

Idade	Estágio	Morfo	Kidscore	t2	t3	t4	t5	t8	tSC	tSB	tB	cc2 (t3-t2)	cc3 (t5-t3)
39	D6	5BB		28,5	40,9	41,7	58,5	60,2	99	107,6	124,9	12,4	17,6
38	D5	3BB	5,3	22,5	34,9	36,8	50,1	71,1	100,8	108,8	114,9	12,4	15,2
43	D5	2BB	4,9	25,5	36,3	37,1	50,7	55,1	102,4	107,6	118,8	10,8	14,4
43	D5	3AA	8,7	23,2	33,8	34,5	46,1	49,2	81,1	92,1	99,8	10,6	12,3
43	D5	3BB	5,3	25,9	36,2	36,8	50,1	52,2	104,3	106,7	114,9	10,3	13,9
43	D5	5AA	9,2	24,1	34	34,2	45,9	58,2	76,5	90,2	95,9	9,9	11,9
44	D5	5AA	8,5	22,8	33,1	33,3	46,3	48,5	82,1	88,8	100,8	10,3	13,2
44	D5	5AA	7,4	22	33,3	33,6	47,9	49,6	93,3	102,1	109,1	11,3	14,6
44	D5	4BB	5	23,1	33,8	34,6	46,1	54	91,5	105,9	118,6	10,7	12,3
40	D5	4BB	7,5	22,3	31,8	31,8	44,3	45,2	80,7	88,9	95,5	9,5	12,5
40	D5	3BB	5,5	27,5	38,5	39,9	53,6	57,9	93,8	99,8	112	11	15,1
39	D6	3BB	4,6	27,5	41,2	41,4	56,1	58,1	98,2	112,5	123,9	13,7	14,9
39	D6	3CC	1,8	26,3	36,1	37	37,1	52,9	95,3	114,1	132,8	9,8	1
39	D5	3AA	7,5	24,9	36	37,8	50,8	53,3	88,7	98,1	108	11,1	14,8
39	D6	2BB	4,3	25,1	37,1	37,3	50,8	74,6	113,1	121,2	126,2	12	13,7
39	D5	3AB	6,3	28,3	39,5	40	51,7	69,8	79,7	100,6	100,7	11,2	12,2
39	D5	3BC	4,1	24,2	35,3	35,8	49,4	54,7	95,8	104,9	114,1	11,1	14,1
40	D5	2AB	4,6	28,3	40,2	40,4	55	55,9	88,8	111,2	122,5	11,9	14,8
40	D5	4AB	6	26,5	37,4	37,6	50,3	53,7	92,3	97,1	108,9	10,9	12,9
40	D6	3CC	2	27,7	41,7	41,9	57,7	60,3	105	112,1	133,4	14	16
39	D6	3BB	3,7	23,7	34	34,8	64,7		77	85,7	91,8	10,3	30,7
43	D5	3BC	4,9	23,2	33,5	33,6	45,3	53,8	68	96,5	106,4	10,3	11,8
43	D5	3BC	5	24,5	35,6	35,9	48,9	65	72	90,1	105,5	11,1	13,3
43	D5	3AB	6,8	24,8	36,2	36,2	49,6	51,5	89,1	97,5	102	11,4	13,4
43	D5	3BB	6,5	27,1	37,8	38	50	52,8	78,4	96,3	105	10,7	12,2
40	D5	3BB	0	28,5	40,4	40,9	55,5	59,6	85	93,2	98	11,9	15,1
39	D5	3BC	4,6	28,3	41,2	42	42	87,4	104,5	113,7	117,5	12,9	0,8
37	D6	3AB	5,2	34	47,7	48,1	70,2	77,8	96,3	107,5	113,7	13,7	22,5
40	D5	3AA	7,6	31,4	43,8	44	58,6	61,8	69,5	100,3	109	12,4	14,8
40	D5	3BB	5,7	23,7	34,3	36,6	49,1	50,7	89,5	101,3	110,4	10,6	14,8
39	D6	3BB	4,6	28,4	41,4	41,5	54,8	57,1	98,9	113,4	127,3	13	13,4
39	D5	4AB	8	23,1	33	33,1	43,5	45,6	71,6	83,8	93,3	9,9	10,5
39	D5	3BB	6,7	27,9	38,8	39,3	51	67,8	87,8	92,2	103,8	10,9	12,2
