

Differential expression analysis

ensembl_gene_id	baseMean	log2FoldChange	lfcSE	stat	pvalue	padj	external_gene_name
ENSG00000226710	12.4680333395402	-25.5309483929702	2.91586523599647	-8.7558739264729	2.02528004812217e-18	8.05777919945888e-15	SNHG32
ENSG00000151834	18.3255540037179	-3.41002673527908	0.4521184408286	-7.54233056503846	4.61645722385241e-14	8.34865305037237e-11	GABRA2
ENSG00000179796	5.71448447690697	-2.83401748262569	0.925855522976145	-3.0609716227817	0.00220620002763436	0.0184480610129173	LRR3B
ENSG00000231834	76.8736892697698	-2.66910880190418	1.01039461142489	-2.64164987790276	0.00825032946261534	0.042967257809661	HLA-A
ENSG00000156234	17.3102556672438	-2.29441717477729	0.789144503357994	-2.90747406211917	0.0036436055944983	0.0253523071323382	CXCL13
ENSG00000163581	399.974523335799	-1.94382929174265	0.229979189606785	-8.45219645771506	2.85873037251698e-17	9.47812055008003e-14	SLC2A2
ENSG00000136929	13.791199585551	-1.84379316753555	0.637785558294492	-2.89092962917827	0.00384104117916133	0.0262938169914165	HEMGN
ENSG00000011677	13.7909838241242	-1.78891657980213	0.643898102323198	-2.77826036968844	0.00546508068968187	0.0329944917025316	GABRA3
ENSG00000081181	878.792403239078	-1.729215040275	0.169166698472768	-10.2219589073163	1.58112892932583e-24	1.04844659303596e-20	ARG2
ENSG00000163377	19.132247862471	-1.63103432379222	0.475195134912983	-3.43234642772783	0.000598382668539618	0.00803213658924334	TAF4
ENSG00000147003	519.709145287823	-1.6229615160319	0.183722809464939	-8.83375080513138	1.01223014218071e-18	5.0340735546002e-15	CLTRN
ENSG00000170044	99.513485648828	-1.60689187903452	0.361008104184069	-4.45112411718936	8.5421949352924e-06	0.000522620184403728	ZPLD1
ENSG00000189431	2.43311804430672	-1.59936524977139	0.604896770407933	-2.64403006928406	0.00819253779116281	0.0428062013924518	RASSF10
ENSG00000180875	15.5397045348058	-1.5778355909916	0.458994011519531	-3.43759515678226	0.000586904462470865	0.00795578691339817	GREM2
ENSG00000121351	169790.64428839	-1.53312991772085	0.413796355609914	-3.70503484850923	0.00021136167168974	0.00427298550297155	IAPP
ENSG00000258626	2.87723048856544	-1.50470459779304	0.498548096538446	-3.01817338836636	0.00254303359105344	0.0200987553543211	COX7A2P1
ENSG00000127870	1877.75276796777	-1.50240127901945	0.182759443573235	-8.22064922963837	2.02404457454732e-16	5.03303984018374e-13	RNF6
ENSG00000229975	3.56422218122173	-1.45541901232891	0.540024643609428	-2.6950973988912	0.00703680583504179	0.0387550328007991	LIPT1P1
ENSG00000010282	317.441851107863	-1.43161044932371	0.263113219648898	-5.44104340798258	5.29694041911789e-08	1.62110824242326e-05	HHATL
ENSG00000171004	122.023802612785	-1.42919811845723	0.271430346610008	-5.2654323155351	1.39859841597565e-07	3.61328808948098e-05	HS6ST2
ENSG00000156687	388.922230905651	-1.41981128229038	0.28441205935934	-4.99209240806669	5.97286643836807e-07	0.000104226519349523	UNC5D
ENSG00000164283	88.0764877850456	-1.40718860837338	0.541809164654457	-2.5972034069797	0.00939862489429114	0.0468471172693895	ESM1
ENSG00000022355	66.5704153114286	-1.39810672230722	0.394663167942339	-3.54253154556213	0.000396306019737153	0.00636982802782747	GABRA1
ENSG00000136943	79.3096514827657	-1.39617593558725	0.301978560265069	-4.62342735312639	3.77450970865527e-06	0.000306474782180731	CTSV
ENSG00000172575	548.196760163669	-1.36710686711991	0.185193761148225	-7.38203521891705	1.55887940314648e-13	2.38544522821484e-10	RASGRP1
ENSG00000091128	100.740522808414	-1.33024025708593	0.285521274394364	-4.6589882309386	3.17767367726286e-06	0.000282202957418706	LAMB4
ENSG00000280165	125.732720100544	-1.32979883345934	0.271701027430105	-4.89434598771046	9.86331828807709e-07	0.000138176754017407	PCDH20
ENSG00000134121	445.66233911674	-1.32713769697112	0.28008908400108	-4.73826997472703	2.15550519977425e-06	0.000219894691995432	CHL1
ENSG00000145888	83.5681653604612	-1.23800723890938	0.250395621646375	-4.94420481783732	7.64552897390995e-07	0.00011882227177968	GLRA1
ENSG00000123836	11128.0266049883	-1.23354036341238	0.192359686378621	-6.41267609983727	1.42987105683808e-10	1.06289380229985e-07	PFKFB2
ENSG00000167034	60.2902562369355	-1.1955610417966	0.282264426209506	-4.23560651213348	2.279356256635e-05	0.0010520471928826	NKX3-1
ENSG00000171227	341.50380211845	-1.18199830970671	0.180601309701274	-6.54479367653429	5.95775797042613e-11	4.93823663773696e-08	TMEM37
ENSG00000100033	6.38269323839492	-1.17783506311966	0.441775390753466	-2.66614005164663	0.00767277216104936	0.04098669618683	PRODH
ENSG00000165195	670.263261167989	-1.16980926259482	0.220368931290452	-5.30841283181147	1.10583948546211e-07	3.05534234504136e-05	PIGA
ENSG00000242110	689.94024169266	-1.16895353012297	0.152790129003588	-7.65071367991003	1.99866918000588e-14	3.97595259978569e-11	AMACR
