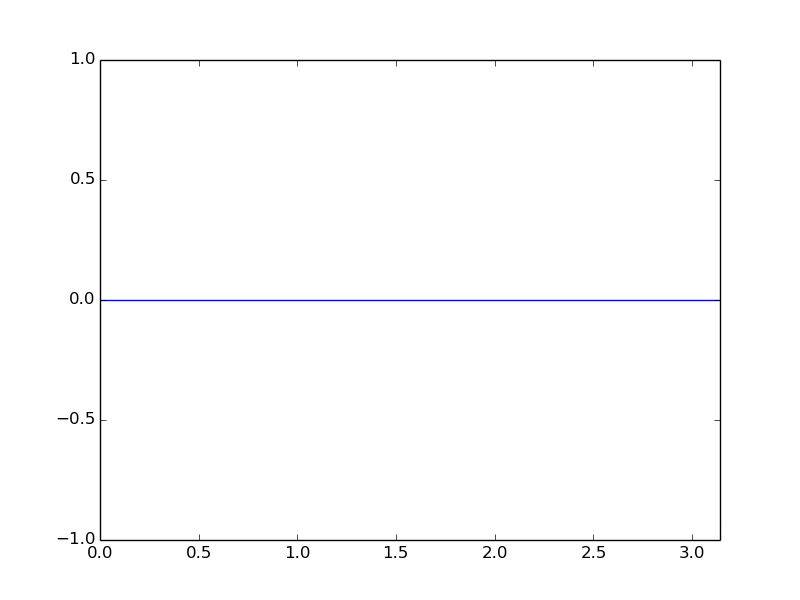
**def** update\_plot(frame):

a = float(frame)/100

line.set\_ydata(np.sin(a\*x))

anim = FuncAnimation(fig, update\_plot, frames=300, interval=1, repeat=False)

plt.show()

