

#### ÖDEV 4:

Son teslim tarihi: 30 Mayıs 2014 (24:00)

**Önemli not:** Yukarıdaki tarihten sonra verilen/gönderilen ödevler kabul edilmeyecektir.

- 
- Verilen iki gen ya da amino asit dizilerinin en uygun dizilimini dinamik programlama ile bulan Perl programını yazınız.
  - Matris değerlerini belirlemek için aşağıdaki skorları kullanabilirsiniz.  
( match score = +1, mismatch score = -1, gap penalty = -2)
  - Kullanılacak dizilerin bir dosyada olduğu varsayılacaktır.

Örnek olarak aşağıdaki dizileri kullanabilirsiniz

Sequence #1: GAATTCAGTTA

Sequence #2: GGATCGA

- 
1. Yazdığınız Perl programının ismi öğrenci numaranız+ödev numarası olsun (08011090-hw4.pl gibi)
  2. Yazacağınız Perl kodunu **30 Mayıs 2014, 24:00** a kadar [ozan@ce.yildiz.edu.tr](mailto:ozan@ce.yildiz.edu.tr) ve [naydin@yildiz.edu.tr](mailto:naydin@yildiz.edu.tr) adreslerine gönderiniz.
  3. Email gönderirken **subject** kısmına **I2B-HW4** yazınız.
  4. Mesajda, **adınızı-soyadınızı** ve **numaranızı** yazmayı unutmayınız.
-