ENSG00000134042	168.310827323425	-1.16673331301259	0.20890254897856	-5.58506020494913	2.33619268476826e-08	8.60627427372128e-06	MRO
ENSG00000176928	1187.91277352221	-1.16207816759487	0.163533516005655	-7.10605505207071	1.19406800381674e-12	1.50324399767739e-09	GCNT4
ENSG00000102048	4688.16832980748	-1.15889815970381	0.231460708977206	-5.00688935424431	5.53167032672241e-07	0.000100037743463172	ASB9
ENSG00000198857	4.0253949518969	-1.15862637671331	0.360955270332583	-3.20988906920726	0.00132786206801586	0.013115769671817	HSD3BP5
ENSG00000277956	149.076491835617	-1.15665080215246	0.371016516243026	-3.11751836243006	0.00182380584971525	0.0162403624746578	MAPT
ENSG00000152254	17151.8279109558	-1.14853424587804	0.212766811369644	-5.39808929073373	6.73543465316288e-08	2.03012123568741e-05	G6PC2
ENSG00000065320	62.2464320980209	-1.1480111224811	0.247184147527622	-4.64435577266465	3.41139263007437e-06	0.000295055798217693	NTN1
ENSG00000198739	1069.66373184045	-1.14733311115383	0.247259119297193	-4.64020544283667	3.48062975056555e-06	0.000295898152256412	LRRTM3
ENSG00000138622	17.7360098885551	-1.13515581905354	0.315257832997889	-3.60072201302334	0.00031733472542258	0.0055326377675998	HCN4
ENSG00000234267	14.0571270970989	-1.11663339700852	0.389317797405133	-2.86817968366991	0.00412840997850334	0.0274762327542211	TULP3P1
ENSG00000162949	1200.71929900304	-1.1165198949971	0.204478347213144	-5.46033313656071	4.75241975309099e-08	1.50063311346411e-05	CAPN13
ENSG00000163376	37.6162492139759	-1.08678687926969	0.331430925343861	-3.27907505354894	0.00104147933005777	0.0113711022573212	KBTBD8
ENSG00000165061	44.7697908519614	-1.07898406769583	0.341643481749701	-3.15821646053335	0.00158737643009423	0.0147780625073698	ZMAT4
ENSG00000225630	3428.038408151	-1.06564617026678	0.242099184196923	-4.40169252862906	1.07409697697723e-05	0.00061401417953189	MTND2P28
ENSG00000187068	105.390274627561	-1.04690858685816	0.217926751008505	-4.80394711531902	1.55567934979042e-06	0.000180977364358952	C3orf70
ENSG00000141433	3014.81825650062	-1.04104173903493	0.195548856193447	-5.32369127234924	1.01682425954884e-07	2.84896971763451e-05	ADCYAP1
ENSG00000281919	10.1477112614556	-1.04040437082296	0.324829641314004	-3.20292312799504	0.0013604028908771	0.0133432815599281	SLC45A2
ENSG00000087494	15.0429422488415	-1.03463022131144	0.39814595367498	-2.59862046006386	0.00935991982338747	0.0467009995100695	PTHLH
ENSG00000173166	711.691448185003	-1.02851656209069	0.145495164180153	-7.06907729810986	1.55967257129786e-12	1.8250921447546e-09	RAPH1
ENSG00000138670	1182.33444077347	-1.00099143487144	0.140898751826843	-7.10433145711329	1.20906368887741e-12	1.50324399767739e-09	RASGEF1B
ENSG00000164761	76.2934578863324	1.00026709434881	0.279774340753289	3.57526387750785	0.000349874826670814	0.00591122098575662	TNFRSF11B
ENSG00000122966	144.180057907014	1.00326585665881	0.34554533343381	2.903427595705	0.00369102306580197	0.0255393119471299	CIT
ENSG00000169710	70.6851792140126	1.00336558197054	0.385383516659953	2.60355084894787	0.00922635801682836	0.0463120629107827	FASN
ENSG00000172037	154.485088315495	1.00372731763131	0.276282998519314	3.63296809072799	0.000280179677864479	0.00513408342470749	LAMB2
ENSG00000147570	21.9555135680575	1.0037669531796	0.277240744992011	3.62056072677384	0.000293965242520135	0.00526833384635409	DNAJC5B
ENSG00000163297	83.6169565637607	1.00462049855035	0.328835094050687	3.05508906052314	0.00224993699186828	0.018618135016321	ANTXR2
ENSG00000244471	6.92896842440034	1.0059233461182	0.334895360668107	3.00369447970676	0.00266723019379362	0.0206795302865858	TPTE2P3
ENSG00000070729	5.94374097942287	1.00720110867521	0.316576299749391	3.18154299444567	0.00146492777318178	0.0140442449117615	CNGB1

ENSG00000234889	5.36003331092717	1.0074123990375	0.297545558204534	3.3857416831106	0.000709861704210917	0.00892772090476512	KPNB1P1
ENSG00000155886	174.204198967327	1.00826889834026	0.341863998437602	2.94932751897914	0.00318466281628001	0.0232230562332325	SLC24A2
ENSG00000214514	29.6578738768159	1.00861253724876	0.246941743619002	4.08441490072618	4.41880163392555e-05	0.00153305864583055	KRT42P
ENSG00000205307	7.267557987007	1.00926379710602	0.369520733245825	2.73127785886537	0.00630892562801601	0.0361681433769806	SAP25
ENSG00000131435	27.9261269536604	1.00976431349714	0.226884602269372	4.45056342914925	8.56452923719978e-06	0.000522620184403728	PDLIM4
ENSG00000129646	34.9824279484161	1.01018384641458	0.287525403751191	3.51337249938699	0.00044245670686056	0.00677060866890548	QRICH2
ENSG00000165409	170.370686354841	1.01068047450624	0.258441203202305	3.91067856821226	9.20371872814332e-05	0.00248088857261457	TSHR
ENSG00000118523	557.282385553467	1.01133584318324	0.385919035953024	2.62059071713256	0.00877775727801804	0.0448173503453808	CCN2