43	D5	3BC	4,5	24,2	34,4	35,1	45,8	47,1	80,9	100,2	111,5	10,2	11,4
43	D6	3BC	2,6	26,3	28,2	38,6	39,8	55,6	100,2	111,3	124,9	1,9	11,6
39	D6	3AC	2,6	25	39,8	42,3	53	54,4	88,9	127,7	138,1	14,8	13,2
39	D5	3BB	6,4	24,6	36,3	36,7	49,6	53,2	81,6	99,8	106,2	11,7	13,3
40	D6	4BB	0	24,7	37,1	37,1	49,1	50,1	113,9	120	134,5	12,4	12
37	D6	3CC	3	23,8	33,8	34,3	44,6	46	96,8	102,7	112,5	10	10,8
39	D5	4AA	8,6	22,6	33	34,5	43,2	47,6	88,5	96,1	102,5	10,4	10,2
39	D5	3AB	6,1	23	33,4	33,6	48,8	49,6	86,3	94,1	106,5	10,4	15,4
39	D5	3CB	3,4	26	37,4	37,4	37,5	59,5	85,6	101,4	112,3	11,4	0,1

39	D6	3CC	4,3	26,4	28,5	38,1	39,1	55	91,4	98,6	114,5	2,1	10,6
39	D6	5BC	3,1	25,6	37,6	37,6	51,5	58	106,1	118,5	129	12	13,9
40	D5	3BB	5	23,4	35,2	35,7	49,9	57,4	101,6	114,9	118,4	11,8	14,7
39	D5	3BC	4,6	23,5	33,6	35,2	49,7	61,9	88,1	94,4	107	10,1	16,1
39	D5	3BB	5,4	25,5	37,9	38,5	53	56,9	98	109,7	114,1	12,4	15,1
28	D5	3BB	4,4	24,7	37	37	37,1	51,3	73,2	113,9	118,7	12,3	0,1
28	D5	3AB	5,8	23,5	36,6	37,5	49,6	57,6	89,7	107,4	113	13,1	13
28	D5	5AB	6,7	24,2	36,8	37,6	49,7	51,8	77,3	98,8	104,1	12,6	12,9
28	D5	3BC	3,5	25,2	38,1	38,3	39,1	56,1	88,5	104,7	118,2	12,9	1
39	D5	3AA	8,2	24,4	35,7	36,2	46,5	49,8	92,2	96,9	105,8	11,3	10,8
39	D5	3BB	6,1	25,3	35	35,3	36,5	47,4	86,7	96,2	104	9,7	1,5
39	D6	3BC	4,2	25,8	36,8	37	37,8	52,4	91,6	98,4	108,6	11	1
39	D6	3BC	3,3	27,8	39,1	40,7	40,8	53,1	91,6	105,1	121,3	11,3	1,7
37	D5	5AA	8	20,4	23	31,2	33,2	45,7	79,3	88,4	95,8	2,6	10,2
37	D5	5AB	6,9	24,2	34,5	41	47,1	55,1	78,1	94,6	101,1	10,3	12,6
37	D5	3BB	5,8	21,9	23,7	31,2	32,4	49	82,4	89,7	99,5	1,8	8,7
37	D5	3BC	4,3	19,6	22,1	31,3	31,6	50	84,9	97,4	102,5	2,5	9,5
37	D5	5AA	8,8	20,8	30,6	30,8	32,7	44,6	80,3	87,2	95,2	9,8	2,1
37	D5	5BC	5,6	21,9	32,1	32,5	32,7	56,7	71,5	88,2	94,3	10,2	0,6
40	D5	5AA	9,2	24,6	34,6	34,6	46,5	58,8	82,4	87,8	95,4	10	11,9
38	D5	4AA	8,4	26,8	38,6	39	51,1	53,3	91,7	97	102,9	11,8	12,5
38	D5	4AB	5,8	21,2	31,4	31,4	31,6	45,9	86,6	96,8	105	10,2	0,2
38	D5	3BC	3,6	31,2	42,4	42,8	60	84	101,6	108,4	112,6	11,2	17,6
38	D5	3AB	5,6	23,5	37,4	38,1	49,7	53,4	85,5	104,3	113,8	13,9	12,3
38	D5	3BB	4,7	26,6	41	41,5	53,2	56,2	101,3	117,9	122,7	14,4	12,2
38	D5	3AA	9	23,8	32,5	35,5	49,3	52	82,3	92,3	97,2	8,7	16,8
