

BlaC1_GSE27448	1	0.57	0.57	0.7	0.24	0.6	0.57	0.53	0.57	0.7	0.76	0.37	0.44	0.38	0.38	0.38	0.16	0.42	0.44	0.44	0.18	0.74	0.87	0.28	0.71
BlaC2_GSE37817	0.57	1	1	0.34	0.24	0.49	1	0.93	1	0.34	0.49	0.32	0.71	0.75	0.75	0.75	0.12	0.54	0.71	0.71	0.16	0.56	0.74	0.3	0.54
BlaC3_GSE37815	0.57	1	1	0.34	0.24	0.49	1	0.93	1	0.34	0.49	0.32	0.71	0.75	0.75	0.75	0.12	0.54	0.71	0.71	0.16	0.56	0.74	0.3	0.54
BloC1_GSE56495	0.7	0.34	0.34	1	0.24	0.84	0.34	0.35	0.34	0.9	0.68	0.37	0.39	0.35	0.35	0.35	0.15	0.37	0.39	0.39	0.26	0.66	0.68	0.31	0.68
BloC2_GSE61629	0.24	0.24	0.24	0.24	1	0.27	0.24	0.24	0.24	0.24	0.29	0.23	0.25	0.23	0.23	0.23	0.17	0.23	0.25	0.25	0.2	0.25	0.26	0.2	0.26
BloC3_GSE47018	0.6	0.49	0.49	0.84	0.27	1	0.49	0.46	0.49	0.74	0.68	0.35	0.43	0.42	0.42	0.42	0.15	0.39	0.43	0.43	0.24	0.55	0.59	0.31	0.56
BreC1_GSE86374	0.57	1	1	0.34	0.24	0.49	1	0.93	1	0.34	0.49	0.32	0.71	0.75	0.75	0.75	0.12	0.54	0.71	0.71	0.16	0.56	0.74	0.3	0.54
BreC2_GSE71053	0.53	0.93	0.93	0.35	0.24	0.46	0.93	1	0.93	0.35	0.47	0.32	0.74	0.85	0.85	0.85	0.12	0.52	0.74	0.74	0.16	0.55	0.74	0.32	0.58
BreC3_GSE72644	0.57	1	1	0.34	0.24	0.49	1	0.93	1	0.34	0.49	0.32	0.71	0.75	0.75	0.75	0.12	0.54	0.71	0.71	0.16	0.56	0.74	0.3	0.54
CC001_GSE141174	0.7	0.34	0.34	0.9	0.24	0.74	0.34	0.35	0.34	1	0.68	0.37	0.39	0.35	0.35	0.35	0.15	0.38	0.39	0.39	0.27	0.67	0.68	0.32	0.68
CC002_GSE46824	0.76	0.49	0.49	0.68	0.29	0.68	0.49	0.47	0.49	0.68	1	0.4	0.46	0.43	0.43	0.43	0.17	0.45	0.46	0.46	0.27	0.88	0.76	0.28	0.88
CC003_GSE37182	0.37	0.32	0.32	0.37	0.23	0.35	0.32	0.32	0.32	0.37	0.4	1	0.66	0.49	0.49	0.49	0.14	0.7	0.66	0.66	0.24	0.39	0.37	0.17	0.4
LiC01_GSE112790	0.44	0.71	0.71	0.39	0.25	0.43	0.71	0.74	0.71	0.39	0.46	0.66	1	0.89	0.89	0.89	0.15	0.84	1	1	0.25	0.57	0.59	0.3	0.57
LiC02_GSE121248	0.38	0.75	0.75	0.35	0.23	0.42	0.75	0.85	0.75	0.35	0.43	0.49	0.89	1	1	1	0.11	0.67	0.89	0.89	0.16	0.53	0.59	0.32	0.58
LiC03_GSE69715	0.38	0.75	0.75	0.35	0.23	0.42	0.75	0.85	0.75	0.35	0.43	0.49	0.89	1	1	1	0.11	0.67	0.89	0.89	0.16	0.53	0.59	0.32	0.58
OC001_GSE31682	0.38	0.75	0.75	0.35	0.23	0.42	0.75	0.85	0.75	0.35	0.43	0.49	0.89	1	1	1	0.11	0.67	0.89	0.89	0.16	0.53	0.59	0.32	0.58
OC002_GSE29220	0.16	0.12	0.12	0.15	0.17	0.15	0.12	0.12	0.12	0.15	0.17	0.14	0.15	0.11	0.11	0.11	1	0.15	0.15	0.15	0.18	0.16	0.16	0.09	0.17
OC003_GSE36668	0.42	0.54	0.54	0.37	0.23	0.39	0.54	0.52	0.54	0.38	0.45	0.7	0.84	0.67	0.67	0.67	0.15	1	0.84	0.84	0.26	0.58	0.42	0.17	0.42
PaC01_GSE45765	0.44	0.71	0.71	0.39	0.25	0.43	0.71	0.74	0.71	0.39	0.46	0.66	1	0.89	0.89	0.89	0.15	0.84	1	1	0.25	0.57	0.59	0.3	0.57
PaC02_GSE45757	0.44	0.71	0.71	0.39	0.25	0.43	0.71	0.74	0.71	0.39	0.46	0.66	1	0.89	0.89	0.89	0.15	0.84	1	1	0.25	0.57	0.59	0.3	0.57
PaC03_GSE40098	0.18	0.16	0.16	0.26	0.2	0.24	0.16	0.16	0.16	0.27	0.27	0.24	0.25	0.16	0.16	0.16	0.18	0.26	0.25	0.25	1	0.27	0.19	0.12	0.27
T2D01_GSE55650	0.74	0.56	0.56	0.66	0.25	0.55	0.56	0.55	0.56	0.67	0.88	0.39	0.57	0.53	0.53	0.53	0.16	0.58	0.57	0.57	0.27	1	0.71	0.27	0.85
T2D02_GSE71416	0.87	0.74	0.74	0.68	0.26	0.59	0.74	0.74	0.74	0.68	0.76	0.37	0.59	0.59	0.59	0.59	0.16	0.42	0.59	0.59	0.19	0.71	1	0.34	0.84
T2D03_GSE64998	0.28	0.3	0.3	0.31	0.2	0.31	0.3	0.32	0.3	0.32	0.28	0.17	0.3	0.32	0.32	0.32	0.09	0.17	0.3	0.3	0.12	0.27	0.34	1	0.34
T2D05_GSE29226	0.71	0.54	0.54	0.68	0.26	0.56	0.54	0.58	0.54	0.68	0.88	0.4	0.57	0.58	0.58	0.58	0.17	0.42	0.57	0.57	0.27	0.85	0.84	0.34	1

