Metaheurística - Práctica 2.a

Técnicas de Búsqueda basadas en Poblaciones para el Problema de la Asignación Cuadrática

3º Grado Ingeniería Informática, Grupo 3 (Miércoles) Salvador Corts Sánchez, 75935233C salvacorts@correo.ugr.es

${\rm \acute{I}ndice}$

Descripción del problema	3
Consideraciones comunes a los algoritmos utilizados 2.1. Clase Solver	4 4 5
Algoritmo Greedy	6
Algoritmo de Búsqueda Local 4.1. Búsqueda Local con <i>Don't Look Bits</i>	7 9
Algorítmos Genéticos 5.1. Algorítmo Genético Generacional. AGG	10 17 20
Algorítmos Meméticos	23
Procedimiento considerado para desarrollar la práctica	25
Experimentos y análisis de resultados 8.1. Resultados Greedy 8.2. Resultados Búsqueda Local 8.3. Resultados Búsqueda Local con Don't Look Bits 8.4. Resultados AGG con cruce basado en posición 8.5. Resultados AGG con cruce OX 8.6. Resultados AGE con cruce basado en posición 8.7. Resultados AGE con cruce OX 8.8. Resultados Memético (10, 1) 8.9. Resultados Memético (10, 0.1) 8.10. Resultados Memético (10, 0.1 mejores) 8.11 Comparación de los resultados Conclusiones	30 32 33 34 35 36 37
	Consideraciones comunes a los algoritmos utilizados 2.1. Clase Solver 2.2. Clase Solution Algoritmo Greedy Algoritmo de Búsqueda Local 4.1. Búsqueda Local con Don't Look Bits Algorítmos Genéticos 5.1. Algorítmo Genético Generacional. AGG 5.2. Algorítmo Genético Estacionario. AGE Algorítmos Meméticos Procedimiento considerado para desarrollar la práctica Experimentos y análisis de resultados 8.1. Resultados Greedy 8.2. Resultados Búsqueda Local 8.3. Resultados Búsqueda Local 8.4. Resultados AGG con cruce basado en posición 8.5. Resultados AGG con cruce OX 8.6. Resultados AGE con cruce basado en posición 8.7. Resultados AGE con cruce OX 8.8. Resultados Memético (10, 1) 8.9. Resultados Memético (10, 0.1)

QAP: Práctica 2

1. Descripción del problema

El problema de asignación cuadrática (en inglés, quadratic assignment problem, QAP) es uno de los problemas de optimización combinatoria más conocidos. En él se dispone de n unidades y n localizaciones en las que situarlas, por lo que el problema consiste en encontrar la asignación óptima de cada unidad a una localización. La nomenclatura "cuadrático" proviene de la función objetivo que mide la bondad de una asignación, la cual considera el producto de dos términos, la distancia entre cada par de localizaciones y el flujo que circula entre cada par de unidades. El QAP se puede formular como:

$$QAP = \min_{\pi \in \prod_{N}} \left(\sum_{i=1}^{n} \sum_{j=1}^{n} f_{ij} d_{\pi(i)\pi(j)} \right)$$

donde:

- π es una solución al problema que consiste en una permutación que representa la asignación de la unidad i a la localización $\pi(i)$.
- f_{ij} es el flujo que circula entre la unidad i y la j.
- d_{kl} es la distancia existente entre la localización k y la l.

2. Consideraciones comunes a los algoritmos utilizados

Esta práctica ha sido diseñada como una librería de metaheurísticas per se. Es decir, existe un tipo de objeto **Solution** y un tipo de objeto **Solver** del cual heredarán los objetos que implementan las diversas metaheurísticas. Cada metaheurística deberá implementar la función *Solve* que devuelve un objeto **Solution**.

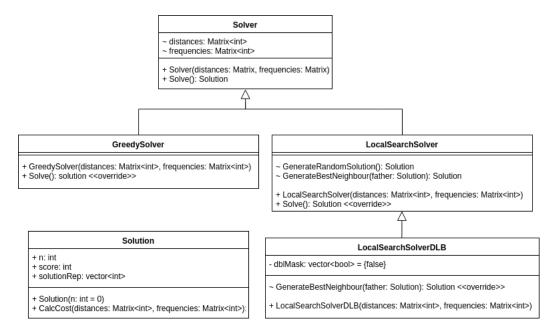


Diagrama de clases

2.1. Clase Solver

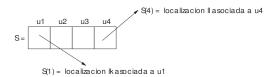
Esta clase debe ser heredada por las metaheurísticas a implementar. Su representación consta de dos matrices:

- **Distancias**: Matriz de distancias entre un punto i y otro j.
- Frecuencias: Matriz de flujo entre un objeto i y otro j.

Tiene una función virtual llamada *Solve* que ha de ser implementada por los objetos que hereden de **Solver**. Es la interfaz común a todos los objetos de tipo Solver para obtener una Solución.

2.2. Clase Solution

Sirve para representar una solución, la cual, se implementa como un vector donde cada posición i representa un objeto y alberga la localización j donde debe ser colocado dicho objeto i.



Existe una función CalcCost que calcula el coste de dicha solución como:

$$cost = \sum_{i=1}^{n} \sum_{j=1, j \neq i}^{n} f_{ij} d_{\pi(i)\pi(j)}$$

donde:

- ullet π es la solución al problema.
- \bullet f_{ij} es el flujo que circula entre la unidad i y la j.
- d_{kl} es la distancia existente entre la localización k y la l.

Dado que el cálculo del coste de la solución es bastante costoso, $O(n^2)$, Esta función debe llamarse manualmente al menos una vez para obtener el coste y que este se guarde en la representación de la clase.

