

生物系の数理科学 第3回

山口 諒

1 自然淘汰と対立遺伝子頻度ダイナミクス

1.1 遺伝子型と適応度の基本

1 遺伝子座 2 対立遺伝子のモデルを考えよう。ある遺伝子座における対立遺伝子を

$$A_1, \quad A_2$$

の 2 種類とし、その集団内頻度を

$$p = \text{freq}(A_1), \quad q = \text{freq}(A_2), \quad (p + q = 1)$$

と定義する。遺伝子型は

$$A_1A_1, \quad A_1A_2, \quad A_2A_2$$

の 3 種類が生じ、それぞれの適応度を次のように区別する。

1.1.1 絶対適応度と相対適応度

$$W_{11}, \quad W_{12}, \quad W_{22}$$

を**絶対適応度**と呼び、生存・繁殖に関する指標の実際の値を指す。例えば、ある遺伝子型の個体が生涯に残す子孫の数をイメージすると良い。一方、

$$w_{11} = \frac{W_{11}}{W_{11}}, \quad w_{12} = \frac{W_{12}}{W_{11}}, \quad w_{22} = \frac{W_{22}}{W_{11}}$$

のように、ある基準（たとえば最も高い適応度）で割った**相対適応度**を用いると、数理的な扱いが容易になる。ここでは W_{11} が最も高い適応度とした。

1.2 遺伝子型頻度と適応度の一覧表

以下の表は、ある世代における遺伝子型頻度と、それぞれの絶対適応度・相対適応度をまとめたものである。

Genotype	A_1A_1	A_1A_2	A_2A_2
Genotype frequency	p^2	$2pq$	q^2
Absolute fitness	W_{11}	W_{12}	W_{22}
Relative fitness	$w_{11} = \frac{W_{11}}{W_{11}} = 1$	$w_{12} = \frac{W_{12}}{W_{11}}$	$w_{22} = \frac{W_{22}}{W_{11}}$

上表の「Genotype frequency」は、ランダム交配下での遺伝子型の頻度を表す。

1.3 自然淘汰による次世代頻度の変化

世代の終わり（繁殖直前）において、各遺伝子型の**個体数**は

$$A_1A_1 : W_{11} (\text{総数} \times p^2), \quad A_1A_2 : W_{12} (\text{総数} \times 2pq), \quad A_2A_2 : W_{22} (\text{総数} \times q^2).$$

ただし「総数」は便宜的に $2N$ と考えられるが、以下では比率のみ扱うので省略することが多い。

集団全体の**平均適応度**を

$$\bar{W} = p^2 W_{11} + 2pq W_{12} + q^2 W_{22}$$

と定義する。これは「元の遺伝子型頻度 \times 適応度」を全遺伝子型で加算したものである。ここで、

$$\frac{1}{\bar{W}} (p^2 W_{11} + 2pq W_{12} + q^2 W_{22}) = 1$$

を満たすことから、選択後の**遺伝子型の相対頻度**は、それぞれ

$$A_1A_1 : \frac{p^2 W_{11}}{\bar{W}}, \quad A_1A_2 : \frac{2pq W_{12}}{\bar{W}}, \quad A_2A_2 : \frac{q^2 W_{22}}{\bar{W}}.$$

結果として、次世代における A_1 の頻度 p' は

$$p' = \frac{1}{2} \left(2 \cdot \frac{p^2 W_{11}}{\bar{W}} + 1 \cdot \frac{2pq W_{12}}{\bar{W}} \right) = \frac{p^2 W_{11} + pq W_{12}}{\bar{W}}.$$

1.4 Δp の導出

$$\Delta p = p' - p$$

の形で、 A_1 の頻度変化 Δp を詳しく計算してみよう。具体的には

$$p' = \frac{1}{\bar{W}} (p^2 W_{11} + pq W_{12}), \quad \bar{W} = p^2 W_{11} + 2pq W_{12} + q^2 W_{22}.$$

これらを展開すると、

$$\Delta p = \frac{p^2 W_{11} + pq W_{12}}{\bar{W}} - p = \frac{1}{\bar{W}} (p^2 W_{11} + pq W_{12} - p \bar{W}).$$

