Idade	Estágio	Morfo	Kidscore	t2	t3	t4	t5	t8	tSC	tSB	tB	cc2 (t3-t2)	cc3 (t5-t3)
39	D6	5BB		28,5	40,9	41,7	58,5	60,2	99	107,6	124,9	12,4	17,6
38	D5	3BB	5,3	22,5	34,9	36,8	50,1	71,1	100,8	108,8	114,9	12,4	15,2
43	D5	2BB	4,9	25,5	36,3	37,1	50,7	55,1	102,4	107,6	118,8	10,8	14,4
43	D5	3AA	8,7	23,2	33,8	34,5	46,1	49,2	81,1	92,1	99,8	10,6	12,3
43	D5	3BB	5,3	25,9	36,2	36,8	50,1	52,2	104,3	106,7	114,9	10,3	13,9
43	D5	5AA	9,2	24,1	34	34,2	45,9	58,2	76,5	90,2	95,9	9,9	11,9
44	D5	5AA	8,5	22,8	33,1	33,3	46,3	48,5	82,1	88,8	100,8	10,3	13,2
44	D5	5AA	7,4	22	33,3	33,6	47,9	49,6	93,3	102,1	109,1	11,3	14,6
44	D5	4BB	5	23,1	33,8	34,6	46,1	54	91,5	105,9	118,6	10,7	12,3
40	D5	4BB	7,5	22,3	31,8	31,8	44,3	45,2	80,7	88,9	95,5	9,5	12,5
40	D5	3BB	5,5	27,5	38,5	39,9	53,6	57,9	93,8	99,8	112	11	15,1
39	D6	3BB	4,6	27,5	41,2	41,4	56,1	58,1	98,2	112,5	123,9	13,7	14,9
39	D6	3CC	1,8	26,3	36,1	37	37,1	52,9	95,3	114,1	132,8	9,8	1
39	D5	3AA	7,5	24,9	36	37,8	50,8	53,3	88,7	98,1	108	11,1	14,8
39	D6	2BB	4,3	25,1	37,1	37,3	50,8	74,6	113,1	121,2	126,2	12	13,7
39	D5	3AB	6,3	28,3	39,5	40	51,7	69,8	79,7	100,6	100,7	11,2	12,2
39	D5	3BC	4,1	24,2	35,3	35,8	49,4	54,7	95,8	104,9	114,1	11,1	14,1
40	D5	2AB	4,6	28,3	40,2	40,4	55	55,9	88,8	111,2	122,5	11,9	14,8
40	D5	4AB	6	26,5	37,4	37,6	50,3	53,7	92,3	97,1	108,9	10,9	12,9
40	D6	3CC	2	27,7	41,7	41,9	57,7	60,3	105	112,1	133,4	14	16
39	D6	3BB	3,7	23,7	34	34,8	64,7		77	85,7	91,8	10,3	30,7
43	D5	3BC	4,9	23,2	33,5	33,6	45,3	53,8	68	96,5	106,4	10,3	11,8
43	D5	3BC	5	24,5	35,6	35,9	48,9	65	72	90,1	105,5	11,1	13,3
43	D5	3AB	6,8	24,8	36,2	36,2	49,6	51,5	89,1	97,5	102	11,4	13,4
43	D5	3BB	6,5	27,1	37,8	38	50	52,8	78,4	96,3	105	10,7	12,2
40	D5	3BB	0	28,5	40,4	40,9	55,5	59,6	85	93,2	98	11,9	15,1
39	D5	3BC	4,6	28,3	41,2	42	42	87,4	104,5	113,7	117,5	12,9	0,8
37	D6	3AB	5,2	34	47,7	48,1	70,2	77,8	96,3	107,5	113,7	13,7	22,5
40	D5	3AA	7,6	31,4	43,8	44	58,6	61,8	69,5	100,3	109	12,4	14,8
40	D5	3BB	5,7	23,7	34,3	36,6	49,1	50,7	89,5	101,3	110,4	10,6	14,8
39	D6	3BB	4,6	28,4	41,4	41,5	54,8	57,1	98,9	113,4	127,3	13	13,4
