#### МИНОБРНАУКИ РОССИИ

Федеральное государственное бюджетное образовательное учреждение высшего образования

«Ярославский государственный университет им. П.Г. Демидова»

Кафедра математического анализа

| Сдано на кафедру    |
|---------------------|
| «5» июня $2025$ г.  |
| Заведующий кафедрой |
| д. фм. н.           |
| Невский М.В.        |

Выпускная квалификационная работа

# Восстановление треков заряженных частиц по данным электромагнитного калориметра

направление подготовки 01.03.02 Прикладная математика и информатика

|     | Научный руководитель<br>Алексеев В.В.<br>«5» июня 2025 г. |
|-----|---|
|     |   |
| Сту | дент группы ПМИ-43БО                                      |
| _   | Нехаенко П.А.   |
|     | «5» июня 2025 г.  |

## Реферат

Дипломная работа изложена на 31 странице, включает введение, четыре главы, заключение и приложение. В тексте приведено 13 рисунков, 2 таблицы и 9 использованных источников.

**Ключевые слова:** трековая реконструкция, стриповый калориметр, антипротоны, эксперимент PAMELA, преобразование Хафа, метод проекционной релаксации, оптимизация.

Работа посвящена задаче восстановления трёхмерной топологии взаимодействия заряжённых частиц в кремниево-вольфрамовом стриповом калориметре эксперимента РАМЕLА. Построена параметрическая модель прямолинейных и ломаных траекторий, разработан алгоритм их инициализации с помощью преобразования Хафа и реализована глобальная оптимизация, совмещающая геометрию треков с распределением энерговыделений. Для последующего определения энергетического профиля сформулирована выпуклая квадратичная задача, решаемая методом проекционной релаксации.

На симулированных данных Geant4 комбинированный подход повысил метрику IoU с 0.45 до 0.53, Dice — с 0.62 до 0.69 и снизил Energy-WEMD на 34 %. Для реальных событий PAMELA достигнуто среднее покрытие IoU 24.7 % при уменьшении проекционной невязки на 33 %. Ограничения метода связаны с ростом вычислительных затрат при числе треков свыше восьми и чувствительностью к несовместимым проекциям. Намечены расширения: регуляризация TV, стохастический поиск МСМС и применение 3D U-Net для локализации области интереса.

## Содержание

| Bı      | веде              | ние  | 3  |  |  |
|---------|-------------------|--|----|--|--|
|         | Экс               | перимент PAMELA  | 3  |  |  |
|         |                   | ориметр аппарата РАМЕLA  | 3  |  |  |
| 1       | Пос               | становка задачи  | 6  |  |  |
|         | 1.1               | Исходные данные  | 6  |  |  |
|         | 1.2               | Восстановление траекторий частиц                                   | 6  |  |  |
|         | 1.3               | Восстановление значений энерговыделений                            | 7  |  |  |
| 2       | Алі               | горитм восстановления траекторий                                   | 9  |  |  |
|         | 2.1               | Идентификация антипротонов в эксперименте PAMELA                   | 9  |  |  |
|         | 2.2               | Восстановление трека антипротонов в калориметре                    | 9  |  |  |
|         |                   | 2.2.1 Преобразование Хафа  | 10 |  |  |
|         |                   | 2.2.2 Методика восстановления треков частиц и античастиц на основе |    |  |  |
|         |                   | преобразования Хафа  | 10 |  |  |
|         | 2.3               | Обобщённая схема алгоритма реконструкции                           | 14 |  |  |
| 3       | Алі               | горитм восстановления энергий вдоль трека                          | 16 |  |  |
|         | 3.1               | Формулировка задачи восстановления энергетического распределения.  | 16 |  |  |
|         | 3.2               | Метод проекционной релаксации и численное решение                  | 17 |  |  |
| 4       | Рез               | ультаты  | 18 |  |  |
|         | 4.1               | Результаты на модельных данных (MC)                                | 18 |  |  |
|         | 4.2               | Результаты на данных PAMELA  | 19 |  |  |
| Зғ      | клю               | <b>ч</b> ение  | 21 |  |  |
| $\Pi_1$ | Приложение        |  |    |  |  |
| Cı      | Список литературы |  |    |  |  |

## Введение

Антипротоны — это частицы антиматерии, которые в малом количестве присутствуют в галактических космических лучах (ГКЛ). Считается, что основным механизмом их генерации в Галактике являются взаимодействия высокоэнергичных космических лучей с межзвездным веществом, известные как механизм вторичного рождения антипротонов [1]. Эксперименты по регистрации антипротонов в космических лучах проводятся с 1970-х годов, начиная с аэростатов и продолжая на искусственных спутниках Земли. Наиболее современными экспериментами являются РАМЕLA [2] и AMS-02 [3]. В данной работе используются данные эксперимента РАМЕLA, а также данные, полученные в результате моделирования электромагнитного калориметра, который является составной частью аппарата РАМЕLA, в среде моделирования Geant4 [4].

Один из способов регистрации антипротонов низких энергий (до 400 MэВ) заключается в исследовании топологии аннигиляции частицы в позиционно-чувствительном стриповом калориметре [5]. Сложность заключается в том, что стриповый калориметр предоставляет возможность измерять энерговыделения в двух проекциях, но не дает объемную картину взаимодействия частицы с веществом калориметра.

## Эксперимент PAMELA

Аппарат **PAMELA** (Payload for Antimatter–Matter Exploration and Light–nuclei Astrophysics, puc. 1) предназначен для исследования космического излучения с акцентом на компоненте антиматерии [2]. Данный аппарат был установлен в гермоблоке спутника «*Pecypc-ДК1*», и осуществлял работу в 2006–2016 гг. Одной из важных составляющих аппарата является электромагнитный вольфрам-кремниевый калориметр, данные которого анализируются в дипломной работе.



Рис. 1: Компоновка спутникового комплекса РАМЕLA.

## Калориметр аппарата PAMELA

Калориметр аппарата РАМЕLA (рис. 2) состоит из 44 однослойных кремниевых сенсорных плоскостей, чередующихся с 22 вольфрамовыми плоскостями (толщина каждого слоя составляет 0.26 см). Кремниевые плоскости состоят из  $3 \times 3 = 9$  кремниевых детекторов, каждый из которых разделён на 32 считывающих стрипа (полосы) с шагом 2.4 мм [5].

Большинство частиц, попадающих в калориметр, при взаимодействии с его веществом инициируют возникновение вторичных частиц, передавая им часть своей энергии. Взаимодействие может быть электромагнитным, либо сильным (адронным), в котором происходит взаимодействие частицы с ядром вещества-поглотителя (в данном случае, вольфрама). Картину, при которой происходит каскад взаимодействий: вторичные частицы порождают новые, и т.д., называют ливнем (соответственно, электромагнитным или адронным).





Рис. 2: Электромагнитный калориметр PAMELA.

При этом, для антипротонов низких (до 400 MэВ) энергий взаимодействие с веществом калориметра характеризуется типичной картиной аннигиляции: в точке взаимодействия порождаются 4-5  $\pi$ -мезонов, причём направления разлёта порождённых частиц равновероятны. Следы образующихся при аннигиляции антипротона частиц (заряженных  $\pi$ -мезонов) имеют характерную форму «звезды» (рис. 3). Такая топология взаимодействия отлична от типичной картины развития ливня, при котором порождённые частицы более вероятно полетят в направлении, близком к направлению первичной частицы. Это позволяет в задаче разделения электронов и антипротонов использовать дескрипторы, связанные с топологией взаимодействия. Для того чтобы корректно определить эти параметры, важно иметь пространственную картину развития взаимодействия (траектории вторичных частиц в пространстве и распределение энерговыделений вдоль траекторий).

