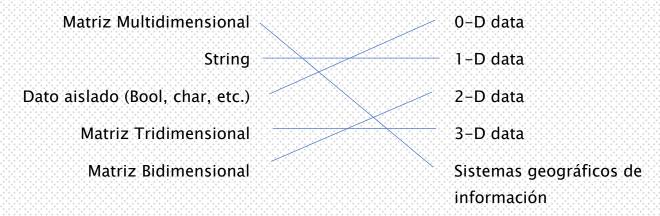
Actividades Categorías de Datos

1. Unir cada categoría con su tipo de dato correspondiente



2. Dar un ejemplo para cada una de las 6 categorías de datos. Justifica

Dato	Ejemplo
0-D	\mathcal{A}
1-D	C1CCCCC1
2-D	Una imagen digital
3-D	Una representación 3D de una imagen
GIS	www.earth.google.com

3. ¿Qué tipo de técnicas suelen ser usadas en cada categoría? ¿Puedes nombrar algunos laboratorios?

Para el 1-D se utiliza una técnica llamada SMILES (simplify molecular input line entry system) que se utiliza para representar la estructura de moléculas orgánicas como oraciones. Fue inventado por David Weininger en 1980.

Para 2-D se utilizan las técnicas NOESY y COSY, generada en base a la técnica NMR.

Para GIS se ha utilizado una extensión del mismo para la representación de genomas espacialmente llamada GenoSIS

- 4. Verdadero o falso, justificar.
 - GIS software es utilizado para guardar, analizar y mostrar datos del tipo2.5-D .

Falso ya que el GIS es un software utilizado para guardar, analizar y mostrar información relacionada con el espacio geológico.

- Un tipo de dato biológico consiste en una larga variedad de letras.

 Falso porque consiste en una larga variedad de distintos tipos de datos,

 desde resultados numéricos en adelante.
- Los datos de la 0-D no pueden ser considerados como identificadores biológicos.

Falso porque si pueden ser considerados ya que con una letra se identifican las diferentes entidades biológicas.

- Una secuencia de datos 0-D compone un tipo de dato 1-D. De esta forma se pueden representar estructuras complejas de una manera sencilla Verdadero
- COSY y NOESY son tipos de proteínas desarrolladas por PDB.

 Falso, COSY y NOESY son tipos de técnicas empleadas por NMR para representar 2-D datasets.
- La categoría 0-D es utilizada comúnmente para representar entidades biológicas.

Verdadero

La GIS no es importante para los bioinformaticos.

Falso ya que es útil analizar e interpretar datos biológicos en relación al espacio. Ademas se puede utilizar herramientas del mismo para mostrar la distribución de los genomas en el espacio llamado GenoSIS

5. ¿Por qué crees que es importante categorizar los datos?

Es importante ya que nos permite representar la información de diferentes maneras y así realizar distintos análisis de cada una de ellas de manera apta.