3. Algoritmo Greedy

Se basa en el cálculo de los potenciales de flujo y distancia definidos como:

$$\hat{f}_i = \sum_{j=1}^n f_{ij}$$
 $\hat{d}_i = \sum_{j=1}^n d_{ij}$

El algoritmo irá seleccionando la unidad i libre con mayor \hat{f}_i y le asignará la localización j libre con menor \hat{d}_j . Su implementación en pseudocódigo es la siguiente:

```
1 # Calcula los potenciales
 2 dp = fp = vector(n)
 з for i = 1 to n do
        \hat{f}_i = \hat{d}_i = 0
         for j = 0 to n do
         \hat{f}_i = \hat{f}_i + f_{ij}
\hat{d}_i = \hat{d}_i + d_{ij}
end
         dp_i = \hat{d}_i
        fp_i = \hat{f_i}
10
11 end
12 # Calcula la mejor combinación. \pi es la representación de la solución
13 locAssigned = unitAssigned = vector(n)\{0\}
14 for i = 1 to n do
         best\hat{f} = -\infty; \quad best\hat{f}_{index} = 0
15
         best\hat{d} = \infty; \quad best\hat{d}_{index} = 0
16
         for j = 0 to n do
17
              \hat{f}_i = f p_j; \quad \hat{d}_i = d p_j
              if \hat{f}_i > best \hat{f} and unitAssigned_j \neq 1 then
               best \hat{f} = \hat{f}_i; best \hat{f}_{index} = j
20
\mathbf{21}
              if \hat{d}_i < best \hat{d} and locAssigned_j \neq 1 then |best \hat{d} = \hat{d}_i; best \hat{d}_{index} = j
22
23
              end
24
         end
25
         \pi(best\hat{f}_{index}) = best\hat{d}_{index}
26
         unitAssigned_{best\hat{f}_{index}} = locAssigned_{best\hat{d}_{index}} = 1
28 end
```

Algorithm 1: greedy.cpp - GreedySolver::Solve

Algoritmo de Búsqueda Local 4.

Vamos a utilizar una **búsqueda local del primer mejor**. Cuando se genera una solución vecina que mejora a la actual, se toma esta como solución y se pasa a la siguiente iteración. Se detiene la búsqueda cuando no se genera ningún vecino mejor que la solución actual. La implementación de dicha idea, que será la función Solve, se puede ver como:

```
1 \pi = GenerateInitialSolution() \# Será aleatoria
    \pi' = GenerateBestNeighbour(\pi)
  if \exists \pi' then \pi = \pi';
5 while \exists \pi';
```

Algorithm 2: localSearch.cpp - LocalSearchSolver::Solve

A fin de minimizar el riesgo de quedarnos en un óptimo local, vamos a partir de una solución aleatoria en vez de partir de una solución greedy. Dicha solución aleatoria se genera de la siguiente manera:

```
1 assigned = vector(n)\{0\}
2 for i = 1 to n do
     do
       r = random() \mod n
     while assigned_r \neq 0;
     \pi(i) = r
     assigned_r = 1
8 end
```

Algorithm 3: solution.cpp - Solution::GenerateRandomsolution

Como se comentó anteriormente, el proceso de cálculo del coste de la solución es de orden cuadrático por lo que realizar dicho calculo con cada vecino es sumamente costoso; En su lugar, vamos a considerar una factorización (con eficiencia O(n)) teniendo en cuenta solo los cambios realizados por el movimiento de intercambio para generar el vecino. El incremento del coste de cambiar el elemento en la posición r r por el de s se define como:

$$\Delta C(\pi, r, s) = \sum_{k=1, k \neq r, s}^{n} \left[f_{rk} (d_{\pi(s)\pi(k)} - d_{\pi(r)\pi(k)}) + f_{sk} (d_{\pi(r)\pi(k)} - d_{\pi(s)\pi(k)}) + f_{kr} (d_{\pi(k)\pi(s)} - d_{\pi(k)\pi(r)}) + f_{ks} (d_{\pi(k)\pi(r)} - d_{\pi(k)\pi(s)}) \right]$$

Si $\Delta C(\pi, r, s) < 0$, el resultado de cambiar r por s es favorable, es decir, el costo es menor por lo que tomaremos el vecino resultante de este cambio como solución actual y generamos nuevos vecinos a partir de este.

La función que hace uso de esta factorización para explorar los vecinos de una solución se implementaría como:

```
1 def GenerateBestNeighbour(\pi):
 2
       for r = 1 to n/2 do
           for s = r + 1 to n do
 3
               if \Delta C(\pi, r, s) < 0 then
 4
                    \pi' = \pi
 \mathbf{5}
                    t = \pi'(r)
 6
                    \pi'(r) = \pi'(s)
 7
                    \pi'(s) = t
 8
                    return \pi'
 9
               end
10
           end
11
       end
12
13 end
```

 ${\bf Algorithm~3:} \ local Search.cpp-Local Search Solver:: Generate Best Neighbour$

Como vemos, podemos reducir considerablemente el numero de iteraciones totales iterando en r en el primer bucle hasta n/2 y en el segundo desde r+1 hasta n, ya que así podemos evitar comparar dos veces el mismo movimiento. Es lo mismo cambiar r por s que s por r.

4.1. Búsqueda Local con Don't Look Bits

Como estamos utilizando una **búsqueda local del primer mejor**, podemos definir una lista de candidatos a la que llamamos *Don't Look Bits* que reducirá significativamente el tiempo de ejecución.

Se trata de un un vector de bits inicialmente a 0, esto nos indica que todos los movimientos pueden ser considerados. Si tras probar todos los movimientos asociados un bit no hemos encontrado ninguna mejora, cambiaremos el valor de dicho bit a 1, indicando que esta unidad no debe ser tenida en cuenta hasta que dicha unidad asociada a ese bit se vea implicada en un movimiento que mejora la solución actual, en cuyo caso el bit será nuevamente 0.

Podemos ejemplificar este algoritmo con el siguiente pseudocódigo:

```
1 dlbMask = vector(n)\{0\} \# Don't look bits
   def GenerateBestNeighbour(\pi):
       for r = 1 to n do
3
          if dlbMask_r \neq 0 then continue;
 4
          for s = 1 to n do
 5
              if \Delta C(\pi, r, s) < 0 then
 6
                  \pi' = \pi
                  t = \pi'(r)
 8
                  \pi'(r) = \pi'(s)
 9
                  \pi'(s) = t
10
                  dlbMask_r = dlbMask_s = 0
11
                  return \pi'
12
              end
13
          end
14
          dlbMask_r = 1
15
       end
16
17 end
```

5. Algorítmos Genéticos

Se han implementado dos tipos de algorítmos genéticos:

- Generacionales.
- Estacionarios.

Ambos comparten los operadores de Mutación, Cruce y Evaluación así como la del método de búsqueda. La diferencia entre ambos está en los operadores de Selección y Remplazo que se explicarán a fondo mas tarde.

Estos operadores actuan sobre una Población compuesta de n cromosomas. Es decir, un conjunto (vector) de n soluciones diferentes que modificaremos, mezclaremos y compararemos a fin de encontrar la solución más óptima posible sorteando óptimos locales.