ENSG00000186367	20.5068389274262	1.0129030021207	0.263617589621441	3.84231948852595	0.000121877045187144	0.00304585434661791	MINAR2
ENSG00000159217	14.1704565930665	1.01320844705892	0.359435942470019	2.81888461152834	0.00481908384440088	0.0302905667667074	IGF2BP1
ENSG00000090659	35.118891195754	1.01341619521733	0.303941396948946	3.33424865908462	0.000855301594228174	0.0100321430506964	CD209
ENSG00000236428	35.9451928230152	1.0134202975114	0.389792159280894	2.59989913440281	0.00932511651536859	0.0466000327301915	PPP1R18
ENSG00000186529	124.58562349487	1.01435091582917	0.336644957130122	3.01311780956546	0.00258578515180304	0.0202915282149183	CYP4F3
ENSG00000171236	61.5259519654965	1.01438423803824	0.30158986904656	3.36345594513865	0.000769731205867015	0.00938676934553318	LRG1
ENSG00000163346	668.883428260317	1.0155114458064	0.234010409069319	4.33959946416566	1.42742648409259e-05	0.000741404570445269	PBXIP1
ENSG00000138135	29.2048576807923	1.01575522301262	0.387503864171476	2.62127766179678	0.00876008822853842	0.0447635332983084	CH25H
ENSG00000179046	31.0570496426268	1.01723775260464	0.31290068688679	3.2509923922688	0.0011500293497052	0.0120142893268925	TRIML2
ENSG00000182261	28.9558173016753	1.01826967408722	0.259900167308677	3.91792619693796	8.93140406985741e-05	0.00243098968979948	NLRP10
ENSG00000149591	432.022220123515	1.01858536715692	0.36635350817702	2.78033468882396	0.00543028996823155	0.0328842491135556	TAGLN
ENSG00000130508	82.6516372940677	1.01966020416161	0.287141803963113	3.55106846195268	0.000383670601771422	0.00626116429945767	PXDN
ENSG00000026103	107.291399654271	1.02007837338142	0.283975765060956	3.59213179040985	0.000327983896342514	0.00566862176363304	FAS
ENSG00000043462	46.6014693429204	1.02145090091644	0.381345143987271	2.67854702497677	0.00739423485538995	0.0400472403970249	LCP2
ENSG00000020577	165.833862375028	1.02216736807617	0.220263959952436	4.64064737734169	3.47319364584914e-06	0.000295898152256412	SAMD4A
ENSG00000131686	11.426752544643	1.02225881557884	0.313524844737362	3.26053527411894	0.00111202134436706	0.0117792548474409	CA6
ENSG00000113946	9.31660677999978	1.0229747402511	0.355245369700404	2.87962863840795	0.00398143836738476	0.0268749420749899	CLDN16
ENSG00000280913	17.6756705869886	1.02458836696199	0.267253638267609	3.83376770323345	0.000126195322321149	0.00311851372290015	CTSLP3
ENSG00000141748	6.44559389979377	1.02502702381338	0.330693546704373	3.09962814221383	0.00193763741148575	0.0168941240903769	ARL5C
ENSG00000165731	58.4004494715216	1.02506911392237	0.359306950495044	2.85290644255576	0.00433213736927585	0.0282673856880157	RET
ENSG00000107968	40.1572679498241	1.02559660301977	0.254698636249882	4.0267062993363	5.65636129183555e-05	0.00183260578466587	MAP3K8
ENSG00000078081	44.7181421720277	1.02609815154141	0.315659103641915	3.25065280773722	0.0011514037366996	0.0120172479192891	LAMP3
ENSG00000135914	20.1227595535329	1.02642917296607	0.314512604379734	3.26355496941163	0.00110023838541663	0.0117074619529178	HTR2B
ENSG00000136732	34.2482700950072	1.02685934785104	0.342970067078233	2.99402031378095	0.00275327612854997	0.0211202411107012	GYPC
ENSG00000164647	56.3971432733392	1.02784446386048	0.325885370324259	3.15400615510223	0.0016104568917857	0.0149564981084468	STEAP1
ENSG00000115687	100.55096267559	1.02819778067959	0.260172461280567	3.95198544695625	7.75054551558714e-05	0.00226737649914081	PASK
ENSG00000136449	20.85220939066	1.02824422765848	0.220284280536445	4.66780573336629	3.04433539601416e-06	0.000272797135283377	MYCBPAP
ENSG00000198542	108.036834780197	1.03008408400337	0.329066818782993	3.13031890548245	0.0017461662576385	0.0157321038782621	ITGBL1
ENSG00000258778	47.7700679666566	1.03017106038502	0.295640145119475	3.48454388685508	0.000492976609262117	0.00724282399412947	EIF2S2P1
ENSG00000196924	30.9624153069332	1.03043466023912	0.395693216695178	2.60412515747753	0.00921091141066631	0.0462942548490109	FLNA
ENSG00000204291	321.551011593234	1.03055900458667	0.359806825347347	2.86420082107059	0.00418062871690344	0.0276352709576843	COL15A1
ENSG00000119630	95.034143641026	1.03150701249312	0.201433731248408	5.12082562389248	3.04200844807902e-07	6.5069541997458e-05	PGF
ENSG00000165424	105.620129823858	1.03197033028667	0.324866641599334	3.17659678816584	0.00149014056296727	0.0141970144727528	ZCCHC24
ENSG00000138119	133.278686336229	1.03254470421592	0.257987740378302	4.0023014376646	6.27293070700721e-05	0.00195461207318366	MYOF
ENSG00000276053	117.719472439761	1.03453480309933	0.199566644383717	5.18390639023913	2.17286021615317e-07	5.16612347515498e-05	LAIR1
ENSG00000126464	58.2723544033733	1.03468944174978	0.301906293144633	3.42718739305674	0.000609868047314564	0.00813143771127924	PRR12