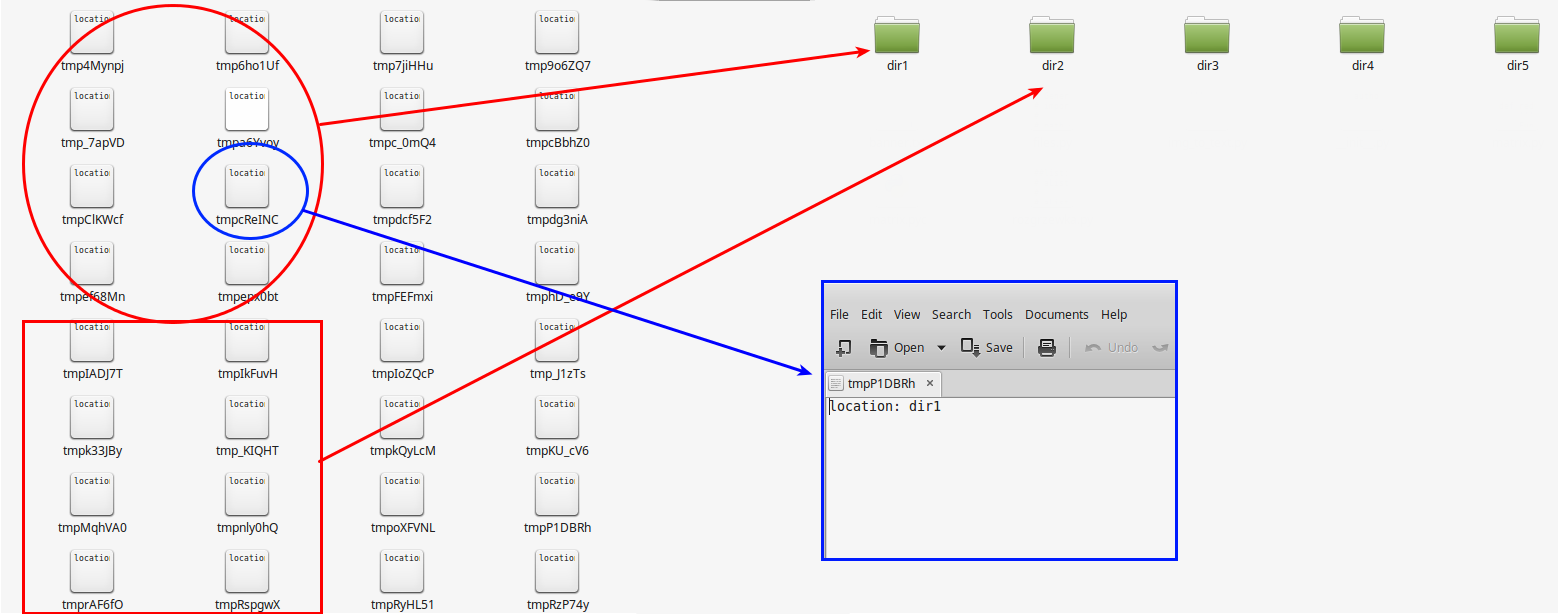


Przykład animacji w plikiem gif

Zadania

Zadanie 1

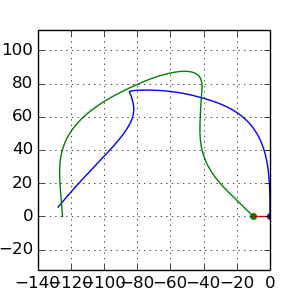
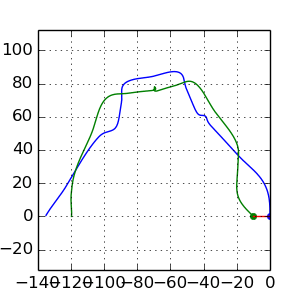
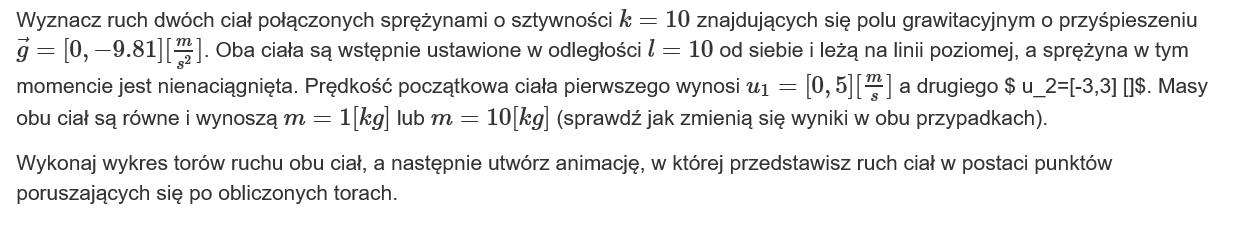
W folderze ***resources/lab2/files*** zlokalizowanym w repozytorium znajduje się szereg plików o losowych nazwach. W każdym z plików znajduje się tylko jeden wiersz o postaci: *location: [nazwa folderu]*, gdzie [nazwa folderu] może różnić się pomiędzy plikami. Należy skopiować poszczególne pliki zawarte w podanej lokalizacji do folderów, których nazwy są takie same jak ta podana wewnątrz pliku.



Pliki w folderach

Nowo utworzone foldery mogą zostać umieszczone w dowolnej lokalizacji.

Zadanie 2



Animację (przykład w katalogu) można zapisać do pliku \*.gif za pomocą metody “save” z obiektu animation. Aby zapisać do tego formatu należy posiadać zainstalowaną aplikację “imagemagic”:

*# ...*

anim = animation.FuncAnimation(....)

anim.save("nazwa\_pliku.gif", writer="imagemagic", fps=30)

plt.show()

'''

Equations of motion

dr = x2 - x1

m a1 = dr k (1 - l/|dr|)

m a2 = - dr k (1 - l/|dr|)

'''

"""

Rysunki takie jak w przykładach wychodzą przy prędkościach początkowych

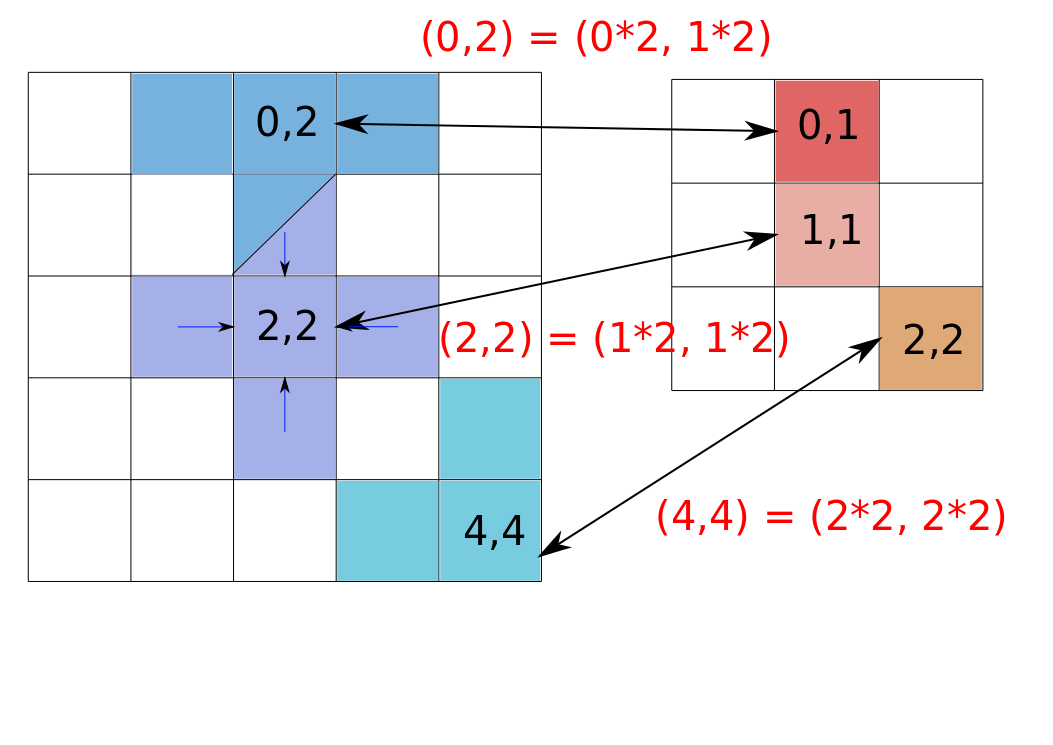
[0, 50]