Método de búsqueda de un algorítmo genético

Partiremos de una población generada aleatoriamente creando, con la función descrita en el apartado 4. (Búsqueda Local), tantos cromosomas soluciones como tamaño de la población deseemos.

```
1 def GenerateRandomPopulation():
2 | P = Population(n)\{0\} \# Población de n cromosolmas
3 | for i = 1 to n do
4 | \# P_i es el cromosoma i de la población P
5 | P_i = GenerateRandomSolution()
6 | end
7 | return p
8 end
```

Algorithm 4: *qenetic.cpp* - GeneticAlg::CreateRandomPopulation

Sobre esta población inicial aplicaremos los operadores hasta que se haya alcanzado el número máximo de evaluaciones definidas.

```
1 def Solve():
      P = GenerateRandomPopulation()
      \pi = Evaluate(P)
3
      \pi_{best} = \pi
4
      while evaluaciones \neq limite do
5
          P' = Select(P)
 6
          P' = Cross(P')
 7
          P' = Mutate(P')
 8
          P' = Replace(P, P')
9
          \pi = Evaluate(P)
10
          if \pi mejor que \pi_{best} then
11
              \pi_{best} = \pi
12
          end
13
      end
      return \pi_{best}
15
16 end
```

Algorithm 5: genetic.cpp - GeneticAlg::Solve

Operador de Mutación

Para el problema de QAP, la mutación consiste en intercambiar el valor de dos genes de un cromosoma, es decir, cambiar el valor de dos posiciones de una solución.

Para evitar el coste computacional de generar una gran cantidad de números aleatorios, a partir de una probabilidad p_{mutar} , vamos a calcular la esperanza del número n_{mutar} de cromosomas que mutarán de nuestra población como:

$$n_{mutar} = \lceil n \cdot p_{mutar} \cdot len(\pi) \rceil$$

Donde:

- n: Tamaño de la población.
- $len(\pi)$: Tamaño de la solución.

Empezaremos a mutar los n_{mutar} cromosomas contigüos desde un cromosoma aleatroio de nuestra población.

```
1 def Mutate(P):
        P' = P
 2
        n_{mutar} = \lceil n \cdot p_{mutar} \cdot len(P_0) \rceil
 3
        i = \text{random in } [0, n)
 4
        for j = 1 to n_{mutar} do
 5
            r1 = \text{random in } [0, len(P'_0)]
 6
            r2 = \text{random in } [0, len(P'_0)]
 7
            if coste P_i desconocido then
 8
                 Calcula coste P_i
 9
                 evaluaciones++
10
            end
11
            \pi_o = P_i'
12
            t = P_i'(r1)
13
            P_i'(r1) = P_i'(r2)
14
            P_i'(r2) = t
15
            coste P_i'(s) = \text{coste } \pi_o + \Delta C(\pi_o, r_1, r_2)
16
            evaluaciones++
17
        end
18
        return P'
20 end
```

Algorithm 6: genetic.cpp - GeneticAlg::Mutate

Operador de Evaluación

Con este operador calcularemos los costes de los cromosomas de una población P que no hayan sido calculados aún. Trás calcular los costes de todos los cromosomas, devolveremos la solución mas óptima de la población, es decir, el cromósoma con el menor coste asociado.

```
1 def Evaluate(P):
       best\_score = \infty
2
       for i = 1 to n do
3
          if coste P_i desconocido then
 4
               Calcula coste P_i
 5
              evaluaciones++
 6
           end
 7
          if coste P_i < best\_score then
 8
              best\_score = coste P_i
 9
              \pi_{best} = P_i
10
           end
11
       end
12
13
      return \pi_{best}
14 end
```

Algorithm 7: genetic.cpp - GeneticAlg::Evaluate

Operador de Cruce

Gracias a este operador, podremos simpular el cruce de genes que se da en la naturaleza. A partir de dos cromosomas padres, combinaremos sus genes para crear dos nuevos cromosomas hijos.

De nuevo, a fin de minimizar el coste computacional de generar números aleatorios, a partir de una probabilidad p_{cruce} , vamos a calcular la esperanza del número n_{cruce} de cromosomas consecutivos que se cruzarán entre si como:

$$n_{cruce} = \lceil n \cdot p_{cruce} \rceil$$

Se han desarrollado dos tipos de cruces distintos: basado en posición y **OX**.

Cruce basado en posición

Aquellas posiciones que contengan el mismo valor en ambos padres se mantienen en el hijo. Las asignaciones restantes se seleccionan en un orden aleatorio para completar el hijo. Por ejemplo:

```
Padre_1 = (1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9) Padre_2 = (4, 5, 3, 1, 8, 7, 6, 9, 2)

coincidencias = (*, *, 3, *, *, 7, 6, *, *)

resto\_Padre_1 = (1, 2, 4, 5, 8, 9) \rightarrow Barajamos : (9, 1, 2, 4, 8, 5)

resto\_Padre_2 = (4, 5, 1, 8, 9, 2) \rightarrow Barajamos : (5, 1, 4, 2, 9, 8)

hijo_1 = (9, 1, 3, 2, 4, 7, 6, 8, 5) hijo_2 = (5, 1, 3, 4, 2, 7, 6, 9, 8)
```

La implementación es la siguiente:

```
1 \text{ def } Cross(P):
 2
       P'=P;
                  n_{cruce} = \lceil n \cdot p_{cruce} \rceil
 3
       for i = 1 to n_{cruce} do
           equals = vector(len(P_i))\{0\};
                                                nonEquals = \emptyset
 4
           for j = 1 to len(P_i) do
 5
               if P_i(j) == P_{i+1}(j) then
 6
                    \pi'(j) = \pi''(j) = P_i(j)
 7
                    equals_i = 1
 8
                end
 9
                else
10
                    nonEquals = nonEquals \cup P_i(j)
11
                end
12
           end
13
            shuffle(nonEquals)
14
           k = 0
15
           for j = 1 to len(P_i) do
16
               if equals_j \neq 1 then
17
                    \pi'(j) = nonEquals_k
18
                    \pi''(j) = nonEquals_{len(nonEquals)-1-k}
19
                    k = k + 1
20
                end
21
           end
22
           P_i'=\pi'; \qquad P_{i+1}'=\pi''
23
           i = i + 2
\mathbf{24}
       end
25
       return P'
26
27 end
```