さらに \bar{W} の中身を代入すると、最終的に

$$\Delta p = \frac{pq}{\bar{W}} (p W_{11} + q W_{12} - (p W_{12} + q W_{22}))$$

といった形（さまざまな書き方がある）で整理できる。 Δp の符号が「 A_1 が増加か減少か」を判別する重要な指標となる。

1.5 平均適応度 \bar{W} の p による導関数

\bar{W} は p の多項式とみなすことができる。

$$\bar{W} = p^2 W_{11} + 2p(1-p)W_{12} + (1-p)^2 W_{22}.$$

このとき、両辺を p で微分して

$$\frac{d\bar{W}}{dp} = \frac{d}{dp} [p^2 W_{11} + 2p(1-p)W_{12} + (1-p)^2 W_{22}].$$

以下、上式を 1 項ずつ微分する。

$$\frac{d}{dp} [p^2 W_{11}] = 2p W_{11},$$

$$\frac{d}{dp} [2p(1-p)W_{12}] = 2W_{12} \frac{d}{dp} [p - p^2] = 2W_{12}(1 - 2p),$$

$$\frac{d}{dp} [(1-p)^2 W_{22}] = W_{22} \frac{d}{dp} [1 - 2p + p^2] = W_{22}(-2 + 2p).$$

ゆえに、

$$\frac{d\bar{W}}{dp} = 2p W_{11} + 2W_{12}(1 - 2p) + W_{22}(2p - 2).$$

1.6 Δp を導関数で書き表す

Δp の式に $\frac{d\bar{W}}{dp}$ を代入して、

$$\Delta p = \frac{p(1-p)}{2\bar{W}} \frac{d\bar{W}}{dp}$$

のような形で書ける。この式により、遺伝子頻度がわずかに変化したとき、平均適応度がどの程度変わるかを見ることができる。

1.7 優性・劣性（顕性・潜性）の表現

一般に、**不完全優勢（部分優性）**とは、ある対立遺伝子 A_1 が優性の効果を持つが、その効果が完全ではない（ヘテロ接合体が中間的な適応度）状況を指す。典型的なモデルとして

$$W_{11} = 1, \quad W_{12} = 1 - h s, \quad W_{22} = 1 - s,$$

がある。ここで

$$0 < h < 1, \quad s > 0.$$

- $h = 0$: A_1 が**完全優性**を示し、 $A_1 A_2$ (ヘテロ接合体) の適応度は $A_1 A_1$ と同じ 1 になる。
- $h = 1$: A_1 が劣性となる設定。
- $0 < h < 1$: ヘテロ接合体が中間の適応度を示すため、 A_1 の増加速度は**完全優性**より遅くなるが、それでも W_{11} が最大であれば長期的には A_1 が集団に固定する。

- $h < 0$: ヘテロ接合体が両方のホモ接合体よりも高い適応度を示す。超優勢 (overdominance)。ヘテロ接合体が安定的に高頻度を維持する。これは遺伝的多様性が保たれる進化的メカニズムの1つとして重要である。
- $h > 1$: ヘテロ接合体が両方のホモ接合体よりも低い適応度を示す。負の超優勢 (underdominance)。双安定。

上記の遺伝子型-適応度の関係性を用いて、 Δp を計算すると、下記の式に辿り着く。

$$\Delta p = \frac{pqs(ph + q(1 - h))}{\bar{W}}$$

ただし、平均適応度は

$$\bar{W} = 1 - 2pqhs - q^2s$$

である。さらに、 $q \approx 0$ の場合、

$$\Delta p \approx qhs$$

と近似できる。

ここで A_1 が突然変異によって A_2 に置き換わる率を u とおく。突然変異によって p が減少する量 $\Delta_u p$ は $\Delta_u p = -u$ であるから、平衡状態における A_1 の頻度は以下の式でバランスする。

$$0 = \Delta p + \Delta_u p \approx -u + qhs$$

A_2 の平衡状態における頻度は、

$$\hat{q} \approx \frac{u}{hs}$$