[30, 30]

"""

Zadanie 3

Należy utworzyć funkcję która będzie potrafiła przeskalować macierz z większego rozmiaru na mniejszy. W tym celu:

1. Utwórz nowy plik pythona o nazwie zadanie3.py
2. Wewnątrz tego pliku przygotuj funkcję “reduce” która jako argumenty będzie przyjmowała obiekt reprezentujący listę/tablicę dwuwymiarową oraz rozmiar wynikowej macierzy (parametr określający rozmiar powinien obsługiwać sytuację gdy przekazano 1 liczbę lub parę)
3. Uzupełnij ciało funkcji wykorzystując algorytm opisany poniższym rysunkiem 
4. Na powyższym rysunku oznaczono jak poszukiwać referencyjnych elementów w tablicy większej w zależności od indeksu elementu w tablicy mniejszej. Wartość kolejnych elementów w tablicy mniejszej powinna być obliczona jako średnia z zaznaczonych sąsiadów i referencyjnego elementu z tablicy większej.
5. Zwróć wynikową tablicę/listę dwuwymiarową.

Zadanie 4A

Należy napisać skrypt który będzie wczytywał plik graficzny ***resources/lab2/meil.png***.



logo

Ponadto skrypt ten powinien przeskalować obraz do rozmiaru 20x20 (wykorzystaj funkcję z poprzedniego zadania) i wyświetlić w jednym oknie obraz wczytany i przeskalowany obok siebie.

Podpowiedzi

* Obraz można wczytać za pomocą funkcji ***imread*** znajdującej się w bibliotece ***matplotlib.image***. Wczytany obraz będzie w postaci tablicy 3 wymiarowej, gdzie pierwsze 2 wymiary określają indeks pojedynczego punktu, a ostatni określa kanał (red, green, blue i opcjonalnie alpha)
* Aby utworzyć 2 wykresy/obrazki w jednym oknie zamiast funkcji ***figure*** (z biblioteki matplotlib.pyplot) należy skorzystać z funkcji ***subplot*** gdzie argumentami jest para określająca liczbę wykresów w wierszach i kolumnach:

import matplotlib.pyplot as plt

*# kod wyznaczający tablice x, y ....*

\_, axes = plt.subplot(1,2)

axes[0].plot(x, y)

axes[1].plot(y, x)

plt.show()

* Obraz zapisany w postaci macierzy kolorów RGB (lub RGBA) można wyświetlić za pomocą funkcji ***imshow*** znajdującej się w bibliotece ***matplotlib.pyplot*** (w przypadku rysowania w jednym oknie należy skorzystać z metody ***imshow*** należącej do obiektów typu Axes, zwracanych z funkcji subplot)

Zadanie 4B

Uzupełnij skrypt z poprzedniego zadania tak, aby na podstawie jasności obrazka w danym punkcie generował obraz w pliku tekstowym za pomocą wybranych znaków. Obraz tekstowy powinien zostać utworzony na bazie przeskalowanego, mniejszego obrazka oraz powinien używać co najmniej 2 różnych znaków do określenia 2 różnych jasności (np. “||” dla czarnego koloru i “–” dla szarego). Poniżej zamieszczono przykładowy rezultat.