Algorithm 8: *qenetic.cpp* - GeneticAlg::Cross

Cruce OX

Los dos hijos comparten un tercio de los valores de los padres. El resto de elementos que no estan en la parte central, se ordenan segun el otro padre.

```
\begin{aligned} Padre_1 &= (7,3,1,8,2,4,6,5) \quad Padre_2 &= (4,3,2,8,6,7,1,5) \\ comparte\_padre_1 &= (*,*,1,8,2,*,*,*) \quad comparte\_padre_2 &= (*,*,2,8,6,*,*,*) \\ resto\_Padre_1 &= (7,3,4,6,5) \rightarrow Odenamos \ segun \ Padre_2 : (4,3,6,7,5) \\ resto\_Padre_2 &= (4,3,7,1,5) \rightarrow Odenamos \ segun \ Padre_1 : (7,3,1,4,5) \\ hijo_1 &= (7,5,1,8,2,4,3,6) \quad hijo_2 &= (4,5,2,8,6,7,3,1) \end{aligned}
```

La implementación mas sencilla consiste en un bucle anidado con complejidad $O(n^2)$, sin embargo, sacrificando un poco de espacio en memoria, podemos conseguir hacer esta operación con una complejidad lineal, es decir O(n).

Para ello, utilizaremos dos tipos de estructuras de datos auxiliares:

- Dos vectores de tamaño igual al tamaño de la solución del problema $(len(\pi))$. Nos servirá como tabla hash para asociar a cada valor del padre el índice en el que se encuentra en la solución de este. Utilizaremos un vector por padre.
- Dos sets que se ordenarán a partir de los vectores decritos arriba. En el primer set, meteremos los valores externos a la parte compartida del segundo padre y se ordenarán en función del índice que tengan en el vector de índices del primer padre. En el segundo, haremos lo mismo pero al contrario.

Una vez hayamos completado ambas estructuras de datos, copiamos los valores ordenados de los sets en cada hijo.

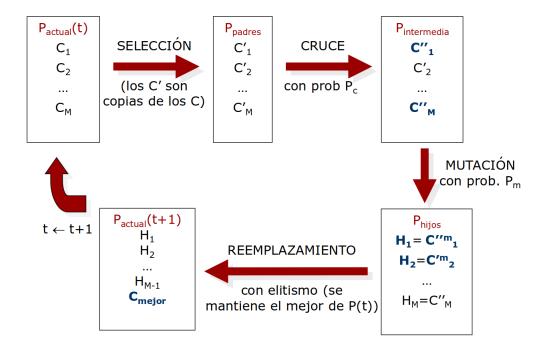
Su implementación es la siguiente:

```
1 def CrossOX(P):
       P' = P; n_{cruce} = \lceil n \cdot p_{cruce} \rceil; step = len(P_0)/3
       start = random entre (0, n - |step|)
 3
       end = start + \lceil step \rceil
 4
       for i = 1 to n do
 5
           S1 = vector(len(P_i)); S2 = vector(len(P_{i+1}))
 6
           for j = 1 to len(P_i) do
 7
               S1_{P_{i_j}} = j; \quad S2_{P_{i+1_j}} = j
 8
               if j \geq start and j \leq end then
 9
                \pi'_{i} = P_{i_{i}}; \quad \pi''_{i} = P_{i+1_{i}}
10
               end
11
           end
12
           \# Ordena de menor a mayor con S1 y S2
13
           orderedByS1 = set(); \quad orderedByS2 = set()
14
           for j = 1 to len(P_i) do
15
               if j == start then
16
                j = end; continue
17
               end
18
               orderedByS1 = orderedByS1 \cup P_{i+1}
19
               orderedByS2 = orderedByS2 \cup P_{i}
20
           end
\mathbf{21}
           k = 0 for j = end + 1; j \neq start; j = (j + 1) \mod len(P_i) do
22
               if j == start then
23
                j = end; continue
24
25
               \pi'_{j} = orderedByS2_{k}; \quad \pi''_{j} = orderedByS1_{k} \ k = k + 1
26
27
           end
           P'_{i} = \pi'; \quad P'_{i+1} = \pi'' \ i = i+2
28
29
       return P'
30
31 end
```

Algorithm 9: genetic.cpp - CrossOX

5.1. Algorítmo Genético Generacional. AGG

Durante cada iteración, se crea una población completa con nuevos candidatos. La nueva población reemplaza directamente a la población anterior. Al ser elitista, se mantiene la mejor solución obtenida hasta el momento intercambiando dicha solución por la peor de la nueva población.



Se ha desarrollado dos variantes elitistas: una con el operador de cruce basado en posición, y otra con el operador de cruce OX.

Solo varían los operadores de selección y remplazo que se describen a continuación. El resto de operadores son los descritos anteriormente.

Operador de Selección

Se usará un torneo binario, consistente en elegir aleatoriamente dos individuos de la población y seleccionar el mejor de ellos. Se aplicarán tantos torneos como individuos existan en la población.

La implementación es la siguiente:

```
1 \operatorname{def} Select(P):
       for i = 1 to n do
 2
           r1 = \text{random in } [0, n)
 3
           r2 = random in [0, n)
 4
           if coste P_{r1} desconocido then
 5
               Calcula coste P_{r1}
 6
               evaluaciones++
 7
           end
 8
           if coste P_{r2} desconocido then
 9
               Calcula coste P_{r2}
10
               evaluaciones++
11
           end
12
           if coste P_{r1} \leq P_{r2} then
13
               P_i' = P_{r1}
14
           end
15
           else
16
              P_i' = P_{r2}
17
           end
18
       end
19
       return P'
20
21 end
```

Algorithm 10: agg.cpp - AGG::Select

Operador de Remplazo

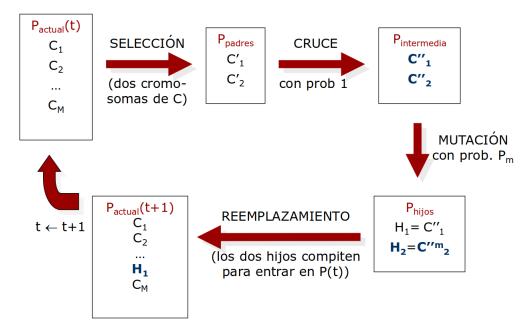
Se remplaza la anterior población por la nueva manteniendo la mejor solución obtenida hasta el momento. El pseudocódigo que implementa dicha funcionalidad es:

```
1 def Replace(P, P'):
       P'' = P'
 2
       peor\_coste = peor\_indice = 0
 3
       if \exists \pi_{best} then
 4
            for i = 1 to n do
 5
               if coste P_i'' desconocido then
 6
                    Calcula coste P_i''
 7
                    evaluaciones++\\
 8
                end
 9
                if peor\_coste < costeP_i'' then
10
                    peor\_coste = costeP_i''
11
                    peor\_indice = i
12
                end
13
            end
14
            P_{peor\_indice}^{\prime\prime} = \pi_{best}
15
       \mathbf{end}
16
       return P''
17
18 end
```

Algorithm 11: agg.cpp - AGG::Replace

5.2. Algorítmo Genético Estacionario. AGE

Durante cada iteración se escogen dos padres de la población y se les aplican los operadores genéticos. Este modelo es elitista. Además, produce una convergencia rápida ya que se remplazan los peores cromosomas de la población por los dos padres escogidos y modificados anteriormente, solo si estos mejoran a los peores de la población anterior.