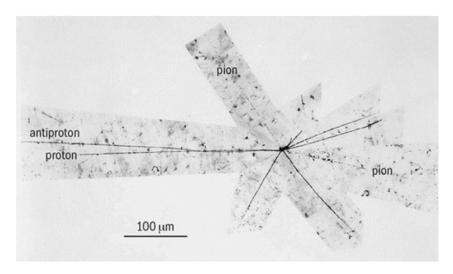


Рис. 3: Аннигиляция антипротона, наблюдавшаяся на ускорителе Беватроне в Калифорнийском университете в Беркли в 1955 году с помощью фотоэмульсии. Антипротон входит слева. Толстые линии принадлежат медленным протонам или фрагментам ядра, а тонкие — быстрым  $\pi$ -мезонам [6].

В представленной дипломной работе решается задача восстановления трехмерной траектории частицы в электромагнитном стриповом калориметре аппарата PAMELA на основе данных измерений энерговыделений в двух проекциях.

Работа состоит из введения, четырех глав, заключения и приложения.

Во **введении** описывается эксперимент PAMELA, в частности, электромагнитный калориметр аппарата PAMELA. Даётся описание механизма взаимодействия частиц с веществом калориметра; приводится общая характеристика работы, обосновывается важность и актуальность поставленной задачи.

В первой главе определяется набор исходных данных и формулируется задача реконструкции трека.

Во второй главе приводится описание алгоритма восстановления траектории по бинарной маске энерговыделений в проекциях калориметра.

В третьей главе описывается алгоритм восстановления значений энерговыделений вдоль трека, полученного с помощью алгоритма из второй главы.

В четвертой главе приводятся результаты применения алгоритмов к данным моделирования и экспериментальным данным, а также оценка точности работы алгоритмов.

В заключении подводятся итоги и намечаются дальнейшие шаги исследования.

В **приложении** представлен код реализации алгоритмов на языке Python. **Список литературы** включает 9 наименований.

## 1 Постановка задачи

#### 1.1 Исходные данные

Каждое событие прохождения заряженной частицы через калориметр характеризуется двумя матрицами отклика прибора с неотрицательными значениями

$$XZ \in \mathbb{R}^{96 \times 22}, \qquad YZ \in \mathbb{R}^{96 \times 22}.$$
 (1)

Строка матрицы с номером z соответствует набору энерговыделений, считанных в вольфрамовом слое с номером z кремниевым детектором, стрипы которого ориентированы параллельно оси X (для матрицы YZ), либо оси Y (для матрицы XZ).

Для данных моделирования в среде Geant4 для каждого события известна следующая информация о каждом событии.

- Точка влёта первичной частицы  $(x_{start}, y_{start})$ .
- Углы влёта (зенитный и азимутальный) первичной частицы  $(\theta_{start}, \varphi_{start})$ .
- Координаты пересечения каждой плоскости первичной частицей, энерговыделения в данных точках.
- Точка взаимодействия первичной частицы  $(x_{int}, y_{int}, z_{int})$ .
- $\bullet$  Количество порождённых частиц N.
- Типы вторичных частиц и углы  $(\theta_i, \varphi_i)$ ,  $i = 1, \dots, N$ , задающие направления их разлёта.

Некоторые из вышеперечисленных параметров именованные, поскольку они будут использоваться в дальнейшем для определения упрощённой модели взаимодействия частицы с калориметром.

Моделирование каскадов взаимодействий с тремя и более уровнями не проводилось, т. к. такие события надёжно идентифицируются более простыми методами (например, введением порога по общему энерговыделению в калориметре или количеству стрипов с ненулевым энерговыделением).

Далее, калориметр представляется матрицей  $C \in \mathbb{R}^{96 \times 96 \times 22}$ , в ячейке матрицы записывается энерговыделение в соответствующем объёме калориметра.

## 1.2 Восстановление траекторий частиц

Первая задача заключается в восстановлении топологической картины взаимодействия первичной частицы в калориметре. Её описание включает в себя траекторию первичной частицы, точку взаимодействия и траектории порождённых частиц.

Для решения этой задачи требуется в т.ч. описать параметрическую модель взаимодействия. Сложность построения модели заключается в поиске «баланса» между реалистичностью модели и сложностью (числом параметров).

Аналитическая постановка задачи следующая. Нужно описать детерминированную модель M взаимодействия первичной частицы

$$M: \nu \to \{0, 1\}^{96 \times 96 \times 22}, \quad \nu \in \mathbb{P}, \tag{2}$$

где  $\mathbb{P}$  — пространство параметров модели,  $\nu$  — вектор параметров. Модель должна по набору параметров возвращать подмножество трёхмерных объёмов калориметра, через которые прошла частица.

Для реализации модели M при фиксированном наборе параметров  $\nu$  определим проекции  $M^x(\nu), M^y(\nu) \in \{0,1\}^{96 \times 22}$  следующим образом:

$$M^{x}(\nu)_{ik} = \text{sign}\left[\sum_{j=1}^{96} M(\nu)_{ijk} > 0\right], \quad i = 1, \dots, 96, \quad k = 1, \dots, 22.$$
 (3)

$$M^{y}(\nu)_{jk} = \text{sign}\left[\sum_{i=1}^{96} M(\nu)_{ijk} > 0\right], \quad j = 1, \dots, 96, \quad k = 1, \dots, 22.$$
 (4)

Т.е. если при фиксированных координатах i,k хотя бы одна из ячеек  $M(\nu)_{ijk},$   $j=1,\ldots,96$  принимает значение 1, то  $M^x(\nu)_{ik}=1$ , иначе  $M^x(\nu)_{ik}=0$ . Аналогично для проекции Y.

Пусть  $XZ_{bin}$ ,  $YZ_{bin}$  — бинаризованные матрицы энерговыделений. Теперь восстановление траектории частицы заключается в решении задачи минимизации

$$\mu_{bin}(M^x(\nu), XZ_{bin}) + \mu(M^y(\nu), XZ_{bin}) \xrightarrow[\nu \in \mathbb{P}]{} \min,$$
 (5)

где  $\mu_{bin}$  — некоторая метрика (в нестрогом смысле) на пространстве 0-1 матриц, которую также нужно выбрать.

#### 1.3 Восстановление значений энерговыделений

Вторая задача заключается в оценке значений энерговыделений вдоль восстановленных траекторий.

Пусть  $\nu^* \in \mathbb{P}$  — вектор параметров, являющийся решением первой задачи,  $M = M(\nu^*) \in \{0,1\}^{96 \times 96 \times 22}$  — матрица, задающая траекторию частиц, участвующих во взаимодействии. Зададим множество матриц

$$\mathbb{M} = \{ A \in \mathbb{R}^{96 \times 96 \times 22} \mid \operatorname{sign} A_{ijk} \geqslant M_{ijk},$$

$$i = 1, \dots, 96, \ j = 1, \dots, 96, \ k = 1, \dots, 22 \}.$$
 (6)

принимающих неотрицательные значения только в тех ячейках, в которых M принимает значение 1, а в остальных принимает значение 0.