39	D5	4AB	8	23,1	33	33,1	43,5	45,6	71,6	83,8	93,3	9,9	10,5
39	D5	3BB	6,7	27,9	38,8	39,3	51	67,8	87,8	92,2	103,8	10,9	12,2
43	D5	3BC	4,5	24,2	34,4	35,1	45,8	47,1	80,9	100,2	111,5	10,2	11,4
43	D6	3BC	2,6	26,3	28,2	38,6	39,8	55,6	100,2	111,3	124,9	1,9	11,6
39	D6	3AC	2,6	25	39,8	42,3	53	54,4	88,9	127,7	138,1	14,8	13,2
39	D5	3BB	6,4	24,6	36,3	36,7	49,6	53,2	81,6	99,8	106,2	11,7	13,3
40	D6	4BB	0	24,7	37,1	37,1	49,1	50,1	113,9	120	134,5	12,4	12
37	D6	3CC	3	23,8	33,8	34,3	44,6	46	96,8	102,7	112,5	10	10,8
39	D5	4AA	8,6	22,6	33	34,5	43,2	47,6	88,5	96,1	102,5	10,4	10,2
39	D5	3AB	6,1	23	33,4	33,6	48,8	49,6	86,3	94,1	106,5	10,4	15,4
39	D5	3CB	3,4	26	37,4	37,4	37,5	59,5	85,6	101,4	112,3	11,4	0,1

39	D6	3CC	4,3	26,4	28,5	38,1	39,1	55	91,4	98,6	114,5	2,1	10,6
39	D6	5BC	3,1	25,6	37,6	37,6	51,5	58	106,1	118,5	129	12	13,9
40	D5	3BB	5	23,4	35,2	35,7	49,9	57,4	101,6	114,9	118,4	11,8	14,7
39	D5	3BC	4,6	23,5	33,6	35,2	49,7	61,9	88,1	94,4	107	10,1	16,1
39	D5	3BB	5,4	25,5	37,9	38,5	53	56,9	98	109,7	114,1	12,4	15,1
28	D5	3BB	4,4	24,7	37	37	37,1	51,3	73,2	113,9	118,7	12,3	0,1
28	D5	3AB	5,8	23,5	36,6	37,5	49,6	57,6	89,7	107,4	113	13,1	13
28	D5	5AB	6,7	24,2	36,8	37,6	49,7	51,8	77,3	98,8	104,1	12,6	12,9
28	D5	3BC	3,5	25,2	38,1	38,3	39,1	56,1	88,5	104,7	118,2	12,9	1
39	D5	3AA	8,2	24,4	35,7	36,2	46,5	49,8	92,2	96,9	105,8	11,3	10,8
39	D5	3BB	6,1	25,3	35	35,3	36,5	47,4	86,7	96,2	104	9,7	1,5
39	D6	3BC	4,2	25,8	36,8	37	37,8	52,4	91,6	98,4	108,6	11	1
39	D6	3BC	3,3	27,8	39,1	40,7	40,8	53,1	91,6	105,1	121,3	11,3	1,7
37	D5	5AA	8	20,4	23	31,2	33,2	45,7	79,3	88,4	95,8	2,6	10,2
37	D5	5AB	6,9	24,2	34,5	41	47,1	55,1	78,1	94,6	101,1	10,3	12,6
37	D5	3BB	5,8	21,9	23,7	31,2	32,4	49	82,4	89,7	99,5	1,8	8,7
37	D5	3BC	4,3	19,6	22,1	31,3	31,6	50	84,9	97,4	102,5	2,5	9,5
37	D5	5AA	8,8	20,8	30,6	30,8	32,7	44,6	80,3	87,2	95,2	9,8	2,1
37	D5	5BC	5,6	21,9	32,1	32,5	32,7	56,7	71,5	88,2	94,3	10,2	0,6
40	D5	5AA	9,2	24,6	34,6	34,6	46,5	58,8	82,4	87,8	95,4	10	11,9
38	D5	4AA	8,4	26,8	38,6	39	51,1	53,3	91,7	97	102,9	11,8	12,5
