PEC1: Metadatos del dataset de metabolómica 2023-CIMCBTutorial

Sara Suárez Hernández

2025-04-02

Contents

1.	Objecto summarizedExperiment	1
2.	Metadatos	1
	2.1 Metadatos muestras	1
	2.2 Metadatos metabolitos	2

1. Objecto summarizedExperiment

```
## class: SummarizedExperiment
## dim: 149 140
## metadata(0):
## assays(1): metabolomics
## rownames(149): M1 M2 ... M148 M149
## rowData names(3): nombre_metabolito Perc_missing QC_RSD
## colnames(140): sample_1 sample_2 ... sample_139 sample_140
## colData names(2): SampleType Class
```

2. Metadatos

2.1 Metadatos muestras

Loa metadatos disponibles para las muestras son escasos, limitándose a:

- SampleType: tipo de muestra.
 - QC: control.
 - Sample: muestra experimental.
- Class: clase.
 - HE: participante sano.
 - GC: participante con tumos maligno (de estómago).
 - BN: tumor benigno.

##	DataFrame	with	140	rows	and	2	columns
##		Sar	nple	Гуре		(Class
##		<cha< td=""><td>aract</td><td>er> •</td><td><chai< td=""><td>cac</td><td>cter></td></chai<></td></cha<>	aract	er> •	<chai< td=""><td>cac</td><td>cter></td></chai<>	cac	cter>
##	$sample_1$			QC			QC
##	sample_2		Sar	nple			GC
##	sample_3		San	nple			BN

```
## sample_4
                     Sample
                                      ΗE
## sample_5
                     Sample
                                      GC
##
                        . . .
                                      . . .
                         QC
                                      QC
## sample_136
## sample_137
                     Sample
                                      GC
## sample 138
                     Sample
                                      BN
                     Sample
## sample 139
                                      HE
## sample_140
                         QC
                                      QC
```

Esta tabla muestra el número de tipo de muestras por clase:

SampleType	Class	n
$\overline{\mathrm{QC}}$	QC	17
Sample	BN	40
Sample	GC	43
Sample	$_{ m HE}$	40

2.2 Metadatos metabolitos

También hay metadatos para los metabolitos, que incluyen:

- nombre_metabolito: nombre de la molécula.
- Perc_missing: porcentaje de muestras en la que se detectó el metabolito.
- QC_RSD: medida de la variación de la medida de cada uno de los metabolitos.

Estas dos últimas columnas determinan el criterio de inclusión de los metabolitos en el análisis de los datos (perc_missing<10% and QC_RSD<20).

```
## DataFrame with 149 rows and 3 columns
##
             nombre_metabolito Perc_missing
                                                 QC_RSD
                                   <numeric> <numeric>
##
                   <character>
             1 3-Dimethylurate
## M1
                                   11.428571
                                              32.20800
        1_6-Anhydro--D-gluc..
## M2
                                   0.714286
                                              31.17803
## M3
          1_7-Dimethylxanthine
                                    5.000000
                                              34.99060
          1-Methylnicotinamide
                                    8.571429
                                              12.80420
## M4
## M5
                2-Aminoadipate
                                    1.428571
                                                9.37266
##
## M145
                                    23.57143
                                                41.4070
                          uarm1
## M146
                          uarm2
                                     4.28571
                                                34.4582
## M147
                      -Alanine
                                     1.42857
                                               27.6235
                                               16.5619
## M148
              -Methylhistidine
                                     1.42857
## M149
                                     0.00000
                                                8.3518
              -Methylhistidine
```

La siguiente tabla muestra los estadísticos de resumen de la distribución de Perc_missing y QC_RSD:

Perc_missing	QC_RSD
Min.: 0.0000	Min.: 2.432
1st Qu.: 0.7143	1st Qu.: 13.280
Median: 2.1429	Median: 26.605
Mean: 5.1246	Mean: 29.569
3rd Qu.: 6.4286	3rd Qu.: 40.175
Max. :31.4286	Max. :133.786