

Федеральное государственное бюджетное образовательное учреждение высшего образования «Московский государственный технический университет имени Н.Э. Баумана (национальный исследовательский университет)»

(МГТУ им. Н.Э. Баумана)

Факультет «Информатика и вычислительная техника» Кафедра ИУ5 «Системы обработки информации и управления»

Курс «Технологии машинного обучения»

Отчет по лабораторной работе №4

«Линейные модели, SVM и деревья решений»

Выполнил:

студент группы ИУ5-63Б

Рыбина А.Д.

Подпись и дата:

Проверил:

преподаватель каф.

ИУ5

Гапанюк Ю.Е.

Подпись и дата:

Москва, 2022 г.

Цель лабораторной работы

изучение линейных моделей, SVM и деревьев решений.

Описание задания

- 1. Выберите набор данных (датасет) для решения задачи классификации или регрессии.
- 2. В случае необходимости проведите удаление или заполнение пропусков и кодирование категориальных признаков.
- 3. С использованием метода train_test_split разделите выборку на обучающую и тестовую.
- 4. Обучите следующие модели:
 - одну из линейных моделей (линейную или полиномиальную регрессию при решении задачи регрессии, логистическую регрессию при решении задачи классификации);
 - SVM;
 - дерево решений.
- 5. Оцените качество моделей с помощью двух подходящих для задачи метрик. Сравните качество полученных моделей.
- 6. Постройте график, показывающий важность признаков в дереве решений.
- 7. Визуализируйте дерево решений или выведите правила дерева решений в текстовом виде.

