

統計遺伝学 集中講義日程

医学研究科附属ゲノム医学センター

平成17年9月26日-28日



9月26日(月): G棟2階セミナー室A

9月27日(火)28日(水): G棟2階セミナー室B

9月26日(月)14:00-16:00 本集中講義の内容の日本語によるオーバービュー 山田 亮

(a) 統計遺伝学の取り扱い範囲 (b) Dr. Ottによる統計学的思考に関する講義のためのイントロダクション (c) 疾患遺伝子探索と統計遺伝学 (d) 統計遺伝学講義を聴くための英日用語解説 (e) 連鎖不平衡マッピングの集団遺伝学的側面.

9月27日(火)13:00-15:00 遺伝統計学の基礎 Jurg Ott

(a) 統計学的思考. ランダム性と統計的推定と検定. 尤度・ベイズアプローチ. マルチプルテスト補正. "This is all very basic, so don't get frightened!" ...Jurg (b) メンデル遺伝. 質的形質と量的形質. 遺伝性の評価

9月27日(火) 15:00-17:00 遺伝子多型解析(1) Jurg Ott

(a) 連鎖解析. 家系解析. 罹患同胞対解析 とその諸相(罹患患者分布パターン、形質タイプ、発症年齢その他)

9月28日(水) 13:00-15:00 遺伝子多型解析(2) Jurg Ott

(a) 関連解析(連鎖不平衡解析)(ケース-コントロール解析、家系サンプル解析(TDT, FBAT). (b) 連鎖不平衡解析に関連する諸相(形質多様性と遺伝的多様性の関係. "Common trait, common variant" hypothesis.

9月28日(水) 15:00-17:00 統計遺伝学の展望 Jurg Ott

(a) 環境要因の組み込み(b)スタディの再現性 (c) 関連解析レポートに占める「真実」の割合(d) 科学者と疫学者の役割.