Пусть матрицы проекций  $A^x, A^y \in \mathbb{R}^{96 \times 22}$  определены следующим образом.

$$A_{ik}^{x} = \sum_{j=1}^{96} A_{ijk} > 0, \quad i = 1, \dots 96, \quad k = 1, \dots, 22.$$
 (7)

$$A_{jk}^{y} = \sum_{i=1}^{96} A_{ijk}, \quad j = 1, \dots 96, \quad k = 1, \dots, 22.$$
 (8)

Будем искать оптимальное решение на множестве матриц  $\mathbb{M}$ . Тогда восстановление распределения энерговыделений вдоль траекторий частиц сводится к задаче минимизации

$$\mu(A^x, XZ) + \mu(A^y, YZ) \xrightarrow{A \in \mathbb{M}} \min,$$
 (9)

где  $\mu$  — метрика на пространстве матриц  $\mathbb{R}^{96 \times 96 \times 22}$ , которую также нужно выбрать. Замечание. Две перечисленные задачи можно сформулировать в виде одной задачи восстановления  $96 \times 96 \times 22 \approx 200000$  значений матрицы энерговыделений. Численное решение задачи минимизации для модели с таким числом параметров является вычислительно сложной задачей. Разложение исходной задачи в виде двух подзадач (5) и (3.1) значительно облегчает вычисления, т. к. количество параметров в первой модели  $\approx 15$  (для пяти вторичных частиц), а во второй модели порядка 100, поскольку матрица энерговыделений является разреженной.

## 2 Алгоритм восстановления траекторий

## 2.1 Идентификация антипротонов в эксперименте PAMELA

Совокупность детекторов спектрометра позволяет надёжно идентифицировать частицы различными практически независимыми способами. Выделение антипротонов в потоке космических лучей проводилось с использованием трековой системы, которая измеряла энерговыделение и определяла знак заряда частиц по отклонению в магнитном поле. Преимущество этого метода заключается в широком энергетическом диапазоне измерений (80 МэВ — 350 ГэВ). С другой стороны, в области низких энергий (до 400 МэВ) результаты могут быть проверены и дополнены независимо: при помощи анализа топологии аннигиляции в позиционно- чувствительном стриповом калориметре и информации с детекторов время-пролётной (ВПС) системы. Разрабатываемая методика позволит увеличить статистику в антипротонах низких энергий за счет большего геометрического фактора калориметра, по сравнению с магнитным спектрометром, а также провести сравнение с данными, полученными с помощью магнитно-трековой системы. Для создания методики идентификации низкоэнергетических антипротонов с помощью позиционно-чувствительного калориметра эксперимента РАМЕLА нужно:

- Восстановить трек антипротонов в калориметре.
- Используя трек и энерговыделение в калориметре, создать критерии отбора для идентификации антипротонов на фоне протонов, преобладающих частиц в КЛ и  $\pi$  мезонов, которые в большом количестве рождаются в результате взаимодействия КЛ с контейнером и другими элементами PAMELA.

## 2.2 Восстановление трека антипротонов в калориметре

Идентификация антипротонов в эксперименте PAMELA возможна двумя независимыми способами:

- 1. используя отклонение в магнитно-трековой системе и время пролета частицы через прибор;
- 2. анализируя топологию взаимодействия с веществом позиционно- чувствительного стрипового калориметра.

В области низких энергий антипротоны останавливаются в калориметре, теряя свою энергию по закону Брэгга вплоть до точки остановки, где происходит их аннигиляция с веществом прибора, сопровождающаяся большим энерговыделением и рождением вторичных частиц, как правило, -мезонов. Отклик калориметра на такое событие представляет собой цветное пиксельное изображение в 2-х проекциях XZ и YZ, где Z — вертикальная ось прибора, а цветом показывается энерговыделение в пикселях в качестве которых выступают отдельные стрипы. Пиксели выстраиваются в последовательности, связанные с траекторией движения заряженных частиц или античастиц. Используя преобразование Хафа как метод анализа изображений для поиска на них прямых линий (треков), удалось построить метод восстановления треков антипротонов, аннигилировавших в калориметре спектрометра PAMELA, а

также идентификации их на фоне других частиц, присутствующих в космическом излучении.

#### 2.2.1 Преобразование Хафа

Преобразование Хафа (англ. Hough transform) предназначено для выделения прямых линий на цифровом изображении. В простейшем случае оно является линейным и основано на переходе в некоторое пространство параметров, где поиск прямых осуществляется тривиально. Рассмотрим параметрическое уравнение прямой:

$$\rho = x \cdot \cos \theta + y \cdot \sin \theta,\tag{10}$$

где  $\rho$  — это длина радиус-вектора, ближайшей к началу координат точки на прямой (т. е. нормали к прямой, проведённой из начала координат), а  $\theta$  — угол между этим вектором и осью абсцисс (рис. 4, слева).

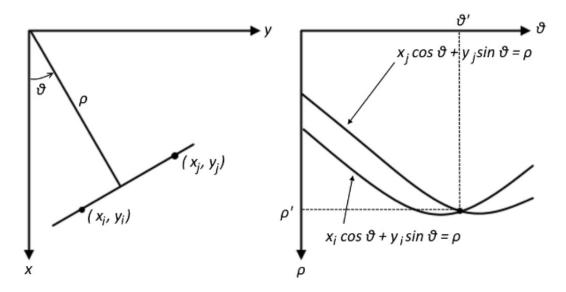


Рис. 4: Прямая в пространстве X - Y (слева), в пространстве параметров  $\rho$  –  $\theta$  (справа)

Для применения преобразования Хафа к прямой на рисунке зафиксируем две точки  $(x_i,y_i)$  и  $(x_j,y_j)$  на этой прямой. Перейдём в пространство параметров  $(\theta,\rho)$ ; при этом каждая из точек на исходном изображении переходит в синусоиду. Тогда прямая на плоскости X-Y переходит в точку пересечения синусоид  $(\theta',\rho')$  на плоскости  $\theta-\rho$  (рис. 4, справа). То есть с каждой прямой на исходном изображении можно связать точку с координатами  $(\theta,\rho)$ , которая является уникальной при условии, что  $\theta\in[0,2\pi]$  и  $\rho>0$ .

Нахождение точки пересечения синусоид позволяет определить уравнение прямой (10).

## 2.2.2 Методика восстановления треков частиц и античастиц на основе преобразования Xaфa

Для создания методики проведено моделирование изотропных потоков антипротонов в диапазоне жесткостей от 0.5 до 5  $\Gamma B$  при помощи программного обеспечения, принятого в коллаборации PAMELA, и основанного на пакете Geant4 .

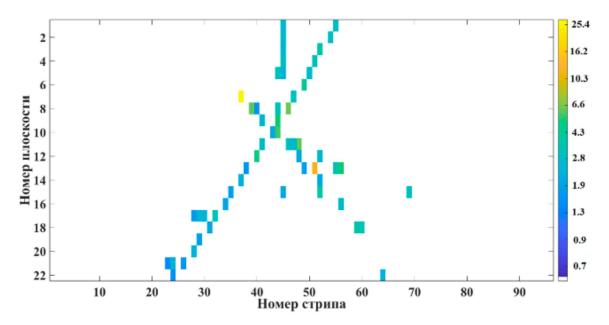


Рис. 5: Антипротон с жесткостью -0.7 ГВ в калориметре спектрометра РАМЕLА

Разработан алгоритм поиска треков частиц или античастиц, состоящий из следующих пунктов:

- преобразование изображения взаимодействующих в калориметре частиц в бинарное изображение;
- применение преобразования Хафа к полученному бинарному изображению и восстановление множества прямых линий;
- классификация найденных линий на группы, соответствующие первичным и вторичным частицам;
- восстановление и выбор трека, соответствующего первичной античастицы.