ENSG00000073331	83.2318347058443	1.03593100349439	0.258258558202274	4.01121655253348	6.04066702674904e-05	0.00190741252639871	ALPK1
ENSG00000077063	286.786828231716	1.03628368194015	0.325081578338174	3.18776501343957	0.00143377003716403	0.0138398382922128	CTTNBP2
ENSG00000165091	35.303743041225	1.03749275277981	0.245779387499715	4.22123581368682	2.42966596544192e-05	0.00107407433445636	TMC1
ENSG00000205090	5.09995430465616	1.03975384778597	0.358418256475915	2.90095113460227	0.00372031888551318	0.0256705874399978	TMEM240
ENSG00000182177	14.387156085801	1.0400235332755	0.314209074818528	3.30997293402862	0.000933049930849083	0.010576160840103	ASB18
ENSG00000089060	39.4311331720654	1.04131551962772	0.251872938931306	4.1342889952609	3.56055208053005e-05	0.00135950216003809	SLC8B1
ENSG00000026025	1421.13985236881	1.04173981327288	0.279825023607997	3.72282578534593	0.00019700546170456	0.00406960503602162	VIM
ENSG00000127586	13.0076957145912	1.04207549720346	0.343990765671744	3.02937055641157	0.00245063895841178	0.0196416441578104	CHTF18
ENSG00000205086	49.7500135875246	1.04451063451909	0.202447978861522	5.15940262971731	2.47739025223687e-07	5.60030957815319e-05	LINC02898
ENSG00000213420	5.20464597248489	1.04512103960652	0.400495107960969	2.60957254865737	0.00906554210613663	0.0457717840399431	GPC2
ENSG00000198099	10.4253367920454	1.04537434503295	0.269892862830971	3.87329377319491	0.000107374268401932	0.0027848713446149	ADH4
ENSG00000124491	244.566759426931	1.0455863817581	0.341728665599645	3.059697611037	0.00221560568432839	0.0184878539758157	F13A1
ENSG00000115252	90.8704906107621	1.04592843540993	0.338261814391038	3.09206771474598	0.00198767502059756	0.0171469293949468	PDE1A
ENSG00000118257	107.23776178801	1.04603644350871	0.26374514154482	3.96608800974235	7.30618938432474e-05	0.00218559436725371	NRP2
ENSG00000197614	82.9813999418227	1.04644556175389	0.293568890841872	3.56456557352851	0.000364459330468727	0.00606710415147647	MFAP5
ENSG00000117650	25.6360278123345	1.04825597547643	0.288611065485212	3.63207132655884	0.000281155380179678	0.00513592651782767	NEK2
ENSG00000132821	67.7501515175114	1.0486222270123	0.317699323739546	3.30067503660149	0.000964525279127624	0.0107854420335502	VSTM2L
ENSG00000203995	32.4805158807908	1.04863036812221	0.258710355842478	4.05329877386389	5.05004394609152e-05	0.00170851231665984	ZYG11A
ENSG00000007968	30.4406932195914	1.04938230617879	0.241924360923909	4.3376462881671	1.44016677494231e-05	0.000744503755140381	E2F2
ENSG00000171617	97.1853481735312	1.04980096655625	0.378017061170645	2.77712588766554	0.00548419334900337	0.0330396905789594	ENC1
ENSG00000164692	1552.78101373678	1.05017417072824	0.377140856395988	2.784567497576	0.00535991640314662	0.0326280568579823	COL1A2

ENSG00000145861	7.75178548616792	1.05095390329455	0.382987448355119	2.74409489869254	0.00606779940334153	0.0352634336928639	C1QTNF2
ENSG00000183506	154.328424381001	1.05099496030202	0.225553820302113	4.65961941542062	3.16794569602933e-06	0.000282202957418706	PI4KAP2
ENSG00000100968	93.5211581332085	1.05107076123202	0.297760708960503	3.52991758013124	0.000415689141717968	0.00654217096218001	NFATC4
ENSG00000132334	158.828163887268	1.05349506981078	0.360936613447652	2.91878138864284	0.00351402563790091	0.02473620382688	PTPRE
ENSG00000002726	15.8616560961816	1.05620463444091	0.329027720971676	3.2100779573276	0.00132698977818251	0.013115769671817	AOC1
ENSG00000198467	148.155181863927	1.05686146583229	0.280876171470998	3.76273095826293	0.000168067976590696	0.00373144671687357	TPM2
ENSG00000004848	793.720893844717	1.05703479599147	0.357058199260648	2.96039916792345	0.00307240676704208	0.0227020212184681	ARX
ENSG00000131044	16.9292361623063	1.05731388115683	0.342906780655091	3.08338575031073	0.00204659677469595	0.0175034177295901	TTLL9
ENSG00000103740	27.6264790662631	1.05931884186454	0.363460221987322	2.91453858711804	0.00356214769321776	0.0249865317564108	ACSBG1
ENSG00000179709	5.51251580963417	1.06031350927412	0.360913683813878	2.937858986308	0.0033048730680463	0.0237171139764232	NLRP8
ENSG00000169026	5.62103349233713	1.06093554789892	0.324576624126989	3.26867515722215	0.00108052275381776	0.0115975610461481	SLC49A3
ENSG00000225193	12.0796270291351	1.06120683106125	0.353698209072848	3.0003172304519	0.00269698556633334	0.0208111457994838	RPS12P26
ENSG00000129467	69.2496836441152	1.06245510879611	0.320904784367975	3.31081105845344	0.000930259968998236	0.010556566778826	ADCY4
ENSG00000125823	18.5135267688476	1.06359226009766	0.251959291434677	4.22128612142653	2.4291236916786e-05	0.00107407433445636	CSTL1
ENSG00000273850	29.7251451689325	1.06415669234912	0.319975786267	3.32574131550425	0.000881837288588846	0.010240740911791	PPP2R3B
ENSG00000103522	12.167183336741	1.06416023976074	0.320376315390645	3.32159460184556	0.000895046347902233	0.0103169325311565	IL21R