De nuevo, se han implementados dos variantes; una que utiliza un cruce basado en posición y otra en cruce OX.

Al igual que en el AGG, solo cambian los operadores de selección y remplazo. No obstante notese que los padres escogidos siempre cruzan ya que la probabilidad de cruce es 1 en los AGE.

Operador de Selección

De nuevo se utiliza un torneo binario. Se aplicarán 2 torneos para escoger dos padres con los que operar posteriormente.

La implementación es la siguiente:

```
1 \operatorname{def} Select(P):
       for i = 1 to 2 do
           r1 = \text{random in } [0, n)
           r2 = \text{random in } [0, n)
 4
           if coste P_{r1} desconocido then
 5
               Calcula coste P_{r1}
 6
               evaluaciones++
 7
           end
 8
           if coste P_{r2} desconocido then
 9
               Calcula coste P_{r2}
10
               evaluaciones++
11
           end
12
           if coste P_{r1} \leq P_{r2} then
13
            P_i' = P_{r1}
14
           end
15
           else
16
              P_i' = P_{r2}
17
           end
18
       end
19
       return P'
20
21 end
```

Algorithm 12: age.cpp - AGE::Select

Operador de Remplazo

Se remplazan los (dos) peores cromosomas de la población original por los cromosomas de la nueva población solo si los segundos mejoran los primeros.

Partiendo de una implementación básica con complejidad temporal $O(n^2)$; De nuevo se ha conseguido una implementación que sacrificando espacio consigue una eficiencia O(n).

La representación en pseudocódigo de este operador es la siguiente:

```
1 def Replace(P, P'):
       P'' = P
2
      peores = set() # Se ordenan los valores en función del coste
3
      for i = 1 to len(P'') do
 4
          if coste P_i'' desconocido then
 5
              Calcula coste P_i''
 6
              evaluaciones++
 7
          end
 8
          if peores == \emptyset or costeP''_i > costepeores_0 then
 9
              if len(peores) > len(P') then
10
                  Elimina peores_0 de peores
11
12
              end
              peores = peores \cup P_i''
13
          end
14
      end
15
      for i = 1 to len(P') do
16
          if coste P'_i desconocido then
17
              Calcula coste P'_i
18
              evaluaciones++
19
          end
20
          for j = 1 to len(peores) do
21
              if coste\ peores_i > coste\ P_i' then
22
                  cambiar el cromosoma peores<sub>i</sub> de P'' por P_i
23
                  eliminar peores_i de peores
              end
25
          end
26
      end
27
      return P''
28
29 end
```

Algorithm 13: age.cpp - AGE::Replace

QAP: Práctica 2

6. Algorítmos Meméticos

Partiremos de un AGG con operador de cruce basado en posición sobre el cual, pasado un determinado número de iteraciones (blN), ejecutaremos una búsqueda local sobre un número de elementos calculado a partir de una probabilidad P_{bl} y el tamaño de la población como:

$$blExecN = \lceil P_{bl} \cdot n \rceil$$

La búsqueda local se detiene cuando sobre un cromosoma no se ha encontrado un vecino mejor, cuando se explora todo el entorno sin encontrar una solucion mejor, o bien, cuando se alcanza un número máximo de evaluaciones sobre vecinos.

Gracias a esta hibridación de tecnicas, tenemos la ventaja de alcanzar rapidamente un óptimo local gracias a la búsqueda local, y la capacidad de aceptar soluciones peores como válidas a fin de evitar quedarnos atrapados en óptimos locales.

Además, podemos elegir si aplicar la búsqueda local sobre los mejores de la población.

La única función que cambia respecto a un algorítmo génetico es el método de búsqueda, cuya implementación es la siguiente:

```
1 def Solve():
       P = GenerateRandomPopulation()
       \pi = Evaluate(P); \quad \pi_{best} = \pi; \quad generations = 0
3
       while evaluaciones \neq limite do
 4
           P' = Select(P)
 5
           P' = Cross(P')
 6
          P' = Mutate(P')
 7
           P' = Replace(P, P')
 8
          if generations == blN then
 9
              generations = 0
10
              if aplicar en los mejores then
                  P'' = P
12
                  Ordena los cromosomas de P'' con el coste de cada uno
13
                  for i = 0 to blExecN do
14
                      \pi' = BusquedaLocalSobre(P''_i)
15
                     if \exists \pi' then P_i'' = \pi';
16
                  end
17
                  Remplaza los modificados en P'' en P'
18
              end
19
              else
20
                  for i = 0 to blExecN do
21
                      \pi' = BusquedaLocalSobre(P'_i)
22
                     if \exists \pi' then P'_i = \pi';
23
                  end
\mathbf{24}
              end
25
          end
26
          \pi = Evaluate(P)
27
          if \pi mejor que \pi_{best} then \pi_{best} = \pi;
28
       end
29
      return \pi_{best}
30
31 end
```

Algorithm 14: memetic.cpp - MemeticAlg::Solve

7. Procedimiento considerado para desarrollar la práctica

Esta práctica ha sido desarrollada en C++ como una librería de metaheurísticas. La estructura del proyecto es la siguiente:

/Software	/
bin/ Archivos ejecutables	
practica1 Ejecutable principal de la práctica	
build/Directorio para compilación con CMake	
doc/ Otra documentación y código LaTeX de este documento	
include/ Cabeceras	
instancias/	
*.dat Definición de un problema	
*.slnSolución a un problema	
src/	
CMakeLists.txtInstrucciones de compilación para CMake	
readme.txtInstrucciones de uso	

Para compilar este proyecto necesitamos las herramientas g++ y CMake. Para instalarlas en un sistema **Ubuntu** o derivado, ejecutamos:

```
sudo apt-get install g++ cmake
```

Podemos compilar el proyecto con dos niveles de optimización:

- **Debug**: Sin optimización y con símbolos de depuración. Ejecutar CMake con opción -D CMAKE_BUILD_TYPE=Debug
- Release: Máxima optimización en la compilación. Por defecto.