Покажем применение этого алгоритма на примере одного события — антипротона с жесткостью -0.7 ГВ. На рисунке 5 показано изображение его аннигиляции в калориметре: по оси X отложены номера плоскостей, а по оси Y — номера стрипов, цветом показано энерговыделение (чем ярче цвет, тем энерговыделение выше, справа на рисунке показана шкала в орч). На этом рисунке антипротон влетает вертикально сверху в апертуре спектрометра PAMELA, а другие 4 трека соответствуют продуктам его аннигиляции в веществе калориметра.

Преобразуем это изображение в бинарное, предполагая, что отсутствие сигнала - это логический ноль, а наличие энерговыделения - логическая единица (рис. 7). Применим преобразование Хафа, перейдя в пространство параметров  $(\theta, \rho)$ . Количество пересечений синусоид, полученных в результате применения преобразования Хафа к рассматриваемому событию, приведено рисунке 7: оттенками серого показано количество пересечений в долях единицы; чем темнее, тем больше пересечений.

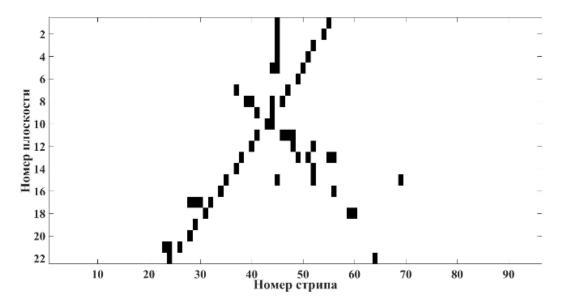


Рис. 6: Бинарное изображение взаимодействия антипротона в калориметре

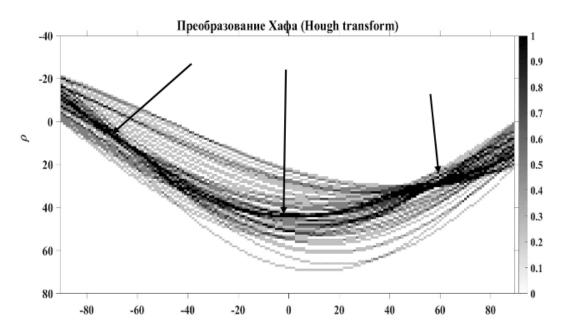


Рис. 7: Синусоиды, полученные в результате применения преобразования Хафа к рассматриваемому событию.

Самые темные области соответствуют наибольшему количеству пересечений синусоид, а значит линиям на исходном изображении. Все найденные линии показаны зелёным цветом на рисунке 8, большинство из них соответствуют углам около  $\pm 60^\circ$  и  $0^\circ$ .

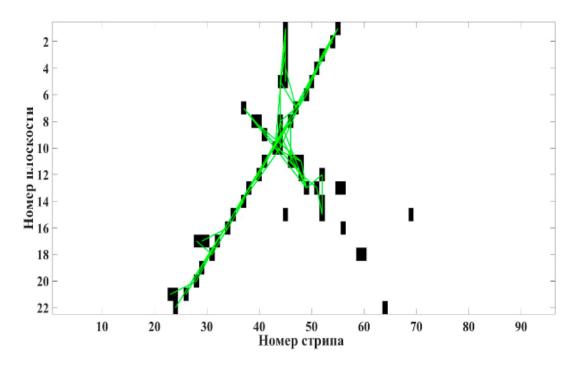


Рис. 8: Восстановленное изображение взаимодействия антипротона в калориметре

Для привязки найденных линий к различным частицам использован классификатор k-средних с признаками:

- угол наклона прямой
- начальная точка прямой.

По ним классификатор распределяет линии, которые по своей топологии относятся к первичной и вторичным частицам. При этом треком первичной частицы считается трек, приходящий из основной апертуры прибора. На рисунке 9 красной линией показан восстановленный в калориметре трек, соответствующей треку первичного антипротона. Энергию антипротона можно определить при помощи анализа длины пробега и энерговыделения до точки остановки (кривая Брэгга).

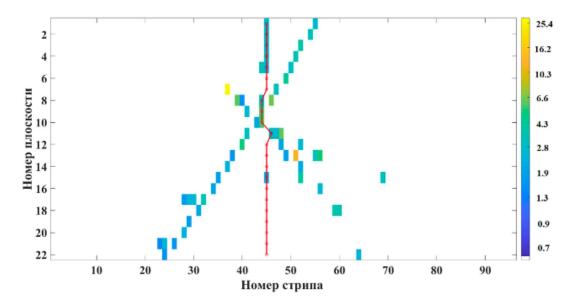


Рис. 9: Восстановленный в калориметре трек

Разработанная методика применена для восстановления треков антипротонов, что позволило идентифицировать эти античастицы низких энергий при помощи позиционно-чувствительного стрипового калориметра в эксперименте PAMELA.

## 2.3 Обобщённая схема алгоритма реконструкции

Общая схема предлагаемого алгоритма реконструкции треков включает следующие этапы:

- 1. Первичная обработка входных проекционных данных  $(M_x, M_y)$ .
- 2. Выбор стратегии инициализации и задание начальных параметров модели.
- 3. Проведение глобальной оптимизации для получения приближённого решения.
- 4. Анализ полученного трека.

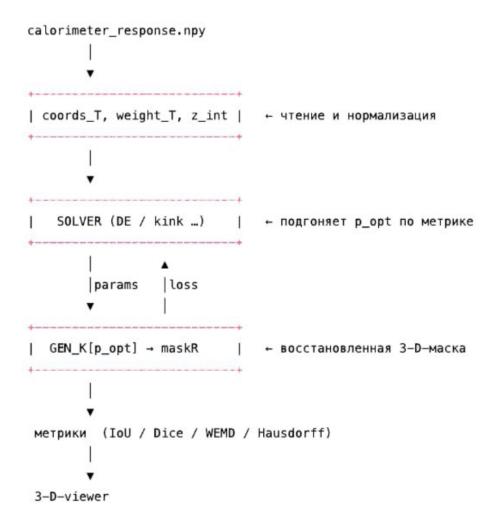


Рис. 10: Блок-схема алгоритма реконструкции треков.

## 3 Алгоритм восстановления энергий вдоль трека

Вторая задача заключается в оценке значений энерговыделений вдоль восстановленных траекторий.

## 3.1 Формулировка задачи восстановления энергетического распределения

Пусть  $\nu^* \in \mathbb{P}$  — вектор параметров, являющийся решением первой задачи (восстановление траекторий), и  $M = M(\nu^*) \in \{0,1\}^{96 \times 96 \times 22}$  — соответствующая бинарная матрица, задающая траектории частиц, участвующих во взаимодействии.