Текст программы и результаты ее выполнение

```
Лабораторная работа №4. Линейные модели, SVM и деревья решений.
                                                 Задание
                                                        . Выберите набор данных (датасет) для решения задачи классификации или регрессии.
                                                      2. В случае необходимости проведите удаление или заполнение пропусков и кодирование категориальных признаков.
                                                      3. С использованием метода train test split разделите выборку на обучающую и тестовую.
                                                      4. Обучите следующие модели:

    о дну из линейных модели.
    • одну из линейных моделей (линейную или полиномиальную регрессию при решении задачи регрессии, логистическую регрессию при
решении задачи классификации);
    • SVM;

                                                             • дерево решений

    Оцените качество моделей с помощью двух подходящих для задачи метрик. Сравните качество полученных моделей.
    Постройте график, показывающий важность признаков в дереве решений.
    Визуализируйте дерево решений или выведите правила дерева решений в текстовом виде.

                          In [14]: from IPython.display import Image
                                                from IPython.display import Image import uny as np import pandas as pd from sklearn.model selection import train_test_split from sklearn.model selection import train_test_split from sklearn.datasets import load diabetes from sklearn.metrics import mean_absolute_error, r2_score from sklearn.linear_model import Lasso from sklearn.linear_model import MinMaxScaler from sklearn.swm import SVR from sklearn.swm import SVR from sklearn.tree import DecisionTreeRegressor import matplotlib.pyplot as plt hmmatplotlib inline sns.set(style="ticks")
                          In [15]: # 1.Формирование обучающей и тестовой выборки \operatorname{diab} = \operatorname{load\_diabetes}()
                                                diab_df.isnull().any().any()
                          Out[15]: False
           Out[16]:
                                       count 4.420000e+02 4.420000e+02
                                        mean -2.511817e-19 1.230790e-17 -2.245564e-16 -4.797570e-17 -1.381499e-17 3.918434e-17 -5.777179e-18 -9.042540e-18 9.293722e-17 1.130318e-17 152.13
                                     std 4.761905e-02 4
                                           min -1.072256e-01 -4.464164e-02 -9.027530e-02 -1.123988e-01 -1.267807e-01 -1.156131e-01 -1.023071e-01 -7.639450e-02 -1.260971e-01 -1.377672e-01 -25.00
                                     25% -3.729927e-02 -4.464164e-02 -3.422907e-02 -3.665608e-02 -3.424784e-02 -3.035840e-02 -3.511716e-02 -3.949338e-02 -3.324559e-02 -3.317903e-02 87.00
                                         50% 5.383060e-03 -4.464164e-02 -7.283766e-03 -5.670422e-03 -4.320866e-03 -3.819065e-03 -6.584468e-03 -2.592262e-03 -1.947171e-03 -1.077698e-03 140.50
                                     75% 3.807591e-02 5.068012e-02 3.124802e-02 3.564379e-02 2.835801e-02 2.984439e-02 2.931150e-02 3.430886e-02 3.243232e-02 2.791705e-02 21.50
                                         max 1.107267e-01 5.068012e-02 1.705552e-01 1.320436e-01 1.539137e-01 1.987880e-01 1.811791e-01 1.852344e-01 1.335973e-01 1.356118e-01 346.00
           In [17]:  \frac{\text{diab } X \text{ train, diab } X \text{ test, diab } y \text{ train, diab } y \text{ train, diab } y \text{ train, diab } x \text{ test_size=0.2, random_state=1)}  
           In [18]: # 2. Обучение линейной модели
reg = Lasso(alpha=0.3)
res = reg.fit(diab X train, diab_y_train)
res.coef_, res.intercept_
          151.85914486120444)
           In [19]: # Оценка
                                     r2 score(diab v test, res.predict(diab X test)), mean absolute error(diab v test, res.predict(diab X test))
           Out[19]: (0.4224494036251901, 43.950963695524834)
           In [20]: # 3. Обучение SVM (SVR)
# Масштабирование данных
sc = MinNaxScaler()
sc_data = sc.fit_transform(diab.data)
sc_data[0]
           # Обучение SVR
svr = SVR(kernel='poly')
svr.fit(diab_X_train1, diab_y_train1)
Out[21]: SVR(kernel='poly')
In [22]: # Оценка качества модели r2_score(diab_y_test1, svr.predict(diab_X_test1)), mean_absolute_error(diab_y_test1, svr.predict(diab_X_test1))
Out[22]: (0.4092880494475172, 45.28288000789277)
                       dtr = DecisionTreeRegressor(max_depth=5, criterion='poisson')
dtr.fit(diab_X_train, diab_y_train)
Out[23]: DecisionTreeRegressor(criterion='poisson', max_depth=5)
In [24]: \# 0Ценка качества модели r_2score(diab_y_test, dtr.predict(diab_X_test)), mean_absolute_error(diab_y_test, dtr.predict(diab_X_test))
Out[24]: (0.08654337289278313, 59.64016853932585)
```

```
In [25]: from operator import itemgetter
                  def draw_feature_importances(tree_model, X_dataset, figsize=(18,5)):
                          Вывод важности признаков в виде графика
                         # Copruposka значений важности признаков в виде графика

# Copruposka значений важности признаков по убыванию
list to sort = list(zip(X dataset.columns.values, tree_model.feature_importances_))
sorted list = sorted(list to sort, key=itemgetter(1), reverse = True)
# HasBahnor npupshakos
labels = [x for x, in sorted_list]
# Важности признаков
data = [x for _x in sorted_list]
# Вывод графика
# Вывод графика
plt.sutplots(figsize=figsize)
ind = np.arange(len(labels))
plt.bar(ind, data)
plt.xticks(ind, labels, rotation='vertical')
# Вывод значений
for a,b in zip(ind, data)
plt.text(a-0.05, b+0.01, str(round(b,3)))
plt.show()
return labels, data
                  draw_feature_importances(dtr, diab_df)
                                            0.618
                     0.4
                     0.3
                     0.2
                     0.1
 0.0,
0.0,
0.0,
0.0,
0.0,
  In [26]: from io import StringIO from sklearn.tree import export_graphviz import pydotplus
                    Image(get_png_tree(dtr, diab_df[diab['feature_names']].columns), height='70%')
    Out[26]:
                                                                                                                   s3 ≤ -0.1
poisson = 20.13
samples = 353
value = 153.377
                                                                                                                                    s6 ≤ 0.129
poisson = 19.945
samples = 352
value = 152.844
                                                                                                                   bmi ≤ 0.101
poisson = 19.594
samples = 347
value = 151.023
                                                                                   bmi ≤ 0.097
poisson = 18.864
samples = 337
value = 147.359
                                                  bmi ≤ 0.095
poisson = 18.789
samples = 336
value = 146.979
```