Projektowanie Efektywnych Algorytmów

Implementacja i analiza efektywności Algorytmu Genetycznego dla problemu komiwojażera

Autorzy: Sebastian Łągiewski 226173 Łukasz Zatorski 226172

Prowadzący : mgr inż. Radosław Idzikowski

Wydział Elektroniki III rok

19 stycznia 2018

Spis treści

1	Opis algorytmu	2
2	Plan eksperymentu	3
		3
	2.2 Dobór parametrów	3
3	Wyniki	4
	3.1 Wpływ rozmiaru populacji na działanie algorytmu	4
	3.2 Wpływ rozmiaru populacji macierzystej na działanie algorytmu	5
	3.3 Wpływ rozmiaru turnieju na działanie algorytmu	
	3.4 Wpływ prawdopodobieństwa wystąpienia mutacji na działanie algorytmu	7
	3.4.1 Mutacja Invert	7
	3.4.2 Mutacja Swap	8
4	Podsumowanie	9

1 Opis algorytmu

Algorytm genetyczny to rodzaj heurystyki przeszukującej przestrzeń rozwiązań problemu w celu wyszukania rozwiązania optymalnego. Problem definiuje środowisko, w którym istnieje pewna populacja osobników. Każdy z osobników ma przypisany pewien zbiór informacji stanowiących jego genotyp, czyli konkretne rozwiązanie.

Pierwszym wymaganiem algorytmu genetycznego jest utworzenie populacji początkowej (losowego zbioru rozwiązań). Następnie N razy odbywa się selekcja, gdzie N oznacza rozmiar populacji rodzicielskiej - zaimplementowano wersję turniejową. W każdym turnieju bierze udział Q osobników, gdzie Q - rozmiar turnieju. W wyniku takiej selekcji otrzymujemy populację rodzicielską - grupę osobników, które będą poddawane krzyżowaniu - w zaimplementowanym algorytmi użyto operatora OX. Po skrzyżowaniu, każdy osobnik z określonym prawdopodobieństwem Pm może podlegać mutacji, czyli losowemu zdeformowaniu rozwiązania. W opisywanym algorytmie zaimplementowano dwie metody krzyżowania - swap oraz invert. Warunkiem zakończenia algorytmu jest upływ określonego czasu.

2 Plan eksperymentu

2.1 Główne założenia

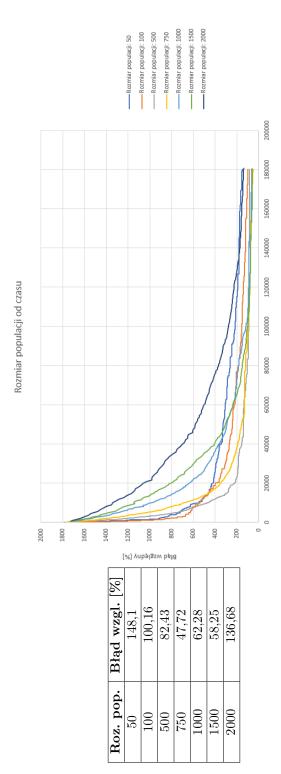
- Pomiar czasu został wykonany za pomocą klasy StopWatch(QueryPerformanceCounter).
- Do reprezentacji odległości między miastami użyto macierzy sąsiedztwa.
- Dla każdego z typów pomiaru algorytm wykonywany był 30 razy, wyniki uśredniono.
- Do przechowywania obecnej populacji użyto List o zadeklarowanej stałej wielkości.

2.2 Dobór parametrów

- Dla badań w zależności od rozmiaru populacji wybrano wartości: < 50, 100, 500, 750, 1000, 1500, 2000 >, dla rozmiaru populacji macierzystej rozmPopulacji/2, rozmiaru turnieju = 20, oraz prawdopodobieństwu mutacji = 1%, przy ilości miast = 226.
- Dla badań w zależności od rozmiaru populacji macierzystej wybrano wartości: < 100, 250, 500, 750 >, dla rozmiaru populacji = 1000, rozmiaru turnieju = 20, oraz prawdopodobieństwu mutacji = 1%, przy ilości miast = 403.
- Dla badań w zależności od rozmiaru turnieju wybrano wartości: <2, 5, 10, 20, 50, 100, 500>, dla rozmiaru populacji = 1000, dla rozmiaru populacji macierzystej = 500, oraz prawdopodobieństwu mutacji = 1%, przy ilości miast = 403.