38	D5	3BB	5	26,9	39,6	40,6	53,9	64,9	105,8	110,7	119,1	12,7	14,3
44	D4	5AA	9,7	19,9	29,7	29,8	40,6	46,1	71,8	81	86,1	9,8	10,9
44	D5	5AB	5,7	21,2	32	32,6	43,5	45,8	91,2	98,7	112,6	10,8	11,5
40	D5	5BB	4,9	27,3	27,3	41,4	42	61,5	85,6	93,3	101,8	0	14,7
37	D5	3AB	4	29,5	29,7	40	40,1	53,6	87	101,1	111,5	0,2	10,4
37	D5	3AB	5,8	27,2	39,8	40,5	52,8	55,7	84,4	100,8	112,2	12,6	13
37	D5	3BB	5,4	26	37,3	39,7	39,8	57,1	96,2	102,7	111,2	11,3	2,5
39	D5	4AB	7,6	24,3	34,1	34,3	44,5	46	84	90,7	96,5	9,8	10,4
39	D6	2BB	3,7	26,4	38,8	39,3	53,9	61,6	112,1	125,3	132,6	12,4	15,1
39	D5	3BB	5,7	30,4	42,1	42,5	42,8	55,8	95,2	102,1	106,8	11,7	0,7
39	D5	3AA	7,6	26,7	38,8	39	50,7	53,8	89,2	106,6	110,1	12,1	11,9
39	D5	3AB	6,3	28,3	39,3	39,5	51	51,9	93,5	98,3	107,6	11	11,7
39	D5	3AA	8,6	24,4	36,5	36,7	48,7	49,8	91,3	96,9	102,1	12,1	12,2
39	D5	3AA	8	24,6	36,3	36,6	51,1	61,9	87	94	104,9	11,7	14,8
43	D5	3BA	7,4	28,4	39,4	39,7	39,9	56,2	94,3	100,5	104,5	11	0,5
39	D5	3BB	5,1	26,8	36,8	37,8	45,7	59,7	96,8	101,8	119,1	10	8,9

t5-t2	s2 (t4-t3)	s3 (t8-t5)	tSC-t8	tB-tSB	Ploidia
30	0,8	1,7	38,8	17,3	Aneuplóide complexo
27,6	1,9	21	29,7	6,1	Aneuplóide complexo
25,2	0,8	4,4	47,3	11,2	Aneuplóide complexo
22,9	0,7	3,1	31,9	7,7	Aneuplóide complexo
24,2	0,6	2,1	52,1	8,2	Aneuplóide complexo
21,8	0,2	12,3	18,3	5,7	Aneuplóide complexo
23,5	0,2	2,2	33,6	12	Aneuplóide complexo
25,9	0,3	1,7	43,7	7	Aneuplóide complexo
23	0,8	7,9	37,5	12,7	Aneuplóide complexo
22	0	0,9	35,5	6,6	Aneuplóide complexo
26,1	1,4	4,3	35,9	12,2	Aneuplóide complexo
28,6	0,2	2	40,1	11,4	Aneuplóide complexo
10,8	0,9	15,8	42,4	18,7	Aneuplóide complexo
25,9	1,8	2,5	35,4	9,9	Aneuplóide complexo
25,7	0,2	23,8	38,5	5	Aneuplóide complexo
23,4	0,5	18,1	9,9	0,1	Aneuplóide complexo
25,2	0,5	5,3	41,1	9,2	Aneuplóide complexo
26,7	0,2	0,9	32,9	11,3	Aneuplóide complexo
23,8	0,2	3,4	38,6	11,8	Aneuplóide complexo
30	0,2	2,6	44,7	21,3	Aneuplóide complexo
41	0,8			6,1	Aneuplóide complexo
22,1	0,1	8,5	14,2	9,9	Aneuplóide complexo
24,4	0,3	16,1	7	15,4	Aneuplóide complexo
24,8	0	1,9	37,6	4,5	Aneuplóide complexo
22,9	0,2	2,8	25,6	8,7	Aneuplóide complexo
27	0,5	4,1	25,4	4,8	Aneuploide/Triploide XXX
13,7	0,8	45,4	17,1	3,8	Anormal/Aneuplóide
36,2	0,4	7,6	18,5	6,2	Anormal/Aneuplóide