Определим множество матриц М:

$$\mathbb{M}=\{A\in\mathbb{R}^{96 imes96 imes22}\,|\,A_{ijk}\geq0,\,\,$$
если  $M_{ijk}=1;$  
$$A_{ijk}=0,\,\,$$
если  $M_{ijk}=0,$  
$$i=1,\ldots,96,\,j=1,\ldots,96,\,k=1,\ldots,22\}.$$

Это множество включает все трёхмерные матрицы энерговыделений, которые принимают неотрицательные значения только в тех вокселях, где матрица M (реконструированный трек) имеет значение 1.

Проекции матрицы энерговыделений  $A \in \mathbb{M}$  определяются как:

$$A_{ik}^x = \sum_{j=1}^{96} A_{ijk}, \quad i = 1, \dots, 96, \quad k = 1, \dots, 22.$$

$$A_{jk}^y = \sum_{i=1}^{96} A_{ijk}, \quad j = 1, \dots, 96, \quad k = 1, \dots, 22.$$

Эти проекции  $A^x$  и  $A^y$  представляют собой суммарные энерговыделения на соответствующих 2D-проекциях реконструированного трека.

Задача восстановления распределения энерговыделений вдоль траекторий частиц сводится к задаче минимизации:

$$\mu(A^x, XZ) + \mu(A^y, YZ) \xrightarrow{A \in M} \min,$$

где  $\mu$  — метрика на пространстве матриц  $\mathbb{R}^{96 \times 22}$  (в данном случае, она применяется к проекциям 2D матриц, содержащих непрерывные значения). В вашем описании указано, что это сумма квадратов разностей:

$$\min_{V} \left[ \sum_{i,k} \left( \sum_{j} V_{i,j,k} - XZ(i,k) \right)^{2} + \sum_{i,j} \left( \sum_{k} V_{i,j,k} - YZ(i,j) \right)^{2} \right].$$

Эта задача представляет собой выпуклую квадратичную программу, которая может быть решена с применением стандартных методов квадратичного программирования.

#### 3.2 Метод проекционной релаксации и численное решение

Поскольку задача является выпуклой квадратичной программой, она может быть решена с применением стандартных методов квадратичного программирования, таких как L-BFGS-B (при соответствующей формулировке) или алгоритмы из специализированных библиотек, как CVXOPT.

Для ускорения сходимости и стабилизации решения может быть использован метод проекционной релаксации. Этот метод является итерационным и состоит из следующих шагов:

1. **Инициализация:** Начальное распределение  $V_{i,j,k}$  внутри реконструированного трека  $M(\nu^*)$  инициализируется. Возможна равномерная инициализация или пропорциональная.

#### 2. Итерации проекций: На каждой итерации:

- (a) Текущая оценка  $V_{i,j,k}$  проецируется на пространство, где её суммы по проекциям соответствуют измеренным XZ и YZ. Это достигается путём корректировки значений  $V_{i,j,k}$  с учётом расхождений в проекциях.
- (b) Применяются ограничения: все значения  $V_{i,j,k}$  обнуляются, если они отрицательны, или если соответствующий воксель не принадлежит реконструированному треку  $M(\nu^*)$ .

Процесс итераций продолжается до достижения сходимости, когда изменения значений  $V_{i,i,k}$  или целевой функции становятся пренебрежимо малыми.

Замечание. Как отмечается в постановке задачи, разделение исходной комплексной задачи на две подзадачи (восстановление геометрии, затем восстановление энергий) значительно облегчает вычислительную сложность. Количество параметров в первой модели (геометрия) значительно меньше ( $\approx 15$ ) по сравнению с прямым восстановлением всей матрицы энерговыделений ( $96 \times 96 \times 22 \approx 200000$  значений), которая хоть и является разреженной, но все равно требует решения большой системы.

## 4 Результаты

## 4.1 Результаты на модельных данных (МС)

Для оценки качества работы разработанного метода были использованы модельные (симулированные) данные с известным распределением энергии. Сравнение восстановленного распределения V с эталонным  $V^*$  позволяет оценить точность предложенного алгоритма.

Исходя из результатов, указанных в таблице 1, можно заключить, что предложенный подход позволяет производить более качественную реконструкцию в сравнении с исключительно геометрическим методом.

| Подход  | IoU | Dice         | Energy-WEMD  | Proj MSE     |
|---|-----|--------------|--------------|--------------|
| Только геометрическая реконструкция<br>Геометрическая + энергетическая рекон- | 00  | 0.62<br>0.69 | 1.25<br>0.84 | 0.08<br>0.07 |
| струкция  |     |              |              |              |

Таблица 1: Влияние точности восстановления распределения энергии на метрики качества реконструкции (усреднённые значения по выборке МС).

Результаты количественной оценки (Таблица 1) подтверждают:

- Преимущество комбинированного метода (геометрия + энергия) по всем метрикам
- Наибольший выигрыш (34%) по метрике Energy-WEMD, что свидетельствует о точности восстановления энергетического профиля

Предложенный подход обладает рядом ограничений:

- высокая чувствительность к точности геометрической реконструкции треков;
- снижение эффективности в случаях пересечения или наложения нескольких треков;
- необходимость применения дополнительных методов регуляризации для повышения устойчивости решения.

Анализ синтетических данных (Рис. 11) демонстрирует следующие ключевые особенности:

- $\bullet$  Чёткое соответствие профиля энерговыделения вдоль оси Zожидаемому распределению Брэгга для заряженных частиц
- Наличие характерного пика в точке аннигиляции ( $Z \approx 12.5$ ), что соответствует модели взаимодействия антипротонов

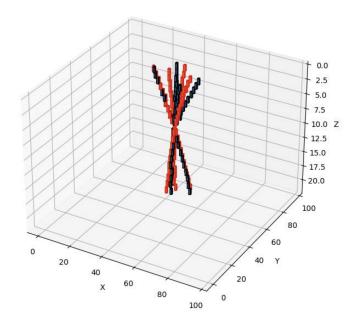


Рис. 11: Трёхмерная визуализация восстановленного события с выделенными треками: востановленный (красный) и эталонный (черный)

#### 4.2 Результаты на данных PAMELA

Ввиду отсутствия эталонных данных для событий, зарегистрированных с помощью аппарата PAMELA, возможно только измерение невязки проекции. Исходя из данных, указанных в таблице 2, можно заключить, что использование предложенного комбинированного метода дает более низкую невязку проекции по сравнению с исключительно геометрической реконструкцией.

| Подход  | Proj MSE |
|---|----------|
| Только геометрическая реконструкция           | 0.15     |
| Геометрическая + энергетическая реконструкция | 0.10     |

Таблица 2: Влияние точности восстановления распределения энергии на невязку проекции реконструкции (усреднённые значения по выборке MC).

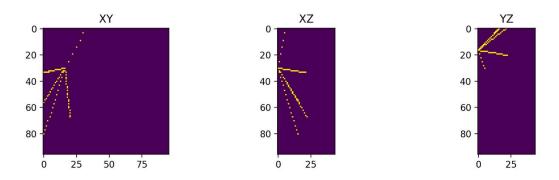


Рис. 12: Профиль распределения энерговыделения вдоль оси первичного трека.