ENSG00000125207	10.0593465089789	1.06476453740475	0.36689951745123	2.90206033739548	0.00370717130051261	0.0256261058349678	PIWIL1
ENSG00000100300	54.466342204374	1.06554276360772	0.228228956884703	4.66874483480206	3.03045481068209e-06	0.000272782070357008	TSPO
ENSG00000182578	93.5920084479596	1.06658757227631	0.313895864602828	3.39790259303307	0.00067904593186443	0.00867582576915806	CSF1R
ENSG00000165181	19.7991989665009	1.07050037184513	0.305463831931954	3.5045077679887	0.000457452222156448	0.00691496736729349	SHOC1
ENSG00000183578	31.9054169274266	1.07066486492301	0.25513589801301	4.19644931685943	2.71132101159786e-05	0.00114758104007907	TNFAIP8L3
ENSG00000163565	316.433146555831	1.07139115681366	0.361280536052378	2.96553799582031	0.00302154018863247	0.0224784962499872	IFI16
ENSG00000137807	16.1596460422766	1.07177294842694	0.302535059175053	3.54264048388121	0.000396142360255435	0.00636982802782747	KIF23
ENSG00000239881	22.9867268448206	1.07311109023902	0.326349088860417	3.28823069182217	0.00100819189855744	0.0110928990254443	RPS27P25
ENSG00000021300	376.436744073943	1.07350687591515	0.315040312325288	3.40752225641118	0.000655555620279855	0.00849674353073802	PLEKHB1
ENSG00000137809	46.9311990443374	1.0737413721773	0.27262224910578	3.93856838794064	8.1969231640173e-05	0.00231626069658942	ITGA11
ENSG00000136295	24.7145668337805	1.07516212301431	0.284009845665399	3.78565088296619	0.000153306780413843	0.00355422786123905	TTYH3
ENSG00000226173	35.2780370760516	1.07812808254596	0.41454443176686	2.60075398420091	0.00930191342456585	0.0465483937702866	TAP1
ENSG00000177689	5.116824216911	1.07904432536134	0.396219771054258	2.72334801085323	0.00646239434406568	0.0367514038554885	MAGEB10
ENSG00000206199	6.14113050616151	1.08064956106717	0.414710499627491	2.60579262410247	0.00916619392207033	0.0461259553498954	ANKUB1
ENSG00000115648	101.147782384704	1.08228715411329	0.286544088391826	3.77703536020381	0.000158706206689504	0.00360855842602308	MLPH
ENSG00000183914	46.4131950904659	1.08371620702117	0.243464294273268	4.45123261403082	8.53787953289402e-06	0.000522620184403728	DNAH2
ENSG00000198483	6.14815867500714	1.08470538810202	0.418679935602847	2.59077470846597	0.00957601588525128	0.047479077436372	ANKRD35
ENSG00000213809	37.7587905973445	1.08495278989779	0.356861860298311	3.04025986131118	0.00236374105381516	0.0192239986850143	KLRK1
ENSG00000121898	35.3773442801362	1.08658786235343	0.365038732886138	2.97663717425941	0.00291428676539315	0.0219859993293993	CPXM2
ENSG00000275410	96.8189068093352	1.08672518261225	0.354694463550958	3.06383463596443	0.00218519661449321	0.0183196730789475	HNF1B
ENSG00000122367	21.9513525007245	1.08730662569251	0.224030248910484	4.85339203513971	1.21367428837336e-06	0.000153781035787332	LDB3
ENSG00000157087	47.5497625688049	1.08758270578327	0.418190378695212	2.60068801481426	0.00930370218804161	0.0465483937702866	ATP2B2
ENSG00000100097	618.364943403813	1.08786934078973	0.333227905294666	3.26464057632794	0.00109603060006108	0.011678273554909	LGALS1
ENSG00000141934	127.841101806498	1.08789518019473	0.297419347642185	3.6577821477288	0.000254407137437126	0.00481533890108159	PLPP2
ENSG00000160685	45.8415781918065	1.08874846494842	0.347575687543662	3.13240685113125	0.00173379433715824	0.0156560920331769	ZBTB7B
ENSG00000166927	151.949928625352	1.08921148796307	0.317616318079825	3.42933100713461	0.000605071105275922	0.00808410029473759	MS4A7
ENSG00000086991	43.8269585559738	1.08998566890798	0.353628485086728	3.08229035520331	0.00205414365481511	0.0175574699934992	NOX4
ENSG00000100121	8.80892600288583	1.09106321406271	0.379595850838091	2.87427592175681	0.00404955010929522	0.0271087509690081	GGTLC2
ENSG00000105609	31.6695500272332	1.09154320266136	0.221695132833979	4.92362276387359	8.49565378067756e-07	0.00012803336413562	LILRB5
ENSG00000115414	574.199603973696	1.09309043083377	0.321604035546474	3.3988703810149	0.00067664775996701	0.00866187508946185	FN1
ENSG00000105664	47.0951024073337	1.09336795153261	0.240865198835563	4.53933551554306	5.64317812408737e-06	0.000408622547976991	COMP
ENSG00000153404	20.4765305496891	1.09346691203432	0.303595921836383	3.60171805148168	0.000316121112070075	0.00552600815677504	PLEKHG4B
ENSG00000279486	7.11599540507991	1.09404359445754	0.320932604831825	3.40895121899766	0.000652131396828653	0.00847344864605643	OR2AG1
ENSG00000167178	8.50892218977016	1.094474821389	0.330083514724775	3.31575123435526	0.000913971473950386	0.0104793282601124	ISLR2
ENSG00000166965	90.5241253557034	1.09507092139648	0.346186372469448	3.16324098370778	0.0015602312116522	0.0146533106566681	RCCD1
ENSG00000214274	321.386574129034	1.0964611088436	0.292320336740907	3.75088890861339	0.000176208763420147	0.00382259643480587	ANG
ENSG00000130635	83.6504874314172	1.0978364900961	0.347342358694563	3.16067551974415	0.00157403738375258	0.0147006223826245	COL5A1