Se compila con las siguientes instrucciones:

```
cd build/
# Para debug: cmake -D CMAKE_BUILD_TYPE=Debug ..
cmake ..
make clean
make
cd ..
```

La sintaxis de ejecución es la siguiente¹:

- ./bin/main instancias/<problema>.dat <semilla>
 Por ejemplo:
- ./bin/main instancias/chr22a.dat 12

 La salida del programa tiene la siguiente estructura:



¹El parámetro semilla es opcional, por defecto semilla = 7

QAP: Práctica 2

8. Experimentos y análisis de resultados

Con el fin de comparar los algoritmos implementados con los ya existentes, vamos a calcular para cada algoritmo los siguientes parámetros:

■ **Desv**: Media de las desviaciones en porcentaje, del valor obtenido por cada método en cada instancia respecto al mejor valor conocido para ese caso.

$$\frac{1}{|casos|} \sum_{i=1}^{casos} 100 \frac{valoralgoritmo_i - mejorValor_i}{mejorValor_i}$$

Obtendremos los mejores valores conocidos de QAPLIB²

■ *Tiempo*: se calcula como la media del tiempo de ejecución empleado por el algoritmo para resolver cada caso del problema.

Cuanto menor es el valor de Desv para un algoritmo, mejor calidad tiene dicho algoritmo. Por otro lado, si dos métodos obtienen soluciones de la misma calidad (tienen valores de Desv similares), uno será mejor que el otro si emplea menos tiempo en media.

Parámetros del experimento:

- El valor de la semilla para este experimento es 7.
- Se compilara con parámetro **debug** a fin de contrastar aún mas los resultados del tiempo entre los algorimos greedy y búsqueda local.
- Los tiempos para los algorimos genéticos y meméticos se han tomado con compilación Release, por lo tanto, se compará con el tiempo medio del greedy y búsqueda local compilados en Release.

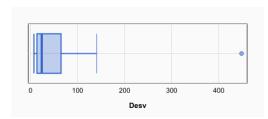
²http://anjos.mgi.polymtl.ca/qaplib//inst.html

8.1. Resultados Greedy

	Algoritmo Greedy					
Caso	Desv	Tiempo		Caso	Desv	Tiempo
Chr22a	97,11	0,000126925		Sko100a	13,36	0,000630563
Chr22b	134,48	0,000125567		Sko100f	13,77	0,00230857
Chr25a	448,47	0,000175691		Tai100a	13,80	0,000616869
Esc128	140,63	0,00117301		Tai100b	32,79	0,000626035
Had20	7,71	0,000102693		Tai150b	24,97	0,00136394
Lipa60b	27,59	0,000289296		Tai256c	120,48	0,00340613
Lipa80b	28,58	0,000382927		Tho40	29,96	0,000384573
Nug28	22,88	0,00020704		Tho150	16,98	0,00204635
Sko81	15,50	0,0013694		Wil50	11,68	0,00017995
Sko90	13,61	0,00162198		Wil100	7,33	0,000619954

Como podríamos esperar, el algoritmo greedy es muy rápido, aunque las soluciones obtenidas distan bastante de la mejor conocida. Podríamos discutir su utilidad desde un punto de vista práctico; ¿En qué escenarios puede sernos útil una búsqueda greedy?

- 1. Si ofrecemos un servicio donde la optimalidad de la solución a un problema es lo de menos y tenemos que responder muchas solicitudes con pocos recursos de manera muy rápida.
- 2. Como algoritmo auxiliar de cara a obtener una solución inicial para posteriormente tratar de mejorarla mediante el uso de algoritmos mas complejos. No obstante, esto no siempre es buena idea pues corremos el riesgo de caer en óptimos locales. Hay que usarlos con algoritmos que sean capaces de esquivar con relativa facilidad óptimos locales.





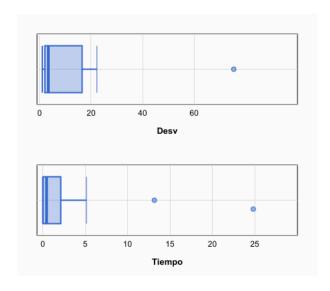
8.2. Resultados Búsqueda Local

Algoritmo B				
Caso	Desv	Tiempo		
Chr22a	17,41	0,00255601		
Chr22b	15,63	0,00382979		
Chr25a	75,40	0,00940898		
Esc128	18,75	0,360157		
Had20	1,44	0,0058809		
Lipa60b	19,79	0,114542		
Lipa80b	22,30	0,291904		
Nug28	8,94	0,0114589		
Sko81	2,70	0,540895		
Sko90	1,86	1,46495		

Bús	úsqueda Local				
	Caso	Desv	Tiempo		
	Sko100a	2,53	1,54504		
	Sko100f	2,21	2,05617		
	Tai100a	3,35	0,806562		
	Tai100b	4,94	3,26802		
	Tai150b	3,50	24,8278		
	Tai256c	1,26	5,15624		
	Tho40	5,34	0,0626425		
	Tho150	2,78	13,1679		
	Wil50	1,96	0,10151		
	Wil100	1,07	2,19904		

Aunque no se obtienen soluciones óptimas, estas están muy cerca de serlo. Podemos apreciar que este algoritmo trabaja muy bien con problemas relativamente pequeños pero dado que, a diferencia del greedy, el tiempo crece significativamente en función del tamaño del problema, utilizarlo como algoritmo de propósito general para solucionar problemas no es lo idóneo.

Sin embargo, en combinación con otros algoritmos como los Genéticos podemos obtener resultados aún mejores y en un tiempo mas aceptable dado que restringimos el espacio de búsqueda para este algoritmo.