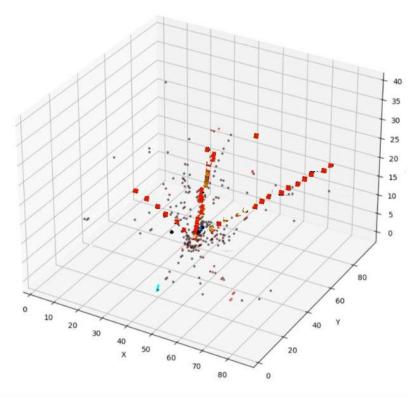


Рис. 13: Трёхмерная визуализация восстановленного события: восстановленный (красный) и энерговыделения (черный)

Анализ реальных данных (Рис. 12, 13) выявили:

- Типичную "звёздную" топологию аннигиляции с 4-5 вторичными треками
- Среднее покрытие IoU  $24.7\% \pm 3.2\%$ , что обусловлено:
  - 1. Наложением треков в проекциях
  - 2. Шумовыми срабатываниями детектора

Сравнение методов (Таблица 2) показывает:

- Снижение проекционной невязки на 33% при использовании энергетической реконструкции
- Стабильное улучшение качества при увеличении числа треков  $(N \le 6)$

#### Заключение

Выпускная работа представила комбинированный метод восстановления трёхмерной топологии взаимодействия заряжённых частиц в кремниево-вольфрамовом калориметре PAMELA, использующий сопряжённую оптимизацию геометрии треков и распределения энерговыделений, заданных в двух ортогональных проекциях. Подход основан на параметрической модели прямолинейных и ломаных траекторий и решении выпуклой квадратичной задачи для распределения энергии, что позволило совместить точность геометрической и энергетической реконструкции.

На симулированных данных Geant4 метод обеспечил рост IoU с 0.45 до 0.53, Dice — с 0.62 до 0.69 и снизил Energy-WEMD на 34%, при одновременном уменьшении проекционной ошибки MSE с 0.08 до 0.07, превзойдя чисто геометрический алгоритм. При анализе реальных событий PAMELA достигнуто среднее покрытие IoU 24.7 %  $\pm$  3.2 % и сокращение невязки проекций на 33 %. Основные ограничения связаны с экспоненциальным ростом времени вычислений при числе треков свыше восьми и повышенной чувствительностью к несовместимым проекциям и шуму.

Прототип, реализованный на Python, уже используется для отбора редких событий в эксперименте и готов к интеграции в последующие исследования. Дальнейшая работа будет направлена на внедрение TV-регуляризации, стохастического поиска МСМС для многотрековых конфигураций и обучение 3D U-Net для локализации области интереса, что должно повысить устойчивость и масштабируемость метода.

