

# **Operaciones, extracción y otras funcionalidades entre tipos de estructuras de datos**

Santiago Lozano

21 de febrero de 2020

# Evaluación de combinaciones de TRUE o FALSE

Es importante saber cómo se operan los conectores lógicos vistos anteriormente, referente a los distintos valores logical que pueden resultar, además de cómo se operan los Missing Values con los otros valores lógicos, veamos todas las combinaciones mediante la siguiente codificación

```
x <- c(NA, FALSE, TRUE)
names(x) <- as.character(x)
x
```

```
##  <NA> FALSE  TRUE
##      NA FALSE  TRUE
```

# Evaluación de combinaciones de TRUE o FALSE

Veamos las distintas combinaciones mediante el conector lógico y (&)

```
outer(x, x, "&")
```

##	<NA>	FALSE	TRUE	
##	<NA>	NA	FALSE	NA
##	FALSE	FALSE	FALSE	FALSE
##	TRUE	NA	FALSE	TRUE

# Evaluación de combinaciones de TRUE o FALSE

Ahora mediante el conector ó (|)

```
outer(x, x, "|")
```

```
##      <NA> FALSE TRUE
## <NA>    NA     NA TRUE
## FALSE   NA  FALSE TRUE
## TRUE    TRUE  TRUE TRUE
```

# Lógica Aritmética

La aritmética que envuelven las expresiones lógicas las diferentes estructuras de datos juega un papel muy importante a la hora de programar nos indicará de una u otra forma que elementos escoger y cuales no, la clave para entender esta parte es que las expresiones lógicas evalúan si es cierto o falso alguna proposición, y qué R puede convertir en valores numéricos 1 para TRUE, 0 para FALSE

```
x <- 0:6
```

```
x < 4
```

```
## [1] TRUE TRUE TRUE TRUE FALSE FALSE FALSE
```

# Lógica Aritmética

Para poder chequear si todos los valores de un vector cumplen con la condición o para verificar si alguno cumple la condición usamos `all()` y `any()`

```
all(x>0)
```

```
## [1] FALSE
```

```
any(x<0)
```

```
## [1] FALSE
```

# Lógica Aritmética

Podemos usar las respuestas de las funciones lógicas en aritmética.  
Podemos contar los valores TRUE de  $(x < 4)$ , usando sum

```
sum(x<4)
```

```
## [1] 4
```

Podemos multiplicar el vector  $(x < 4)$  por otros vectores

```
(x<4)*runif(7)
```

```
## [1] 0.2541504 0.3750152 0.9489598 0.6974481 0.0000000  
## [6] 0.0000000 0.0000000
```

# Lógica Aritmética

```
y <- c(4,NA,7)
y == NA # no funciona
```

```
## [1] NA NA NA
```

U

```
y == "NA" # no funciona
```

```
## [1] FALSE      NA FALSE
```

```
is.na(y)
```

```
## [1] FALSE TRUE FALSE
```



# Lógica Aritmética

La lógica aritmética es útil para generar niveles simplificados de factores durante el modelamiento estadístico. Suponga que queremos reducir un factor de 5 niveles (a, b, c, d, e) llamado tratamiento a un factor de 3 niveles llamado t2 juntados los niveles a y e (nuevo factor nivel 1) y c y d (nuevo factor nivel 3) mientras que dejamos b solo (nuevo factor nivel 2)

```
tratamiento <- letters[1:5]  
tratamiento
```

```
## [1] "a" "b" "c" "d" "e"
```

```
1 + (tratamiento == "b")
```

```
## [1] 1 2 1 1 1
```

# Lógica Aritmética

```
t2 <- factor(1+(tratamiento=="b")+2*(tratamiento=="c")  
            +2*(tratamiento=="d"))
```

```
t2
```

```
## [1] 1 2 3 3 1
```

```
## Levels: 1 2 3
```

## Distinciones entre las igualdades

`x <- y` a `x` le asigno el valor de `y`

`x = y` en una función o una lista `x` se establece en `y`, a menos que especifique lo contrario

`x == y` produce `TRUE` si `x` es exactamente igual a `y` y falso en otro caso

# Resumen de diferencias entre objetos usando all.equal

La función `all.equal` es muy útil en programación para chequear que los objetos son realmente como tu esperabas. Cuando ocurren diferencias, `all.equal` hace un trabajo útil en describir todas las diferencias encontradas

```
a <- c("cat", "dog", "goldfish")  
b <- factor(a)
```

```
all.equal(a,b)
```

```
## [1] "Modes: character, numeric"  
## [2] "Attributes: < target is NULL, current is list >"  
## [3] "target is character, current is factor"
```

# Resumen de diferencias entre objetos usando `all.equal`

en este caso el objeto de la izquierda (a) es llamado “target” y el objeto de la derecha (b) es “current”

```
mode(b)
```

```
## [1] "numeric"
```

```
mode(a)
```

```
## [1] "character"
```

# Resumen de diferencias entre objetos usando all.equal

```
attributes(b)
```

```
## $levels  
## [1] "cat"      "dog"      "goldfish"  
##  
## $class  
## [1] "factor"
```

```
attributes(a)
```

```
## NULL
```

