

Résultats préliminaires

Samuel BARRETO

December 3, 2015

Premiers résultats

Observations globales

- Comptages

- Qualité

Distribution des SNP

- Globale

- Position terminale de switch

Polymorphisme

- Spectrogrammes

- Globalement

Néo-mutations

Observations globales

mutant	count
strong	83
weak	87

Nombres de séquences par manip

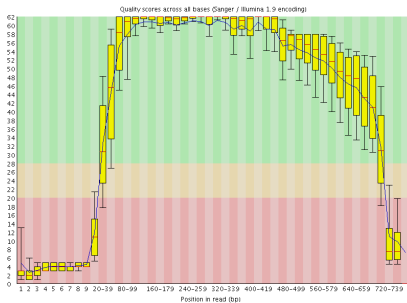
mutant	count
strong	1236
weak	1192

Nombre de SNP par manip

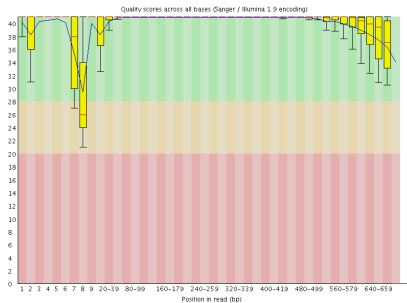
Type de mutation	nombre
SW	1188
WS	1237
WW	3

Nombre de mutation par type

Qualité des séquences

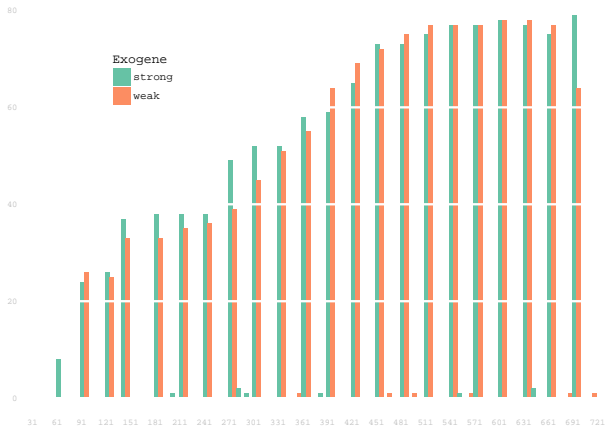


Séquences non trimmées



Séquences trimmées

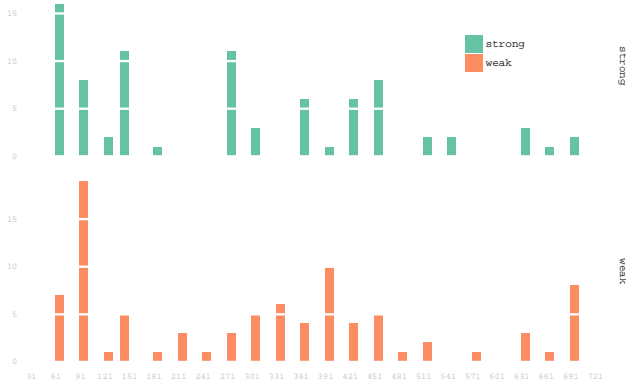
Distribution globale des SNP



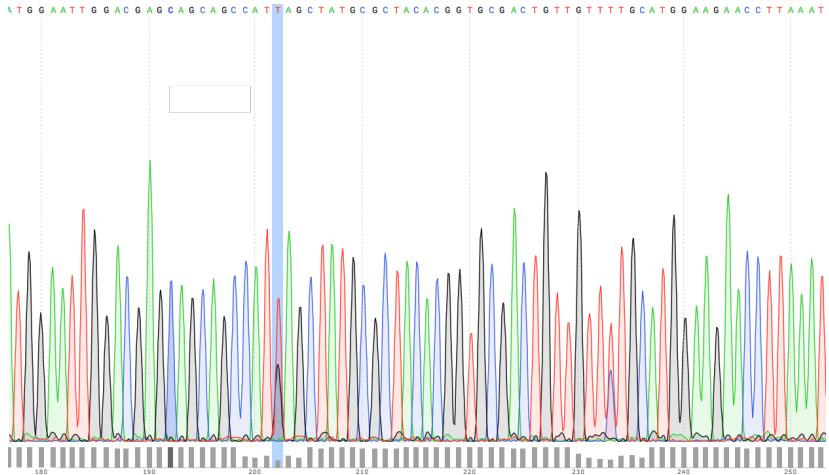
Quantité de SNP par position et par manip