27,2	0,2	3,2	7,7	8,7	Anormal/Aneuplóide
25,4	2,3	1,6	38,8	9,1	Anormal/Aneuplóide
26,4	0,1	2,3	41,8	13,9	Anormal/Aneuplóide
20,4	0,1	2,1	26	9,5	Anormal/Aneuplóide
23,1	0,5	16,8	20	11,6	Anormal/Aneuplóide
21,6	0,7	1,3	33,8	11,3	Anormal/Aneuplóide
13,5	10,4	15,8	44,6	13,6	Anormal/Aneuplóide
28	2,5	1,4	34,5	10,4	Caótico
25	0,4	3,6	28,4	6,4	Caótico
24,4	0	1	63,8	14,5	Haploide
20,8	0,5	1,4	50,8	9,8	Mosaico de alto grau
20,6	1,5	4,4	40,9	6,4	Mosaico de alto grau
25,8	0,2	0,8	36,7	12,4	Mosaico de alto grau
11,5	0	22	26,1	10,9	Mosaico de alto grau

12,7	9,6	15,9	36,4	15,9	Mosaico de alto grau
25,9	0	6,5	48,1	10,5	Mosaico de baixo grau
26,5	0,5	7,5	44,2	3,5	Mosaico de baixo grau
26,2	1,6	12,2	26,2	12,6	Mosaico de baixo grau
27,5	0,6	3,9	41,1	4,4	Mosaico de baixo grau
12,4	0	14,2	21,9	4,8	Normal/Euplóide
26,1	0,9	8	32,1	5,6	Normal/Euplóide
25,5	0,8	2,1	25,5	5,3	Normal/Euplóide
13,9	0,2	17	32,4	13,5	Normal/Euplóide
22,1	0,5	3,3	42,4	8,9	Normal/Euplóide
11,2	0,3	10,9	39,3	7,8	Normal/Euplóide
12	0,2	14,6	39,2	10,2	Normal/Euplóide
13	1,6	12,3	38,5	16,2	Normal/Euplóide
12,8	8,2	12,5	33,6	7,4	Normal/Euplóide
22,9	6,5	8	23	6,5	Normal/Euplóide
10,5	7,5	16,6	33,4	9,8	Normal/Euplóide
12	9,2	18,4	34,9	5,1	Normal/Euplóide
11,9	0,2	11,9	35,7	8	Normal/Euplóide
10,8	0,4	24	14,8	6,1	Normal/Euplóide
21,9	0	12,3	23,6	7,6	Normal/Euplóide
24,3	0,4	2,2	38,4	5,9	Normal/Euplóide
10,4	0	14,3	40,7	8,2	Normal/Euplóide
28,8	0,4	24	17,6	4,2	Normal/Euplóide
26,2	0,7	3,7	32,1	9,5	Normal/Euplóide
26,6	0,5	3	45,1	4,8	Normal/Euplóide
25,5	3	2,7	30,3	4,9	Normal/Euplóide
27	1	11	40,9	8,4	Normal/Euplóide
20,7	0,1	5,5	25,7	5,1	Normal/Euplóide
22,3	0,6	2,3	45,4	13,9	Normal/Euplóide
14,7	14,1	19,5	24,1	8,5	Normal/Euplóide
10,6	10,3	13,5	33,4	10,4	Normal/Euplóide
25,6	0,7	2,9	28,7	11,4	Normal/Euplóide
13,8	2,4	17,3	39,1	8,5	Normal/Euplóide
20,2	0,2	1,5	38	5,8	Normal/Euplóide
27,5	0,5	7,7	50,5	7,3	Normal/Euplóide
12,4	0,4	13	39,4	4,7	Normal/Euplóide
24	0,2	3,1	35,4	3,5	Normal/Euplóide
22,7	0,2	0,9	41,6	9,3	Normal/Euplóide
24,3	0,2	1,1	41,5	5,2	Normal/Euplóide
26,5	0,3	10,8	25,1	10,9	Normal/Euplóide
11,5	0,3	16,3	38,1	4	Normal/Euplóide
18,9	1	14	37,1	17,3	Normal/Euplóide*