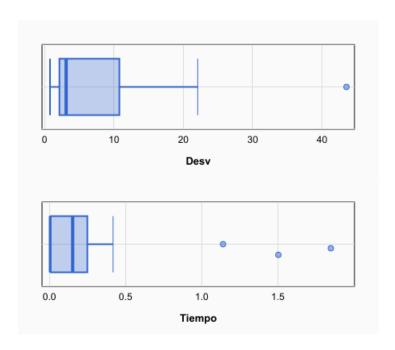


8.3. Resultados Búsqueda Local con Don't Look Bits

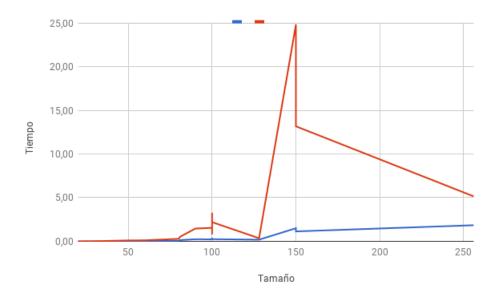
	Algoritmo Búso			
Caso	Desv	Tiempo		
Chr22a	18.23	0,0020404		
Chr22b	9.07	0,0059782		
Chr25a	43.52	0,00274717		
Esc128	12.5	0,193508		
Had20	2.11	0,00561109		
Lipa60b	20.23	0,0302634		
Lipa80b	22.08	0,0758918		
Nug28	3.45	0,0058682		
Sko81	2.1	0,141866		
Sko90	2.67	0,246332		

qu	queda Local DLB				
	Caso	Desv	Tiempo		
	Sko100a	2.78	0,229239		
	Sko100f	2.5	0,226626		
	Tai100a	4.12	0,164417		
	Tai100b	4.89	0,418418		
	Tai150b	2.59	1,5031		
	Tai256c	0.79	1,84737		
	Tho40	6.52	0,0116882		
	Tho150	2.18	1,14028		
	Wil50	1.7	0,0221609		
	Wil100	1.26	0,252535		

Podemos observar que la técnica de *Don't look bits* mejora significativamente los tiempos de ejecución de la versión básica de la búsqueda local.



En el siguiente gráfico podemos ver como evoluciona el tiempo de ejecución en función del tamaño tanto de la Búsqueda Local (rojo) como de su variante con *Don't Look Bits* (azul).

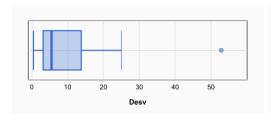


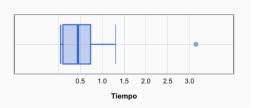
Se puede ver como el tamaño del problema no es lo único que afecta al tiempo de ejecución; La dificultad del problema en si (que es mucho mas difícil de medir) influye también. Por ejemplo, para la búsqueda local básica, se tarda más en Tai150b de tamaño 150 (24,83 segundos) que en Tai256c de tamaño 256 (5,15 segundos).

8.4. Resultados AGG con cruce basado en posición

	Algoritmo .				
Caso	Desv	Tiempo			
Chr22a	11,86	0,08			
Chr22b	14,79	0,05			
Chr25a	52,85	0,06			
Esc128	25,00	0,95			
Had20	0,46	0,05			
Lipa60b	20,94	0,26			
Lipa80b	22,68	0,40			
Nug28	5,92	0,07			
Sko81	4,20	0,40			
Sko90	3,79	0,49			

GG-Posición Caso Desv Tiempo					
Sko100a	4,34	0,61			
Sko100f	3,58	0,62			
Tai100a	5,09	0,76			
Tai100b	10,52	0,71			
Tai150b	12,81	1,31			
Tai256c	2,25	3,14			
Tho40	2,75	0,13			
Tho150	7,22	1,22			
Wil50	2,31	0,18			
Wil100	2,30	0,64			

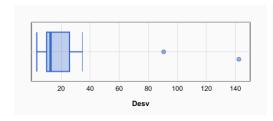


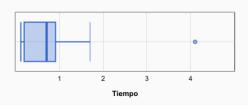


8.5. Resultados AGG con cruce OX

		Algoritmo
Caso	Desv	Tiempo
Chr22a	34,73	0,13
Chr22b	34,42	0,13
Chr25a	142,41	0,14
Esc128	90,63	1,42
Had20	3,24	0,12
Lipa60b	25,54	0,44
Lipa80b	25,98	0,63
Nug28	11,73	0,14
Sko81	10,78	0,65
Sko90	11,14	0,77

AGG-OX				
Caso	Desv	Tiempo		
Sko100a	10,21	0,93		
Sko100f	11,52	0,89		
Tai100a	9,81	0,89		
Tai100b	25,56	0,90		
Tai150b	19,43	1,64		
Tai256c	4,85	4,10		
Tho40	16,97	0,25		
Tho150	13,65	1,70		
Wil50	7,32	0,34		
Wil100	6,50	0,87		

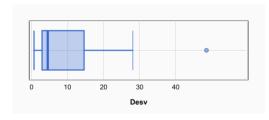


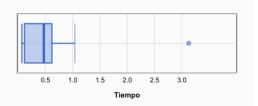


8.6. Resultados AGE con cruce basado en posición

	A	lgoritmo A
Caso	Desv	Tiempo
Chr22a	14,78	0,09
Chr22b	14,40	0,07
Chr25a	48,52	0,08
Esc128	28,13	0,86
Had20	0,72	0,08
Lipa60b	20,38	0,28
Lipa80b	21,90	0,46
Nug28	3,87	0,10
Sko81	3,28	0,37
Sko90	2,81	0,48

E-Posición				
Caso	Desv	Tiempo		
Sko100a	3,07	0,63		
Sko100f	3,63	0,60		
Tai100a	4,57	0,51		
Tai100b	10,50	0,51		
Tai150b	6,42	1,02		
Tai256c	1,98	3,13		
Tho40	5,08	0,13		
Tho150	4,48	1,04		
Wil50	2,46	0,18		
Wil100	1,23	0,49		

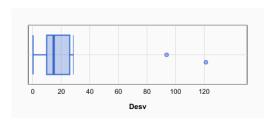


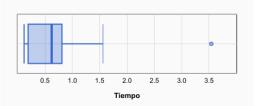


8.7. Resultados AGE con cruce OX

		Algoritme
Caso	Desv	Tiempo
Chr22a	25,41	0,12
Chr22b	16,73	0,12
Chr25a	121,29	0,12
Esc128	93,75	1,33
Had20	0,17	0,12
Lipa60b	26,33	0,41
Lipa80b	27,79	0,59
Nug28	7,70	0,14
Sko81	13,50	0,58
Sko90	13,54	0,66