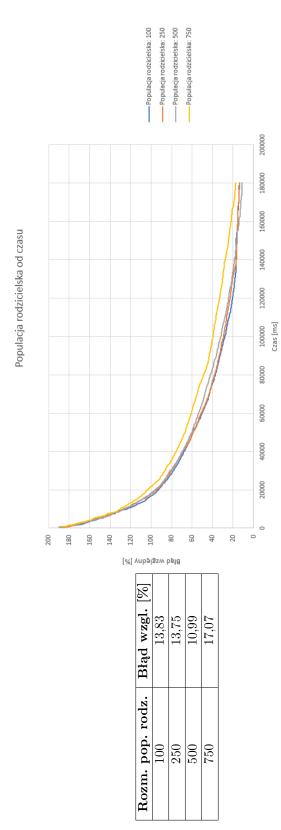
3 Wyniki

3.1 Wpływ rozmiaru populacji na działanie algorytmu



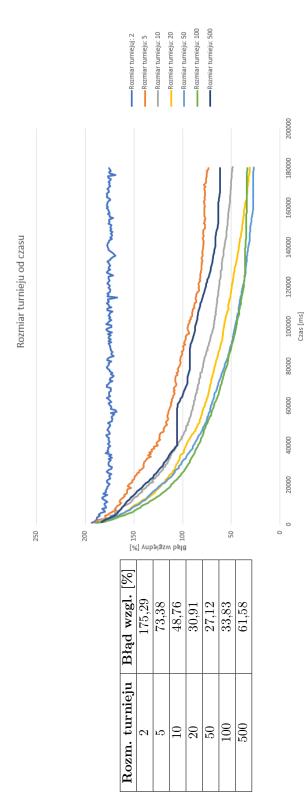
Rysunek 1: Wpływ rozmiaru populacji na jakość rozwiązania z biegiem czasu. Badania przeprowadzono dla instancji pr226.

3.2 Wpływ rozmiaru populacji macierzystej na działanie algorytmu



Rysunek 2: Wpływ rozmiaru populacji macierzystej na jakość rozwiązania z biegiem czasu. Badania przeprowadzono dla instancji rbg403.

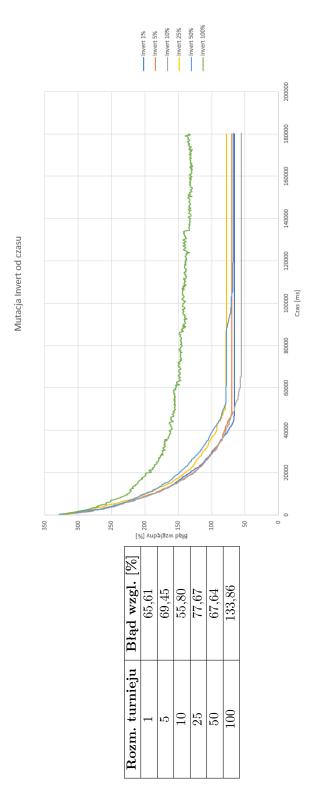
3.3 Wpływ rozmiaru turnieju na działanie algorytmu



Rysunek 3: Wpływ rozmiaru turnieju na jakość rozwiązania z biegiem czasu. Badania przeprowadzono dla instancji rbg403.

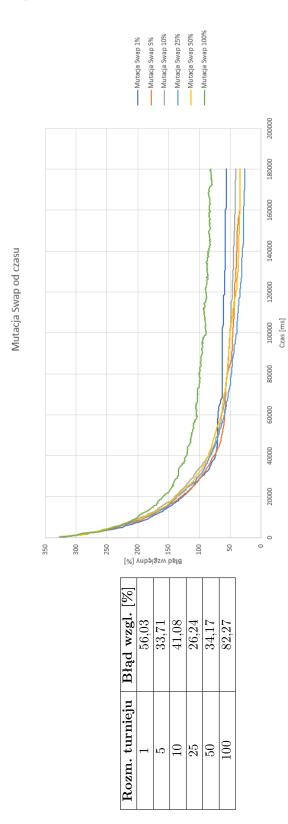
3.4~ Wpływ prawdopodobieństwa wystąpienia mutacji na działanie algorytmu

3.4.1 Mutacja Invert



Rysunek 4: Wpływ prawdopodobieństwa wystąpienia mutacji typu *invert* na jakość rozwiązania z biegiem czasu. Badania przeprowadzono dla instancji rbg323.

3.4.2 Mutacja Swap



Rysunek 5: Wpływ prawdopodobieństwa wystąpienia mutacji typu swap na jakość rozwiązania z biegiem czasu. Badania przeprowadzono dla instancji rbg323.

4 Podsumowanie

Na podstawie uzyskanych wyników można stwierdzić, iż Algorytm~Genetyczny z powodzeniem można wykorzystać jako metodę rozwiązywania TSP. Nie odbywa się to jednak bez wad: wyniki uzyskane za pomocą tego algorytmu zależą w znacznym stopniu od parametrów(pkt.~2.2), jakie zostały dobrane dla danej instancji problemu. Odpowiednie ich wyselekcjonowanie może doprowadzić do uzyskania zadowlających rezultatów - poniżej poziomu 30% błędu względnego. Istnieje także, katastrofalne w skutkach, ryzyko doboru złych parametrów - w takim przypadku błąd względny może siegać nawet kilku tysięcy %.

W przeprowadzanych badaniach można zauważyć jak poszczególne parametry wpływają na jakość uzyskanego rozwiązania. Na podstawie otrzymanych wyników wyciągnieto następujące wnioski: rozmiar populacji powinien wynosić ok. 3*rozmiarInstancji, rozmiar populacji macierzystej powinien wynosić połowę rozmiaru populacji, a rozmiar turnieju (jeśli instancja na to pozwala) daje najlepsze wyniki dla współczynnika ok. 1/20 * rozmiar populacji. Mutacja invert, z racji swojej inwazyjności, nie powinna być używana na więcej niż 10% osobników z danej populacji.