- - -

- - - - - - - - -

|| - - - - -

|||| - || - - -

|||||| |||||| |||| - -

|||| |||| || |||||| - -

|||| || || || || - -

|||| || || || |||| - -

|| || || || || - -

|||| - || || || || -

|||| - || |||||||| || || -

|||| || || || || -

||- || || || || - -

|||| |||| || || |||| - -

|||| ||- || || |||| -

|||| || || |||||| - -

- |||| || |||| - -

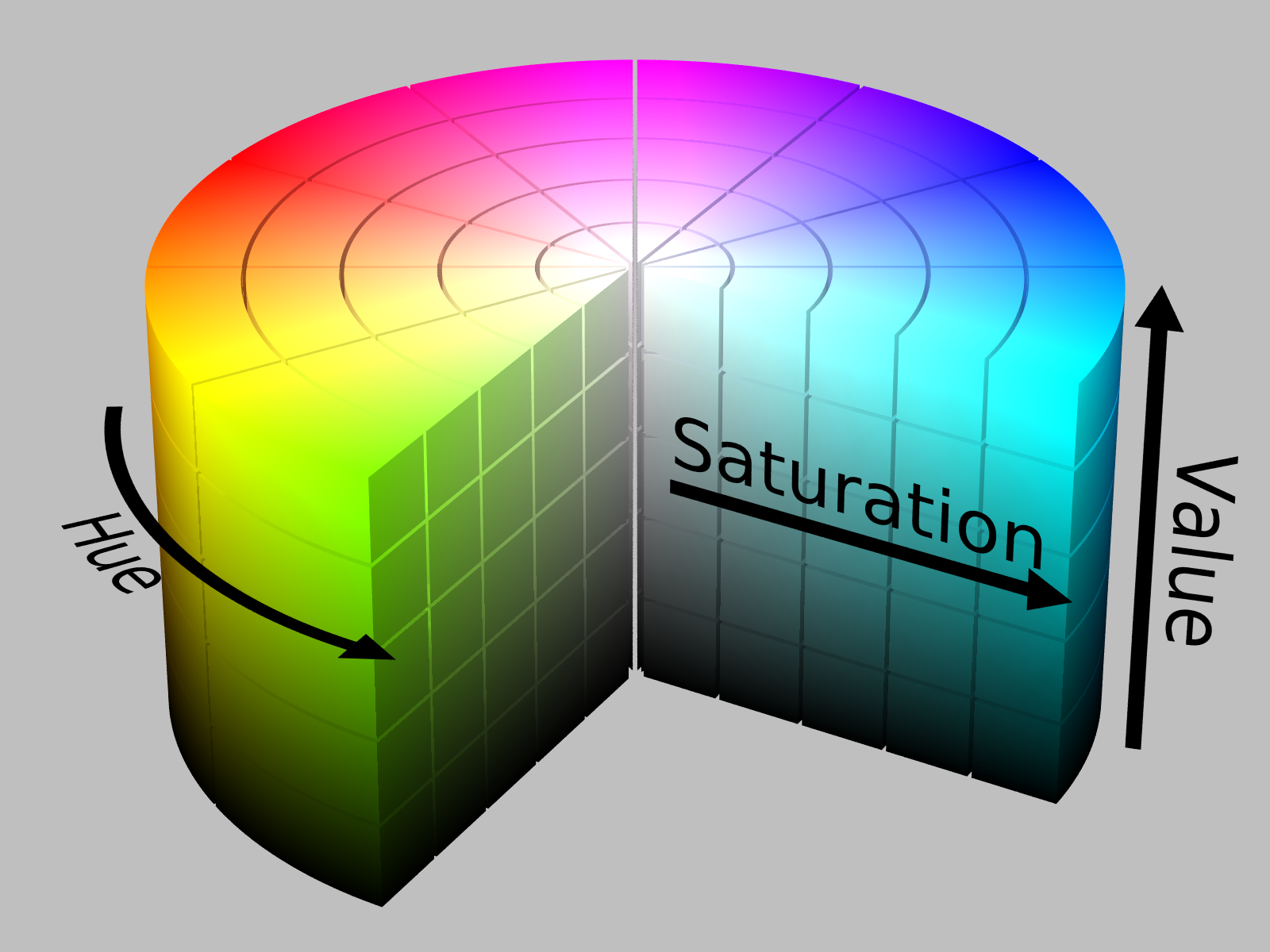
|||||| -

|||||||| ||||||

||||||||||||||||-

Podpowiedzi

W celu określenia jasności obrazka w danym punkcie skorzystaj z definicji kolorów HSV zamiast RGB. Kolory HSV, podobnie jak RGB są przechowywane w macierzy o 3 kanałach. Definicja każdego z kanałów można zobaczyć na poniższym rysunku:



Skala HSV

Konwersji koloru z macierzy RGB na macierz HSV można dokonać za pomocą funkcji ***rgb\_to\_hsv*** znajdującej się w bibliotece ***matplotlib.colors***. Kanał ***Value*** dla macierzy HSV jest określony jako trzeci(ostatni).