Position terminale de switch

Distribution de la position de switch en fonction du type de mutant

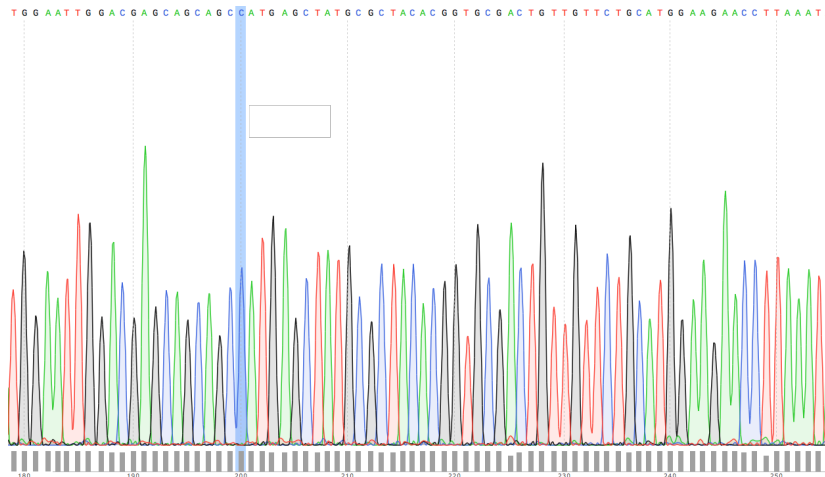


Sur les spectrogrammes



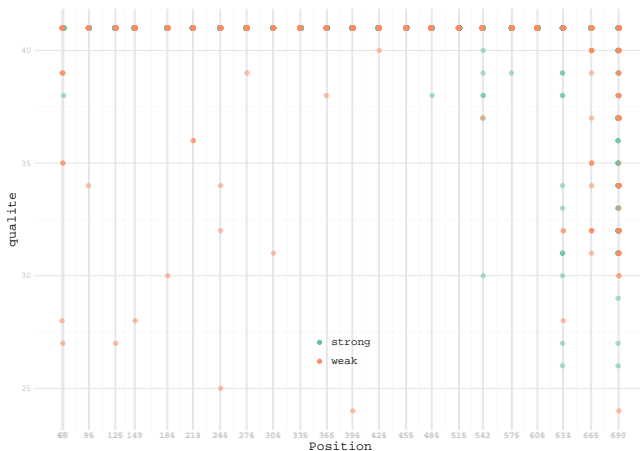
Pour la manip Weak

Sur les spectrogrammes

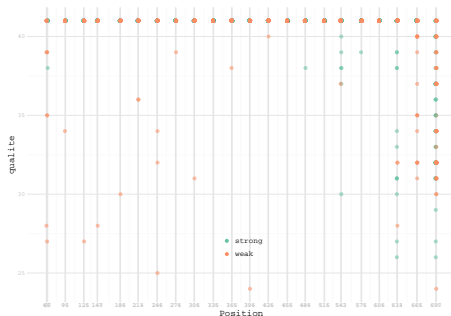


Pour la manip Strong

Le polymorphisme est weak spécifique



Le polymorphisme est weak spécifique



mutant	count
strong	8
weak	21

Nombre de SNP aux positions attendues dans la région < 600 de qualité inférieure à 40. Il n'y a pas de néomutations de qualité inférieure à 40

mutant	count
Strong	0.008629989
Weak	0.02320442

En fréquence

Les néomutations sont $W \rightarrow S$

Type de Substitution	Nombre
SW	3
WS	12
WW	3

19997060.seq	...	C	...	G	...	G
19997066.seq	...	C	...	G	...	G
19997090.seq	...	C	...	G	...	G
19996871.seq	...	C	...	G	...	G
19997141.seq	...	C	...	G	...	G
19996895.seq	...	C	...	G	...	G
19996910.seq	...	C	...	G	...	G
19996952.seq	...	C	G	G	...	G
19997126.seq	...	C	...	G	...	G
19996919.seq	...	C	...	G	...	G
19997132.seq	...	C	...	G	...	G
19997147.seq	...	C	...	G	...	G
19997018.seq	...	C	...	G	...	G

Il faut faire attention aux mutations de ce genre : c'est une mutation W dans la manip strong, à une position attendue de la manip Weak.

Distribution des néomutations



Dans la conversion tract ?

inside_conv	count
non	1
oui	17