|  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **성명 / 성별** | $name$ / $gender$ | **검체 종류** | $clinicalSpecimen$ | **검사번호** | $checkNumber$ |
| **등록번호** | $registration$ | **검체 채취일** | $collectDate$ | **검사일** | $dateOfInspection$ |
| **생년월일** | $birth$ | **검체 접수일** | $dateOfReceipt$ | **예비 보고일** | $tempReportDate$ |
| **의뢰의사** | $doctor$ | **검체상태** | $reason$ | **최종 보고일** | $reportDate$ |

|  |
| --- |
| **검사명** |

$prescription$

|  |
| --- |
| **검출 유전 변이 (Detected Genetic Variants)** |

|  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| Gene | Ref. Seq | Nucleotide | Amino acid | VAF | Depth | SIGNIFICANCE | Remark |
|  |  |  |  |  |  |  |  |

|  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| Gene | Ref. Seq | Nucleotide | Amino acid | VAF | Depth | SIGNIFICANCE | Remark |
|  |  |  |  |  |  |  |  |

|  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| Gene | Ref. Seq | Nucleotide | Amino acid | VAF | Depth | SIGNIFICANCE | Remark |
|  |  |  |  |  |  |  |  |

상기 결과는 임상적 중요성에서 Tier I, II, III에 해당하는 변이만 기술하였습니다. (J Mol Diagn. 2017;19;4-23)   
Tier I: 중요한 임상적 의의가 있는 변이, Tier II: 잠재적 임상적 의의가 있는 변이, Tier III: 임상적 의의가 알려지지 않은 변이  
VAF, Variant Allele Frequency; DEPTH, Total Read Depth; SIGNIFICANCE, clinical significance;   
\*Low VAF, variant allele frequency < 2%; \*\*Low coverage, read depth < 100x

|  |
| --- |
| **소견 및 결과 해석** |

|  |
| --- |
| **매우 낮은 신뢰도로 생성된 설명** |

**화순전남대학교병원 진단검사의학과**

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **검사자** | $name1$ | / | $name2$ |  | **보고자** | $name3$ | / | $name4$ |

|  |
| --- |
| **검출된 변이의 임상적 의의(Clinical Impacts of Detected Variants)** |

1. 임상적으로 중요한 변이 (Variants with Clinical Significance)

|  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **Genomic  Alternations** | **Impacts** | **Tier I\* (중요한 임상적 의의)** | | **Tier II\*\* (잠재적 임상적 의의)** | |
| **Level A** | **Level B** | **Level C** | **Level D** |
| **Total Count** |  | **$evidenceACount$** | **$evidenceBCount$** | **$evidenceCCount$** | **$evidenceDCount$** |
|  |  |  |  |  |  |

**\* Tier I : 중요한 임상적 의의**  
- Level A : FDA-승인 약제에 반응 또는 저항, 전문 가이드라인에 포함  
- Level B : 전문가들의 합의가 이루어진, 근거가 충분한 연구를 통해 입증됨  
**\*\* Tier II : 잠재적 임상적 의의**  
- Level C : 다른 종양에서 FDA-승인 약제에 반응 또는 저항 / 다양한 소규모 연구를 통해 약간의 합의가 이루어짐  
- Level D : 전임상시험 단계의 약제, 또는 전문가 합의는 없으나 몇몇 케이스 보고가 있음

참고문헌 : J Mol Diagn. 2017;19;4-23

|  |
| --- |
| **검사 세부정보 (Test Details)** |

1. 검사 대상 유전자 (Genes in Panel) 및 결과 요약

|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- | --- |
| **Gene** | **Tier I** | **Tier II** | **Tier III** | **Total** |  | **Gene** | **Tier I** | **Tier II** | **Tier III** | **Total** | |
|  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |  |

\*보건복지부 필수유전자

2. 검사 및 정도 관리 정보 (Experiment Information and QC Data)

|  |  |  |  |
| --- | --- | --- | --- |
| **Q metric** | **Acceptable range** | **Parameters** | **Results** |
| DNA quality | >=3 | DIN |  |
| Input DNA | >=200 | ng |  |
| PCR cycle | <=7 | cycles |  |
| Total Hyb DNA | 500 ~ 1000 | ng |  |
| Cluster density | 1200 ~ 1400 | K/mm2 |  |
| Data throughput | >=200 | Mb | 390 |
| base >Q30 | >=80 | % | 95 |
| Mapped % | >=70 | % | 93 |
| Duplication rate | <=70 | % | 5 |
| on-target rate | >=20 | % | 46 |
| on-target coverage | >=100 | X | 387 |

3. 제품정보 (Panel Material Information)

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| **Panel** | **Reagent Kit** | **Sequencer** |
| $panelName$ | Reagent Kit v3 (300 cycles) | $sequencer$ |

NGeneBio-HEMEaccuTestsTM는 차세대염기서열 분석법을 이용하여 혈액암 관련 유전자 123개의 변이를 분석하는 제품입니다.