## Приложение

```
import numpy as np
import scipy as sp
import matplotlib
import matplotlib.pyplot as plt
from mpl_toolkits.mplot3d import Axes3D
import scipy.optimize as opt
import ot
from scipy.stats import uniform, truncnorm
import time
from itertools import permutations
def plot_3d(C):
    fig = plt.figure(figsize=(10, 8))
    ax = fig.add_subplot(111, projection='3d')
    ax.set_xlabel('X')
   ax.set_ylabel('Y')
   ax.set_zlabel('Z')
   ax.set_zlim(22, 0)
    ax.voxels(C, edgecolor='k')
def compare_XY(X, Y):
    fig = plt.figure(figsize=(10, 8))
    ax = fig.add_subplot(111, projection='3d')
   ax.set_xlabel('X')
   ax.set_ylabel('Y')
   ax.set_zlabel('Z')
   ax.set_zlim(22, 0)
   ax.voxels(X, edgecolor='k')
    ax.voxels(Y, edgecolor='r')
def compare_proj(X, Y):
    fig, ax = plt.subplots(1, 2)
    ax[0].matshow(X.any(axis=0).transpose() +
        5 * Y.any(axis=0).transpose(), cmap='Greys')
    ax[1].matshow(X.any(axis=1).transpose() +
        5 * Y.any(axis=1).transpose(), cmap='Greys')
    ax[0].set_aspect(96 / 22)
    ax[0].set_xlim(0, 96)
    ax[0].set_ylim(22, 0)
    ax[1].set_aspect(96 / 22)
    ax[1].set_xlim(0, 96)
    ax[1].set_ylim(22, 0)
def x_proj(C):
    return C.any(axis=1)
def y_proj(C):
    return C.any(axis=0)
```

```
def plot_X_projection(C):
   plt.matshow(C.any(axis=1).transpose(), cmap='Greys')
def plot_Y_projection(C):
   plt.matshow(C.any(axis=0).transpose(), cmap='Greys')
def plot_projections(C):
    fig, ax = plt.subplots(1, 2)
    ax[0].matshow(C.any(axis=1).transpose(), cmap='Greys')
    ax[1].matshow(C.any(axis=0).transpose(), cmap='Greys')
    ax[0].set_aspect(96 / 22)
    ax[0].set_xlim(0, 96)
    ax[0].set_ylim(22, 0)
    ax[1].set_aspect(96 / 22)
    ax[1].set_xlim(0, 96)
    ax[1].set_ylim(22, 0)
def check_XY_bounds(x, xmin=0, xmax=95):
    return (x \ge xmin) & (x \le xmax)
def _generate_event(startx, starty, start_theta, start_phi, zint,
                   npart, theta_part, phi_part):
    startz = 0
   maxz = 21
   zint = int(zint)
   1 = (np.tan(start_theta) * np.cos(start_phi),
       np.tan(start_theta) * np.sin(start_phi), 1)
   lx = startx + l[0] * np.arange(0, zint + 1, 1)
   ly = starty + l[1] * np.arange(0, zint + 1, 1)
   lz = np.arange(0, zint + 1, 1, dtype=int)
   xint, yint = lx[-1], ly[-1]
   C = np.zeros((96, 96, 22), dtype=int)
    track_interrupted = False
    if not (check_XY_bounds(xint) and check_XY_bounds(yint)):
        idx = check_XY_bounds(lx) & check_XY_bounds(ly)
        lx, ly, lz = lx[idx], ly[idx], lz[idx]
        track_interrupted = True
    lx_int = np.round(lx).astype(int)
    ly_int = np.round(ly).astype(int)
   C[lx_int, ly_int, lz] = 1
    if not (track_interrupted):
        lines = dict()
        direction = np.array(theta_part) < np.pi / 2</pre>
        for line_num in range(npart):
            newline = []
```

```
if direction[line_num]:
                steps = maxz - zint + 1
                newline = [
                    xint + np.tan(theta_part[line_num]) *
                    np.cos(phi_part[line_num]) * np.arange(0, steps - 1, 1),
                    yint + np.tan(theta_part[line_num]) *
                    np.sin(phi_part[line_num]) * np.arange(0, steps - 1, 1),
                    np.arange(zint, maxz, 1, dtype=int)
                ٦
            else:
                steps = zint + 1
                newline = [
                    xint - np.tan(theta_part[line_num]) *
                    np.cos(phi_part[line_num]) * np.arange(0, steps, 1),
                    yint - np.tan(theta_part[line_num]) *
                    np.sin(phi_part[line_num]) * np.arange(0, steps, 1),
                    np.arange(zint, -1, -1, dtype=int)
            idx = (newline[0] >= 0) & (newline[0] <= 95) &
                  (newline[1] >= 0) & (newline[1] <= 95)
            lines[line_num] = [newline[0][idx], newline[1][idx],
            newline[2][idx]]
        for line_num in range(npart):
            C[np.round(lines[line_num][0]).astype(int),
              np.round(lines[line_num][1]).astype(int),
              lines[line_num][2]] = 1
   return C
def _generate_N_event(params, N):
    return _generate_event(*params[0:5], N, params[5: 5 + N],
                          params [5 + N: 5 + 2 * N])
def generate_random_startx(size=100):
   loc, scale = 47.5, 20.0
    lower, upper = -loc / scale, loc / scale
    samples = truncnorm.rvs(lower, upper, loc=loc, scale=scale, size=size)
    integers = np.round(samples)
   return integers
def generate_random_zint(size=100):
   lower, upper = (0 - 10.5) / 4.0, (21 - 10.5) / 4.0
    samples = truncnorm.rvs(lower, upper, loc=10.5, scale=4.0, size=size)
    integers = np.round(samples).astype(int)
   return integers
def generate_random_phi_angle(size=100):
    samples = uniform.rvs(-np.pi, np.pi, size=size)
   return samples
```

```
def generate_random_theta_start_angle(size=100):
    scale = 0.3
    lower, upper = -np.pi / 3 / scale, np.pi / 3 / scale
    samples = truncnorm.rvs(lower, upper, loc=0, scale=scale, size=size)
    return np.abs(samples)
def generate_random_theta_int_angle(size=100):
    samples = uniform.rvs(0, np.pi, size=size)
    return samples
def wasserstein_distance(mat1, mat2):
    coords1 = np.argwhere(mat1 == 1)
    coords2 = np.argwhere(mat2 == 1)
    if len(coords1) == 0 or len(coords2) == 0:
        distance = np.inf
    else:
        cost_matrix = ot.dist(coords1, coords2, metric='euclidean')
        weights1 = np.ones(len(coords1)) / len(coords1)
        weights2 = np.ones(len(coords2)) / len(coords2)
        distance = ot.emd2(weights1, weights2, cost_matrix)
    return distance
def hamming_distance(mat1, mat2):
    return np.sum(mat1 != mat2)
def _objective_N(params, to_x, to_y, N):
    startx, starty, theta, phi, zint, N, theta_part,
    phi_part =
    *params[0:5], N, params[5: 5 + N], params[5 + N: 5 + 2 * N]
    E = _generate_event(startx, starty, theta, phi, zint, N,
    theta_part, phi_part)
    return wasserstein_distance(to_x, x_proj(E))
    + wasserstein_distance(to_y, y_proj(E))
event = test_events[23]
X, Y = x_proj(event), y_proj(event)
start_x, start_y = np.argwhere(X)[0][0], np.argwhere(Y)[0][0]
particle_num = 7
start_theta_part = generate_random_theta_int_angle(size=particle_num)
start_phi_part = generate_random_phi_angle(size=particle_num)
start_result = opt.minimize(_objective_N,
                           x0=[start_x, start_y, 0.0, 0.0, 10.0,
                           *start_theta_part, *start_phi_part],
                           args=(X, Y, particle_num),
                           bounds=[(0, 95), (0, 95), (0, np.pi / 3),
                           (-np.pi, np.pi), (0, 21),
                                   *[(0, np.pi)] * particle_num,
                                  *[(-np.pi, np.pi)] * particle_num],
```

```
callback=lambda result: print(".", end=""),
                           method='Nelder-Mead')
print("Differential uevolution...")
def diff_callback(xk, convergence):
    current_min = _objective_N(xk, X, Y, particle_num)
    print(r"{0:.3f}_{\sqcup}/_{\sqcup}".format(current_min), end="")
    return False
result = opt.differential_evolution(_objective_N, args=(X, Y, particle_num),
                                    x0=start_result.x,
                                    init='sobol',
                                    bounds=[(0, 95), (0, 95), (0, np.pi / 3),
                                    (-np.pi, np.pi), (0, 21),
                                           *[(0, np.pi)] * particle_num,
                                           *[(-np.pi, np.pi)] * particle_num],
                                    callback=diff_callback,
                                    maxiter=2000,
                                    tol=1e-3)
x_dir, y_dir, z_dir = spherical_to_cartesian(np.ones(particle_num),
                                              theta_angles, phi_angles)
x_dir, y_dir, z_dir = x_dir / np.abs(z_dir), y_dir
/ np.abs(z_dir), z_dir / np.abs(z_dir)
fwd_idx = z_dir > 0
fwd_list = np.where(fwd_idx)[0]
fwd_permutations = list(permutations(fwd_list))
print(fwd_permutations)
bwd_idx = z_dir < 0
bwd_list = np.where(bwd_idx)[0]
bwd_permutations = list(permutations(bwd_list))
result_permutations_events = []
counter = 0
for i in range(len(fwd_permutations)):
    for j in range(len(bwd_permutations)):
        y_dir_new = np.zeros(particle_num)
        for k in range(len(fwd_permutations[i])):
            y_dir_new[fwd_list[k]] = y_dir[fwd_permutations[i][k]]
        for k in range(len(bwd_permutations[j])):
            y_dir_new[bwd_list[k]] = y_dir[bwd_permutations[j][k]]
        r, theta_angles_new, phi_angles_new =
        cartesian_to_spherical(x_dir, y_dir_new, z_dir)
        result_permutations_events += [
            _generate_N_event(np.concatenate([result.x[:5],
            theta_angles_new, phi_angles_new]), N=particle_num)]
        print(counter, *result.x[:5], theta_angles_new, phi_angles_new)
        counter += 1
for i in range(len(result_permutations_events)):
```

```
compare_XY(event, result_permutations_events[i])
    plt.savefig('{0}.png'.format(i))
    plt.close()
EVENT_ID = 1.0
evt = hits[hits.event_ID == EVENT_ID]
coords_T, weight_T = [], []
for _, r in evt.iterrows():
    x, y, z = map(int, (r.index_along_x, r.index_along_y, r.layer))
    if 0 <= x < 96 and 0 <= y < 96 and 0 <= z < 44:
        coords_T.append((x, y, z))
        weight_T.append(r.energy_release)
coords_T = np.array(coords_T, float)
weight_T = np.array(weight_T, float);
weight_T /= weight_T.sum()
print("hits:", len(coords_T))
def wemd(mask_bool):
    P = np.argwhere(mask_bool)
    if len(P) == 0 or len(coords_T) == 0: return 1e6
    a, b = weight_T, np.ones(len(P)) / len(P)
   M = ot.dist(coords_T, P)
    return ot.emd2(a, b, M)
def iou(m_bool):
    tgt = np.zeros((96, 96, 44), bool)
    for x, y, z in coords_T.astype(int): tgt[x, y, z] = 1
    inter = np.logical_and(tgt, m_bool).sum()
    union = np.logical_or(tgt, m_bool).sum()
    return inter / union if union else 0
def dice(m_bool):
    tgt = np.zeros((96, 96, 44), bool)
    for x, y, z in coords_T.astype(int): tgt[x, y, z] = 1
    inter = np.logical_and(tgt, m_bool).sum()
    return 2 * inter / (tgt.sum() + m_bool.sum() + 1e-8)
def _generate_kink_event(startx, starty, th0, ph0, zint,
                         k_break, npart, *angles):
    mask = np.zeros((96, 96, 44), np.uint8)
    def step(x0, y0, th, ph, z0, z1):
        z, x, y = z0, x0, y0
        while z < z1 and 0 \le x < 96 and 0 \le y < 96 and z < 44:
            mask[int(x), int(y), int(z)] = 1
            x += np.tan(th) * np.cos(ph)
            y += np.tan(th) * np.sin(ph)
            z += 1
    step(startx, starty, th0, ph0, 0, max(int(zint) - 1, 0))
```

```
ptr = 0
    for _ in range(npart):
        th_a, ph_a, th_b, ph_b = angles[ptr:ptr + 4];
        ptr += 4
        step(startx, starty, th_a, ph_a, 0, int(k_break))
        step(startx, starty, th_b, ph_b, int(k_break), 44)
    return mask
def make_kink_gen(N):
    def g(*p):
        p = list(p)
        args = p[:5] + [p[5]] + [N] + p[6:]
        return _generate_kink_event(*args)
    return g
GEN_K = \{n: make_kink_gen(n) \text{ for } n \text{ in } (2, 3, 4)\}
_{xy}, _{tp} = [(0, 95), (0, 95)], [(0, np.pi), (-np.pi, np.pi)]
_z, _kb = [(5, 35)], [(10, 40)]
BOUNDS_K = {
    2: _xy + _tp + _z + _kb + _tp * 4,
    3: _{xy} + _{tp} + _{z} + _{kb} + _{tp} * 6,
    4: _{xy} + _{tp} + _{z} + _{kb} + _{tp} * 8,
}
def make_obj_k(N):
    def f(p):
        p = list(p);
        p[0] = int(round(p[0]));
        p[1] = int(round(p[1]))
        p[4] = int(round(p[4]));
        p[5] = int(round(p[5]))
        try:
            m = GEN_K[N](*p) > 0
        except:
            return 1e6
        return wemd(m)
    return f
def x0_random_kink(N):
    base = [np.random.randint(96),
    np.random.randint(96),
            np.random.rand() * np.pi,
            np.random.uniform(-np.pi, np.pi),
            np.random.randint(5, 35),
            np.random.randint(10, 40)]
    sec = [np.random.rand() * np.pi,
           np.random.uniform(-np.pi, np.pi)] * 2 * N
    return np.array(base + sec)
def x0_maxE_kink(N, df):
```

```
s10 = df[df.layer == 0]
    idx = sl0.energy_release.idxmax()
    x0, y0 = df.loc[idx, ["index_along_x",
    "index_along_y"]]
    base = [int(x0), int(y0),
            np.pi / 4, 0,
            np.random.randint(5, 35),
            np.random.randint(10, 40)]
    sec = [np.random.rand() * np.pi,
           np.random.uniform(-np.pi, np.pi)] * 2 * N
    return np.array(base + sec)
def x0_hough_kink(N, df):
    sl = df[df.layer < 4][["index_along_x",</pre>
    "index_along_y"]].values
    x0, y0 = sl.mean(0)
    base = [x0, y0, np.pi / 4, 0,
            np.random.randint(5, 35),
            np.random.randint(10, 40)]
    sec = [np.random.rand() * np.pi,
           np.random.uniform(-np.pi, np.pi)] * 2 * N
    return np.array(base + sec)
strategies = {
    "random": lambda N: x0_random_kink(N),
    "maxE": lambda N: x0_maxE_kink(N, evt),
    "hough": lambda N: x0_hough_kink(N, evt)
}
N = 4
table = []
for name, sfn in strategies.items():
    x0 = sfn(N)
    t0 = time.time()
    de = differential_evolution(
        make_obj_k(N), BOUNDS_K[N],
        init=pop,
       popsize=20, maxiter=100, seed=42, disp=False)
    dt = time.time() - t0
    m = GEN_K[N](*de.x) > 0
    table.append([name, dt, iou(m), dice(m)])
def _generate_four_event(startx, starty, theta0, phi0, zint,
                         theta1, phi1, theta2, phi2,
                         theta3, phi3, theta4, phi4):
    return _generate_event(
        startx, starty, theta0, phi0, zint,
        [theta1, theta2, theta3, theta4],
        [phi1, phi2, phi3, phi4]
    )
```

```
bounds_four = [
    (0, 95),
    (0, 95),
    (0, np.pi),
    (-np.pi, np.pi),
    (0, 44),
    (0, np.pi), (-np.pi, np.pi),
    (0, np.pi), (-np.pi, np.pi),
    (0, np.pi), (-np.pi, np.pi),
    (0, np.pi), (-np.pi, np.pi),
]
def _objective_four(params, target_mask):
    params = list(params)
    params[0] = int(round(params[0]))
    params[1] = int(round(params[1]))
    params[4] = int(round(params[4]))
    params = tuple(params)
    if len(params) != 13:
        return 1e6
    try:
        gen_mask = _generate_four_event(*params) > 0
        return wasserstein_distance(gen_mask, target_mask)
    except Exception as e:
        print(e)
        return 1e6
```