38	D5	4AB	5,8	21,2	31,4	31,4	31,6	45,9	86,6	96,8	105	10,2	0,2
38	D5	3BC	3,6	31,2	42,4	42,8	60	84	101,6	108,4	112,6	11,2	17,6
38	D5	3AB	5,6	23,5	37,4	38,1	49,7	53,4	85,5	104,3	113,8	13,9	12,3
38	D5	3BB	4,7	26,6	41	41,5	53,2	56,2	101,3	117,9	122,7	14,4	12,2
38	D5	3AA	9	23,8	32,5	35,5	49,3	52	82,3	92,3	97,2	8,7	16,8
38	D5	3BB	5	26,9	39,6	40,6	53,9	64,9	105,8	110,7	119,1	12,7	14,3
44	D4	5AA	9,7	19,9	29,7	29,8	40,6	46,1	71,8	81	86,1	9,8	10,9
44	D5	5AB	5,7	21,2	32	32,6	43,5	45,8	91,2	98,7	112,6	10,8	11,5
40	D5	5BB	4,9	27,3	27,3	41,4	42	61,5	85,6	93,3	101,8	0	14,7
37	D5	3AB	4	29,5	29,7	40	40,1	53,6	87	101,1	111,5	0,2	10,4
37	D5	3AB	5,8	27,2	39,8	40,5	52,8	55,7	84,4	100,8	112,2	12,6	13
37	D5	3BB	5,4	26	37,3	39,7	39,8	57,1	96,2	102,7	111,2	11,3	2,5
39	D5	4AB	7,6	24,3	34,1	34,3	44,5	46	84	90,7	96,5	9,8	10,4
39	D6	2BB	3,7	26,4	38,8	39,3	53,9	61,6	112,1	125,3	132,6	12,4	15,1
39	D5	3BB	5,7	30,4	42,1	42,5	42,8	55,8	95,2	102,1	106,8	11,7	0,7
39	D5	3AA	7,6	26,7	38,8	39	50,7	53,8	89,2	106,6	110,1	12,1	11,9
39	D5	3AB	6,3	28,3	39,3	39,5	51	51,9	93,5	98,3	107,6	11	11,7
39	D5	3AA	8,6	24,4	36,5	36,7	48,7	49,8	91,3	96,9	102,1	12,1	12,2
39	D5	3AA	8	24,6	36,3	36,6	51,1	61,9	87	94	104,9	11,7	14,8
43	D5	3BA	7,4	28,4	39,4	39,7	39,9	56,2	94,3	100,5	104,5	11	0,5
39	D5	3BB	5,1	26,8	36,8	37,8	45,7	59,7	96,8	101,8	119,1	10	8,9

t5-t2	s2 (t4-t3)	s3 (t8-t5)	tSC-t8	tB-tSB	Ploidia
30	0,8	1,7	38,8	17,3	Aneuplóide
27,6	1,9	21	29,7	6,1	Aneuplóide
25,2	0,8	4,4	47,3	11,2	Aneuplóide
22,9	0,7	3,1	31,9	7,7	Aneuplóide
24,2	0,6	2,1	52,1	8,2	Aneuplóide
21,8	0,2	12,3	18,3	5,7	Aneuplóide
23,5	0,2	2,2	33,6	12	Aneuplóide
25,9	0,3	1,7	43,7	7	Aneuplóide
23	0,8	7,9	37,5	12,7	Aneuplóide
22	0	0,9	35,5	6,6	Aneuplóide
26,1	1,4	4,3	35,9	12,2	Aneuplóide
28,6	0,2	2	40,1	11,4	Aneuplóide
10,8	0,9	15,8	42,4	18,7	Aneuplóide
25,9	1,8	2,5	35,4	9,9	Aneuplóide
25,7	0,2	23,8	38,5	5	Aneuplóide
23,4	0,5	18,1	9,9	0,1	Aneuplóide
25,2	0,5	5,3	41,1	9,2	Aneuplóide
26,7	0,2	0,9	32,9	11,3	Aneuplóide
23,8	0,2	3,4	38,6	11,8	Aneuplóide
30	0,2	2,6	44,7	21,3	Aneuplóide