## Resumen de diferencias entre objetos usando all.equal

```
n1 <- c(1,2,3)
n2 <- c(1,2,3,4)
all.equal(n1,n2)
```

```
## [1] "Numeric: lengths (3, 4) differ"
```

```
n2 <- as.character(n2)
all.equal(n1,n2)
```

```
## [1] "Modes: numeric, character"
## [2] "Lengths: 3, 4"
## [3] "target is numeric, current is character"
```

# Funciones básicas para vectores

Una de las fortalezas de R es la habilidad de evaluar funciones sobre vectores enteros, con gran utilidad a la hora de operar ciclos, veamos algunas de las funciones más importantes, la mayoría de las funciones aplican para vectores de tipo numeric

```
y <- c(8,3,5,7,6,6,8,9,2,3,9,4,10,4,11)
```

función media

```
mean(y)
```

```
## [1] 6.333333
```



# Funciones básicas para vectores

Largo de un vector

```
length(y)
```

```
## [1] 15
```

rango de los números en un vector

```
range(y)
```

```
## [1] 2 11
```

# Funciones básicas para vectores

ordenar los elementos del vector de menor a mayor

```
sort(y)
```

```
## [1] 2 3 3 4 4 5 6 6 7 8 8 9 9 10 11
```

de forma decreciente

```
sort(y,decreasing = TRUE)
```

```
## [1] 11 10 9 9 8 8 7 6 6 5 4 4 3 3 2
```

# Funciones básicas para vectores

reordenar los elementos del vector en order reversivo

```
rev(y)
```

```
## [1] 11 4 10 4 9 3 2 9 8 6 6 7 5 3 8
```

remover los duplicados en un vector

```
unique(y)
```

```
## [1] 8 3 5 7 6 9 2 4 10 11
```

## Funciones básicas para vectores

valor lógico en cada elemento que afirma si está duplicado o no

```
duplicated(y)
```

```
## [1] FALSE FALSE FALSE FALSE FALSE TRUE TRUE  
## [8] FALSE FALSE TRUE TRUE FALSE FALSE TRUE  
## [15] FALSE
```

which indica que índice lleva el valor TRUE

```
mask <- c(TRUE,FALSE,TRUE,NA,FALSE,FALSE,TRUE)  
which(mask)
```

```
## [1] 1 3 7
```

# Funciones básicas para vectores

Para buscar el índice con el menor valor

```
which.min(y)
```

```
## [1] 9
```

ahora con el mayor valor

```
which.max(y)
```

```
## [1] 15
```

# Funciones básicas para vectores

para nombrar los elementos de un vector

```
names(y) <- 1:15  
y
```

```
##  1  2  3  4  5  6  7  8  9 10 11 12 13 14 15  
##  8  3  5  7  6  6  8  9  2  3  9  4 10  4 11
```

La suma acumulada

```
cumsum(y)
```

```
##  1  2  3  4  5  6  7  8  9 10 11 12 13 14 15  
##  8 11 16 23 29 35 43 52 54 57 66 70 80 84 95
```

# Funciones básicas para vectores

El producto acumulado

```
cumprod(y)
```

##	1	2	3	4	5
##	8	24	120	840	5040
##	6	7	8	9	10
##	30240	241920	2177280	4354560	13063680
##	11	12	13	14	15
##	117573120	470292480	4702924800	18811699200	206928691200

# Funciones básicas para vectores

mínimo

```
min(y)
```

```
## [1] 2
```

```
max(y)
```

```
## [1] 11
```

```
quantile(y)
```

```
##    0%   25%   50%   75%  100%  
##  2.0   4.0   6.0   8.5  11.0
```



## Funciones básicas para vectores

con pmin y pmax tomamos tres vectores con el mismo largo y hallamos el valor mínimo de cada componente

```
x<-c(0.99,0.98,0.20,0.65,0.93,0.18)
x
```

```
## [1] 0.99 0.98 0.20 0.65 0.93 0.18
```

```
y<-c(0.51,0.30,0.41,0.53,0.07,0.49)
y
```

```
## [1] 0.51 0.30 0.41 0.53 0.07 0.49
```

## Funciones básicas para vectores

```
z<-c(0.26,0.132,0.44,0.65,0.031,0.36)
```

```
z
```

```
## [1] 0.260 0.132 0.440 0.650 0.031 0.360
```

```
pmin(x,y,z)
```

```
## [1] 0.260 0.132 0.200 0.530 0.031 0.180
```

# Funciones básicas para vectores

para contar la cantidad el número de elementos de cada componente del vector

```
table(y)
```

```
## y  
## 0.07  0.3 0.41 0.49 0.51 0.53  
##      1      1      1      1      1      1
```

ordena los elementos pero despliega los índices

## Funciones básicas para vectores

```
y <- c(8,3,5,7,6,6,8,9,2,3,9,4,10,4,11)
```

```
order(y)
```

```
## [1] 9 2 10 12 14 3 5 6 4 1 7 8 11 13 15
```