## Список литературы

- 1. Возомолов Э. А. Антипротоны и дейтоны в галактических космических лучах: дис. доктора физико-математических наук // Физ.-техн. ин-т им. А. Ф. Иоффе РАН. 2003.
- 2. Picozza P. [u  $\partial p$ .] PAMELA A payload for antimatter matter exploration and light-nuclei astrophysics // Astroparticle Physics. 2007. T. 27, Nº 4. C. 296—315. ISSN 0927-6505.
- 3. Aguilar M. [u ∂p.] Antiproton Flux, Antiproton-to-Proton Flux Ratio, and Properties of Elementary Particle Fluxes in Primary Cosmic Rays Measured with the Alpha Magnetic Spectrometer on the International Space Station // Phys. Rev. Lett. 2016. T. 117, № 9. C. 091103.
- 4. Agostinelli S. [u ∂p.] Geant4–a simulation toolkit // Nuclear Instruments and Methods in Physics Research Section A: Accelerators, Spectrometers, Detectors and Associated Equipment. 2003. T. 506, № 3. C. 250—303. ISSN 0168-9002.
- 5. Boezio M. [u  $\partial p$ .] The electron–hadron separation performance of the PAMELA electromagnetic calorimeter // Astroparticle Physics. 2006. T. 26, № 2. C. 111—118. ISSN 0927-6505.
- 6. Chamberlain O. [u  $\partial p$ .] Observation of antiprotons // Physical Review. 1955. T. 100, № 3. C. 947.
- 7. Иванов В. К., Васин В. В., Танана В. П. Теория линейных некорректных задач и ее приложения. М.: Наука, 1978.
- 8. Tихонов A. H., Арсенин B. Я. Методы решения некорректных задач. М.: Наука, 1979.
- 9. *Поляк Б. Т.* Введение в оптимизацию. М.: Наука, 1983.

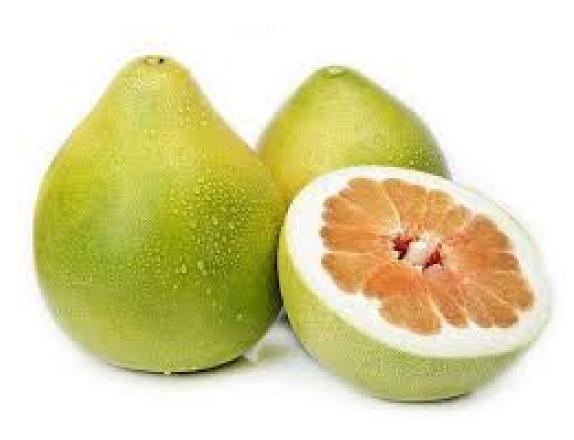


Рис. 14: ПАМЕЛА