AGE-OX				
Caso	Desv	Tiempo		
Sko100a	12,82	0,75		
Sko100f	12,51	0,73		
Tai100a	11,77	0,80		
Tai100b	28,43	0,82		
Tai150b	23,62	1,56		
Tai256c	3,76	3,54		
Tho40	22,94	0,25		
Tho150	15,74	1,38		
Wil50	7,70	0,31		
Wil100	7,35	0,77		





Tiempo

0,61

0,60

0,57

0,68

1,87

3,74

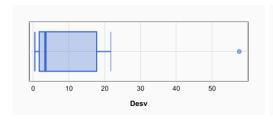
0,12 1,67

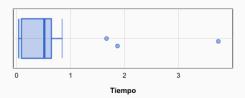
0,17

0,58

8.8. Resultados Memético (10, 1)

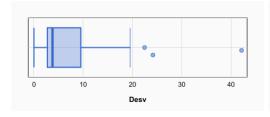
${\bf Algoritmo}{\bf AM}(10,1)$					
Caso	Desv	Tiempo		Caso	Desv
Chr22a	16,73	0,05		Sko100a	2,24
Chr22b	19,66	0,04		Sko100f	1,79
Chr25a	57,59	0,05		Tai100a	3,63
Esc128	18,75	0,85		Tai100b	3,98
Had20	0,46	0,04		Tai150b	3,19
Lipa60b	20,49	0,24		Tai256c	0,52
Lipa80b	21,68	0,40		Tho40	3,78
Nug28	6,85	0,06		Tho150	2,96
Sko81	1,85	0,46		Wil50	0,73
Sko90	1,58	0,60		Wil100	0,72

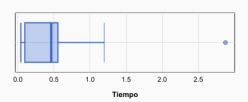




8.9. Resultados Memético (10, 0.1)

${\bf Algoritmo}{\bf AM}(10,0.1)$						
Caso	Desv	Tiempo		Caso	\mathbf{Desv}	Tiempo
Chr22a	11,57	0,08		Sko100a	2,00	0,56
Chr22b	24,15	0,05		Sko100f	3,08	0,55
Chr25a	42,15	0,05		Tai100a	4,44	0,53
Esc128	0,00	0,93		Tai100b	4,99	0,55
Had20	3,15	0,04		Tai150b	4,24	1,20
Lipa60b	19,52	0,28		Tai256c	0,71	2,88
Lipa80b	22,46	0,44		Tho40	5,42	0,12
Nug28	7,47	0,07		Tho150	2,91	1,15
Sko81	3,30	0,42		Wil50	2,53	0,17
Sko90	3,30	0,48		Wil100	0,77	0,53

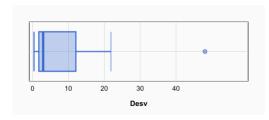


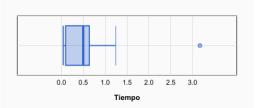


8.10. Resultados Memético (10, 0.1 mejores)

	Algoritmo A			
Caso	Desv	Tiempo		
Chr22a	10,23	0,05		
Chr22b	13,98	0,05		
Chr25a	48,05	0,06		
Esc128	21,88	0,97		
Had20	0,46	0,04		
Lipa60b	20,45	0,27		
Lipa80b	21,67	0,46		
Nug28	5,46	0,07		
Sko81	2,54	0,50		
Sko90	1,79	0,50		

N.	M(10, 0.1 mej)					
	Caso	Desv	Tiempo			
	Sko100a	1,52	0,55			
	Sko100f	2,11	0,59			
	Tai100a	4,16	0,67			
	Tai100b	1,80	0,61			
	Tai150b	3,32	1,24			
	Tai256c	0,44	3,17			
	Tho40	4,18	0,12			
	Tho150	2,66	1,18			
	Wil50	2,19	0,17			
	Wil100	1,01	$0,\!55$			





8.11. Comparación de los resultados. Conclusiones.

Algoritmo	Desv	Tiempo
Greedy	61,08	0,00088787315
BL	10,66	2,80
BL. Don't Look Bits	8.26	0,33

Como podemos ver, el tiempo de ejecución del algoritmo greedy es varias magnitudes menor que los tiempos de los otros dos algoritmos. Sin embargo, la poca calidad de sus soluciones hace que, por si sola, no sea una herramienta idónea de cara a resolver problemas.

Tanto la Búsqueda Local básica como su variante con *Dont't look bits* nos ofrecen resultados mucho mas óptimos que el greedy.

Como la desviación de BL y BL con DLB es similar, debemos fijarnos en el tiempo medio de ejecución. La variante DLB es 8.5 veces más rápida³ que la original. Aunque la variante $Don't\ Look\ Bits$ ofrece resultados ligeramente mejores, esto no debe ser tomado como referencia, pues la naturaleza aleatoria de cara a generar la solución de partida hace que no podamos asegurar que uno encuentra siempre una solución mejor que la otra.

Cabe destacar que el experimento ha sido compilado sin optimización (\boldsymbol{Debug}) . La realidad es que con un nivel máximo de optimización $(\boldsymbol{Release})$, aún en problemas de mayor tamaño y complejidad como $\boldsymbol{Tai150b}$ obtenemos unos tiempos mucho menores que hace que utilizar un greedy en producción sea aun menos viable.

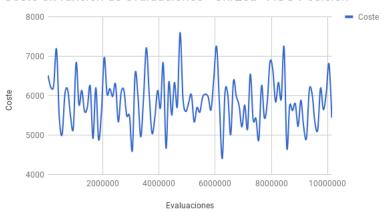
Un ejemplo ilustrativo de la diferencia de tiempos en función del nivel de optimización:

Tai 150b	Nivel de Optimización		
Algoritmo	Debug Release		
$_{ m BL}$	24.174	1.55584	
BL DLB	1.54554	0.105939	

 $^{^{3}2,80/0,33 = 8.\}overline{48}$

Algoritmo	Desv	Tiempo
Greedy	61.08	0,0000609593
BL	10.66	0.24
BL. DLB	8.26	0,03
AGG. Posición	10,78	0,61
AGG. OX	25,82	0,85
AGE. Posición	10,11	0,56
AGE. OX	24,64	0,76
AM (10, 1)	9,46	0,67
AM (10, 0.1)	8,41	0,55
AM (10, 0.1 mejores)	8,50	0,59

Coste en funcion de evaluaciones - Chr25a - AGG Posición



Coste en función de la población - Chr25a - AM(1, 1)