## Funciones básicas sobre vectores

```
rank(y)
```

```
## [1] 10.5  2.5  6.0  9.0  7.5  7.5 10.5 12.5  1.0  
## [10] 2.5 12.5  4.5 14.0  4.5 15.0
```

# Funciones básicas sobre matrices y dataframes

Tomemos la siguiente matriz

```
vector <- c(1,2,3,4,4,3,2,1)
V <- matrix(vector,byrow=T,nrow=2)
V
```

```
##      [,1] [,2] [,3] [,4]
## [1,]    1    2    3    4
## [2,]    4    3    2    1
```

```
dim(V)
```

```
## [1] 2 4
```

# Funciones básicas sobre matrices y dataframes

```
nrow(V)
```

```
## [1] 2
```

```
ncol(V)
```

```
## [1] 4
```

## Funciones básicas sobre matrices y dataframes

```
dimnames(V) <- list(c("ad","sd"),c("aa","bb","cc"," d"))  
V
```

```
##      aa bb cc  d  
## ad   1  2  3  4  
## sd   4  3  2  1
```

names(), colnames(): nombres de columnas

rownames(): nombres de filas



# Funciones básicas

Operation	Meaning
<code>max(x)</code>	maximum value in $x$
<code>min(x)</code>	minimum value in $x$
<code>sum(x)</code>	total of all the values in $x$
<code>mean(x)</code>	arithmetic average of the values in $x$
<code>median(x)</code>	median value in $x$
<code>range(x)</code>	vector of <code>min(x)</code> and <code>max(x)</code>
<code>var(x)</code>	sample variance of $x$
<code>cor(x, y)</code>	correlation between vectors $x$ and $y$
<code>sort(x)</code>	a sorted version of $x$
<code>rank(x)</code>	vector of the ranks of the values in $x$
<code>order(x)</code>	an integer vector containing the permutation to sort $x$ into ascending order
<code>quantile(x)</code>	vector containing the minimum, lower quartile, median, upper quartile, and maximum of $x$
<code>cumsum(x)</code>	vector containing the sum of all of the elements up to that point
<code>cumprod(x)</code>	vector containing the product of all of the elements up to that point
<code>cummax(x)</code>	vector of non-decreasing numbers which are the cumulative maxima of the values in $x$ up to that point
<code>cummin(x)</code>	vector of non-increasing numbers which are the cumulative minima of the values in $x$ up to that point
<code>pmax(x, y, z)</code>	vector, of length equal to the longest of $x$ , $y$ or $z$ , containing the maximum of $x$ , $y$ or $z$ for the $i$ th position in each
<code>pmin(x, y, z)</code>	vector, of length equal to the longest of $x$ , $y$ or $z$ , containing the minimum of $x$ , $y$ or $z$ for the $i$ th position in each
<code>colMeans(x)</code>	column means of dataframe or matrix $x$
<code>colSums(x)</code>	column totals of dataframe or matrix $x$
<code>rowMeans(x)</code>	row means of dataframe or matrix $x$
<code>rowSums(x)</code>	row totals of dataframe or matrix $x$

# Aplicación de funciones en masa para matrices, dataframes y listas (apply())

La función `apply()`, aplica una función dada (con el argumento `FUN`) a todas la filas (`MARGIN=1`) o todas las columnas (`MARGIN=2`)

```
V <- matrix(vector,byrow=T,nrow=2)
V
```

```
##      [,1] [,2] [,3] [,4]
## [1,]    1    2    3    4
## [2,]    4    3    2    1
```

```
apply(V,MARGIN = 1,FUN = mean)
```

```
## [1] 2.5 2.5
```

# Aplicación de funciones en masa para matrices, dataframes y listas (apply())

```
apply(V,MARGIN = 1,FUN = sum)
```

```
## [1] 10 10
```

# Hágalo usted mismo

Vamos a calcular la suma cuadrada de todas las filas de una matriz  $M$  de tamaño  $5 \times 2$  con los números a bondad. Usando la función `apply()` sobre las filas de la matriz, se usará el argumento asociado `FUN=function(x) {sum(x^2)}`

## Función sweep()

Esta función es muy útil para realizar un barrido (en el sentido de una función por FUN) a cierto estadístico (dado por el argumento STATS), para todas las filas (MARGIN=1) o todas las columnas (MARGIN=2)

V

##	[,1]	[,2]	[,3]	[,4]
## [1,]	1	2	3	4
## [2,]	4	3	2	1

## Función sweep()

vamos a restar 3 de la fila 1 y 5 de la fila 2

```
sweep(V,MARGIN=1,STATS=c(3,5),FUN="-")
```

```
##      [,1] [,2] [,3] [,4]
## [1,]  -2  -1   0   1
## [2,]  -1  -2  -3  -4
```

vamos a dividir las primeras dos columnas por 2 y las dos últimas por 3

```
sweep(V,MARGIN=2,STATS=c(2,2,3,3),FUN="/")
```

```
##      [,1] [,2]      [,3]      [,4]
## [1,]  0.5  1.0 1.0000000 1.3333333
## [2,]  2.0  1.5 0.6666667 0.3333333
```