ENSG00000147257	119.881598398879	1.09800414880118	0.397404779935862	2.76293644222999	0.00572839198800934	0.0339886014785837	GPC3
ENSG00000271503	748.426493314218	1.09835531783981	0.240147262227827	4.57367411833245	4.7924505420852e-06	0.000363878697075194	CCL5
ENSG00000135046	534.594884138404	1.0984447658409	0.391748593581755	2.80395331045818	0.00504802145514501	0.0313322283098136	ANXA1
ENSG00000105519	232.078915575817	1.0998847042093	0.198069879577615	5.5530134443198	2.8078647057885e-08	9.56143367488957e-06	CAPS
ENSG00000206384	21.1564246016858	1.10142373571496	0.39643042134935	2.77835321508877	0.00546351918471066	0.0329944917025316	COL6A6
ENSG00000135744	303.195819291221	1.10165291188175	0.260482806535886	4.22927304313262	2.3444766170742e-05	0.00106457130589643	AGT
ENSG00000169668	16.771271959367	1.10211404741881	0.370414112765053	2.9753565251383	0.00292648209322478	0.0220266773668258	BCRP2
ENSG00000197253	111.470142397982	1.10549351341995	0.360479240187195	3.06673281059367	0.00216412207161869	0.0182033320806388	TPSB2
ENSG00000142156	279.680730782298	1.10611670713391	0.173680289000694	6.36869453349132	1.90643863347338e-10	1.30775116329952e-07	COL6A1
ENSG00000107796	671.609623008045	1.10637437194609	0.37779494616699	2.92850495532319	0.00340596403571748	0.0242154548114824	ACTA2
ENSG00000000971	382.091337933109	1.10836083954934	0.391447519594481	2.83144172352285	0.00463386769264995	0.0294980896031634	CFH
ENSG00000160654	64.9717032672724	1.10847414178867	0.280597393805331	3.95040783079293	7.80181384178391e-05	0.00227000790912469	CD3G



ENSG00000151715	304.352925544951	1.10903539277777	0.317533719576411	3.49265392745446	0.0004782458725243	0.00710511213004175	TMEM45B
ENSG00000184588	319.677137268962	1.10920890838232	0.235309403831774	4.71383162049615	2.43101571179946e-06	0.000231388495477639	PDE4B
ENSG00000260818	8.23612137202967	1.10931966647346	0.314856402849248	3.52325586024242	0.000426279625265556	0.00661981310336277	UNGP1
ENSG00000197408	5.59247561077007	1.10932007016635	0.325882946231543	3.40404455954	0.00066395921210536	0.00855503554973509	CYP2B6
ENSG00000130649	27.8848681723679	1.10964779067581	0.37974509323706	2.9220859214186	0.00347695608042138	0.0245534566232952	20,00 CYP
ENSG00000154856	85.3466223075039	1.110017140714	0.255472414045135	4.34495890627899	1.3930173826237e-05	0.000731741545004657	APCDD1
ENSG00000163803	59.9116262451783	1.11026545334366	0.263874435183686	4.20755217371019	2.58151813267601e-05	0.00110994030271972	PLB1
ENSG00000184226	702.413900525661	1.11178989322805	0.276834931823931	4.01607516039613	5.91753903570742e-05	0.00188348166459724	PCDH9
ENSG00000284548	45.0405875932482	1.11181387591164	0.287480175007047	3.86744538431002	0.000109981449843749	0.00282475169950458	METTL9
ENSG00000241839	39.3890534590236	1.11234712584311	0.335007706996434	3.32036279348927	0.000899005374170842	0.0103438877286074	PLEKHO2
ENSG00000182492	492.335204251694	1.11293849740218	0.365818325600575	3.04232571065168	0.00234757722538245	0.0191473365086237	BGN
ENSG00000261934	24.8653704084856	1.1137311588152	0.334828958959528	3.32626891734841	0.000880169671585888	0.0102333227801625	PCDHGA9
ENSG00000130303	152.250235322803	1.11467133904357	0.324652590251783	3.43342813984354	0.000596000164674688	0.00802180735850715	BST2
ENSG00000171631	10.2104040435066	1.11713225509322	0.405913309577329	2.75214492536959	0.00592063129938365	0.0347533545112537	P2RY6
ENSG00000185347	13.9569908906255	1.11786778939631	0.401861799055272	2.78172195522012	0.00540713428163415	0.0328239616309271	TEDC1
ENSG00000139899	12.2883228595271	1.11820996583003	0.366706768247461	3.04933004420426	0.00229352362504175	0.0188377644397009	CBLN3
ENSG00000164220	56.0434723463892	1.11923940546613	0.41543157784308	2.69416063958648	0.00705661455952702	0.0387996775656913	F2RL2
ENSG00000163431	50.9830284806544	1.11951931170124	0.391542707940748	2.85925210455114	0.00424641164429309	0.0278883680554382	LMOD1
ENSG00000143110	125.41276512103	1.12137119369324	0.286417254773484	3.91516633514305	9.03419035594619e-05	0.0024436133901449	C1orf162
ENSG00000078328	15.2491465567064	1.12149895252419	0.377387369132295	2.97174480190683	0.00296112702418347	0.022228565997012	RBFOX1
ENSG00000184922	44.328116876473	1.12168567455124	0.212232597191517	5.2851715023731	1.25587044229522e-07	3.37608523088902e-05	FMNL1
ENSG00000135374	5.15115130842373	1.12239022750689	0.360680374555468	3.11186941870683	0.00185906711482165	0.0164220346870102	ELF5
ENSG00000120280	15.3387970857722	1.12279501195063	0.3733258496842	3.00754692690156	0.00263365459523916	0.0205214613643136	TASL
ENSG00000106333	101.292174738536	1.12307655071499	0.22047280740989	5.09394588797082	3.50686897274604e-07	7.34338362893021e-05	PCOLCE