41	0,8			6,1	Aneuplóide
22,1	0,1	8,5	14,2	9,9	Aneuplóide
24,4	0,3	16,1	7	15,4	Aneuplóide
24,8	0	1,9	37,6	4,5	Aneuplóide
22,9	0,2	2,8	25,6	8,7	Aneuplóide
27	0,5	4,1	25,4	4,8	Aneuplóide
13,7	0,8	45,4	17,1	3,8	Aneuplóide
36,2	0,4	7,6	18,5	6,2	Aneuplóide
27,2	0,2	3,2	7,7	8,7	Aneuplóide
25,4	2,3	1,6	38,8	9,1	Aneuplóide
26,4	0,1	2,3	41,8	13,9	Aneuplóide
20,4	0,1	2,1	26	9,5	Aneuplóide
23,1	0,5	16,8	20	11,6	Aneuplóide
21,6	0,7	1,3	33,8	11,3	Aneuplóide
13,5	10,4	15,8	44,6	13,6	Aneuplóide
28	2,5	1,4	34,5	10,4	Aneuplóide
25	0,4	3,6	28,4	6,4	Aneuplóide
24,4	0	1	63,8	14,5	Aneuplóide
20,8	0,5	1,4	50,8	9,8	Aneuplóide
20,6	1,5	4,4	40,9	6,4	Aneuplóide
25,8	0,2	0,8	36,7	12,4	Aneuplóide
11,5	0	22	26,1	10,9	Aneuplóide

12,7	9,6	15,9	36,4	15,9	Aneuplóide
25,9	0	6,5	48,1	10,5	Euplóide
26,5	0,5	7,5	44,2	3,5	Euplóide
26,2	1,6	12,2	26,2	12,6	Euplóide
27,5	0,6	3,9	41,1	4,4	Euplóide
12,4	0	14,2	21,9	4,8	Euplóide
26,1	0,9	8	32,1	5,6	Euplóide
25,5	0,8	2,1	25,5	5,3	Euplóide
13,9	0,2	17	32,4	13,5	Euplóide
22,1	0,5	3,3	42,4	8,9	Euplóide
11,2	0,3	10,9	39,3	7,8	Euplóide
12	0,2	14,6	39,2	10,2	Euplóide
13	1,6	12,3	38,5	16,2	Euplóide
12,8	8,2	12,5	33,6	7,4	Euplóide
22,9	6,5	8	23	6,5	Euplóide
10,5	7,5	16,6	33,4	9,8	Euplóide
12	9,2	18,4	34,9	5,1	Euplóide
11,9	0,2	11,9	35,7	8	Euplóide
10,8	0,4	24	14,8	6,1	Euplóide
21,9	0	12,3	23,6	7,6	Euplóide
24,3	0,4	2,2	38,4	5,9	Euplóide
10,4	0	14,3	40,7	8,2	Euplóide
28,8	0,4	24	17,6	4,2	Euplóide
26,2	0,7	3,7	32,1	9,5	Euplóide
26,6	0,5	3	45,1	4,8	Euplóide
25,5	3	2,7	30,3	4,9	Euplóide
27	1	11	40,9	8,4	Euplóide
20,7	0,1	5,5	25,7	5,1	Euplóide
22,3	0,6	2,3	45,4	13,9	Euplóide
14,7	14,1	19,5	24,1	8,5	Euplóide
10,6	10,3	13,5	33,4	10,4	Euplóide
25,6	0,7	2,9	28,7	11,4	Euplóide
13,8	2,4	17,3	39,1	8,5	Euplóide
20,2	0,2	1,5	38	5,8	Euplóide
27,5	0,5	7,7	50,5	7,3	Euplóide
12,4	0,4	13	39,4	4,7	Euplóide
24	0,2	3,1	35,4	3,5	Euplóide
22,7	0,2	0,9	41,6	9,3	Euplóide
24,3	0,2	1,1	41,5	5,2	Euplóide
26,5	0,3	10,8	25,1	10,9	Euplóide
11,5	0,3	16,3	38,1	4	Euplóide
18,9	1	14	37,1	17,3	Euplóide