ENSG00000187730	24.8505311232572	1.12370897975456	0.288291063620685	3.89782799938974	9.70593122848145e-05	0.00257783831679815	GABRD
ENSG00000109113	45.0894635773469	1.12445647583362	0.371333144746375	3.02816080854198	0.00246047118689502	0.0196966411754135	RAB34
ENSG00000198774	47.1408306418722	1.12542828005532	0.257144165070259	4.37664327225865	1.20520981157946e-05	0.000660864249503056	RASSF9
ENSG00000038945	96.6987418237105	1.1272328435351	0.356854860787432	3.1587991853264	0.0015842060928691	0.0147780625073698	MSR1
ENSG00000124813	51.2580914224953	1.12778529033384	0.380912334273402	2.96074762841458	0.00306893301211962	0.0227020212184681	RUNX2
ENSG00000184371	48.5891123785233	1.12909354104911	0.322954445155778	3.49613872168408	0.00047204322785789	0.00704452808085296	CSF1
ENSG00000137462	47.2733845409886	1.12922181239628	0.325641956412737	3.46767911861162	0.000524973745457753	0.00751857647112388	TLR2
ENSG00000162572	13.6657766104953	1.13001986411279	0.321452204533299	3.5153588875006	0.00043916007713884	0.00673570656478254	SCNN1D
ENSG00000157445	97.5583752706552	1.13027626050218	0.436481716483616	2.58951570665528	0.00961110382233301	0.047572452932986	CACNA2D3
ENSG00000188001	16.2112586797278	1.1307042213718	0.373013986860744	3.0312649423356	0.00243531454730385	0.019574025167481	TPRG1
ENSG00000078401	78.5507120923271	1.13117692623785	0.402457659777769	2.81067311990649	0.00494379844548639	0.0308370327887939	EDN1
ENSG00000276495	9.04045781529615	1.13335026651587	0.359388971277725	3.15354770761746	0.0016129886145548	0.0149660366181616	APBA2
ENSG00000123338	44.4128396647546	1.13399450947626	0.324763913085977	3.49175035705414	0.000479866519040286	0.00712386915169284	NCKAP1L
ENSG00000112486	57.666601325669	1.13582513741521	0.235101809197439	4.83120543092608	1.35708888964206e-06	0.000168335092935474	CCR6
ENSG00000153071	320.492421051599	1.13626219001129	0.337651881961089	3.36518838103864	0.000764914155127352	0.00935829433695708	DAB2
ENSG00000255419	18.3091779901994	1.13631697958824	0.364328435935694	3.11893573903961	0.00181505542365777	0.0161914338757058	MSH5-SAPCD1
ENSG00000248334	36.320550754133	1.13737951874427	0.415351890109428	2.73835161420505	0.00617480184631046	0.0356768321605152	WHAMMP2
ENSG00000181227	10.4400232152075	1.13766313840502	0.382547046364428	2.97391693183077	0.0029402466015562	0.0221056382312235	DLSTP1
ENSG00000227038	46.603751108092	1.13849639701814	0.346019125089736	3.29027014539408	0.00100091238977507	0.011080217122869	GTF2IP7
ENSG00000197093	47.6584583341992	1.14000368490561	0.236004605499531	4.83042982357339	1.36238626464642e-06	0.000168335092935474	GAL3ST4
ENSG00000153283	44.33023206012	1.14078867065085	0.30459548838985	3.74525793760531	0.000180208529462259	0.00385731608979918	CD96
ENSG00000140682	28.6433248497722	1.14164080754606	0.364103957090407	3.13548036299587	0.00171572914556944	0.0155778182988649	TGFB1I1
ENSG00000162433	334.064080681979	1.14478473033222	0.259944274352345	4.40396209220022	1.06291524415164e-05	0.00061288617251909	AK4
ENSG00000136274	60.7281917403011	1.14493655651876	0.416202918730226	2.75090948427703	0.00594300623599311	0.0348333008404864	NACAD
ENSG00000101955	79.9312514859448	1.14743316976068	0.402898295474447	2.84794744144916	0.00440021908474001	0.0285018674873654	SRPX
ENSG00000169403	112.516110490673	1.14834804511038	0.214669148465786	5.34938556992227	8.82533409617328e-08	2.54438219094457e-05	PTAFR
ENSG00000180801	144.425690453513	1.14897830434283	0.332769108938957	3.45277934002462	0.000554842669786561	0.00772933139360228	ARSJ
ENSG00000159788	142.103915602553	1.14899378813653	0.408870322294299	2.81016675822587	0.00495158368679881	0.030868647534155	RGS12
ENSG00000164107	37.7608079364716	1.14958735634426	0.317627944097203	3.61928910131553	0.000295413458616624	0.00528952289132359	HAND2
ENSG00000099282	23.2271149239665	1.15065191573427	0.362097699290831	3.17773882017981	0.00148428392369111	0.0141615635942385	TSPAN15
ENSG00000132470	12.3110816104049	1.15214414795314	0.420859194676733	2.73760003945766	0.00618892935199095	0.0357136755094628	ITGB4
ENSG00000171451	247.151560420994	1.15226936584977	0.400384708614575	2.877905527004	0.00400325006649014	0.026922465710848	DSEL
ENSG00000240583	370.801065000752	1.15263834020528	0.40043002523355	2.87850128005014	0.00399569659265449	0.0268989483308547	AQP1
ENSG00000162738	34.5073179030256	1.15274236148694	0.328039566085611	3.51403452712195	0.000441355441203412	0.00675895595986103	VANGL2
ENSG00000196923	24.784546108054	1.15395165618875	0.284271403149436	4.05933077827789	4.92135578501505e-05	0.00167351334412486	PDLIM7
ENSG00000164362	6.75170566612578	1.15665001387741	0.431671255290803	2.6794696188381	0.00737388944832339	0.0399751540888	TERT
ENSG00000161653	30.4532548861466	1.15685460154238	0.351771439734354	3.28865413979032	0.00100667644828449	0.0110928990254443	NAGS
ENSG00000167371	58.0967646132818	1.15764640574566	0.337427706093573	3.43079831572759	0.000601807857548697	0.00805636858022627	PRRT2
ENSG00000051523	20.5036162342729	1.15839831346412	0.361535416172968	3.20410743081921	0.00135481912374233	0.0133093416437562	CYBA
ENSG00000102935	13.6228761715623	1.15940276839032	0.404656046432113	2.86515617056231	0.00416803630109627	0.0276106380744949	ZNF423
ENSG00000140931	52.7479764874928	1.15990193665441	0.27412818194935	4.23123929982771	2.32407253921013e-05	0.0010620646113264	CMTM3

ENSG00000166482	735.837238773954	1.15997637487198	0.378848181945855	3.06185018208104	0.0021997352154163	0.0184172275422039	MFAP4
ENSG00000186510	11.5801826915872	1.16005572989145	0.443409395624236	2.61621819776353	0.00889097208915327	0.0451424471080975	CLCNKA
ENSG00000124212	79.1186200787647	1.16037385245503	0.266276286975837	4.35778140679995	1.31387509570212e-05	0.000704499118027014	PTGIS
ENSG00000180871	9.14541829042838	1.16235088470172	0.40967948055394	2.83722016814235	0.00455082188907092	0.0291748307571021	CXCR2
ENSG00000082074	110.880647593927	1.16247997785661	0.41130580954602	2.826315483216	0.00470868633058257	0.0298786761371565	FYB1
ENSG00000092051	41.517220651804	1.16345607057436	0.308189653637333	3.77513020584225	0.000159924107067377	0.00363170121220472	JPH4
ENSG00000203799	78.8411860629796	1.16378825476999	0.304815530252419	3.81800839939569	0.000134533346362143	0.00327974492546828	CCDC162P
ENSG00000203747	82.2252463597127	1.16512749482734	0.408753947792639	2.85043728903241	0.00436591588300317	0.0283890119911939	FCGR3A
ENSG00000112799	29.1768672621477	1.16697698363768	0.437262056047863	2.66882746283831	0.00761165398410063	0.0408181747978117	LY86
ENSG00000011028	26.416194987051	1.17069951606168	0.437155227193745	2.67799500780723	0.00740643222176025	0.0400914710714222	MRC2
ENSG00000159648	9.79440666032119	1.1713227830894	0.373256257060875	3.13811961871108	0.00170035470615887	0.0154877088688729	SPMIP8
ENSG00000101938	56.9759458967196	1.17135534446094	0.433169431703426	2.70415052108967	0.00684792613037874	0.0381371205239709	CHRD1
ENSG00000170801	37.2086660067433	1.17237923366774	0.398467974427416	2.94221696323877	0.00325871525370089	0.0235378621947881	HTRA3
ENSG00000054598	12.1049215934991	1.17277006398257	0.45170545332876	2.59631592963968	0.00942293790037616	0.0469381974537147	FOXC1
ENSG00000169129	45.4762905322598	1.17617774109026	0.383908661540831	3.06369159885486	0.00218624158696131	0.0183196730789475	AFAP1L2
ENSG00000069424	199.345824584773	1.17992754295277	0.21563221772458	5.47194457026759	4.45124071103441e-08	1.4282021203969e-05	KCNAB2
ENSG00000102239	135.710514186247	1.17996370313898	0.410194075784073	2.87659859758704	0.0040198658849133	0.0269988452379894	BRS3
ENSG00000126882	29.5149429087806	1.18072810445373	0.403530245382099	2.92599654664228	0.00343354748671938	0.0243332953877123	FAM78A
ENSG00000186998	11.1491232367952	1.181294462481	0.416905551164322	2.83348221001594	0.00460438707541519	0.0293762258150207	EMID1
ENSG00000133742	14.3975398620926	1.18258285163344	0.377014739158336	3.13670190792404	0.00170859746391428	0.0155272404521	CA1
ENSG00000267691	7.48822209334628	1.1829070533933	0.389035794937477	3.04061237754075	0.00236097566995278	0.0192239986850143	SHC1P2
ENSG00000166535	11.9238454682954	1.18594026585452	0.286965087343536	4.13269877821335	3.58528463736459e-05	0.00136110815441019	A2ML1
ENSG00000131981	172.881629594695	1.18661080437949	0.396592662158978	2.99201401740465	0.00277143537373912	0.0212128372026903	LGALS3
ENSG00000100055	24.9673973127339	1.1871277311761	0.287542573755463	4.12852857116623	3.65092079793853e-05	0.00136846841064598	CYTH4
ENSG00000091137	721.811754997093	1.18770536343651	0.279657683585615	4.24699707230789	2.1665478952154e-05	0.00101889213426761	SLC26A4
ENSG00000183484	9.56196155298878	1.18772302957293	0.347499073057292	3.41791711593173	0.000631023201999766	0.00829341482551407	GPR132
ENSG00000079931	59.0857899536134	1.19165563954964	0.458256435186881	2.60041223221159	0.0093111833721074	0.0465512366979976	MOXD1
ENSG00000143382	13.0995814231389	1.19261887320971	0.433582203151238	2.75061767882044	0.00594830220446557	0.0348540723868729	ADAMTSL4
ENSG00000175130	94.5075725791965	1.19291443031163	0.244394670548701	4.88109837924603	1.05496593257833e-06	0.000144734050322625	MARCKSL1
ENSG00000157227	13.5714040909006	1.19338301086085	0.451196498767921	2.64492967946252	0.00817078953710901	0.0427291052212696	MMP14
ENSG00000197629	48.0582439355186	1.19376754841962	0.465069092992108	2.56686063728574	0.0102623848272372	0.0496125794697802	MPEG1
ENSG00000196083	113.366212985324	1.19402852514735	0.297656961868007	4.01142482155963	6.03533963016875e-05	0.00190741252639871	IL1RAP
ENSG00000161381	102.15713974806	1.19480528113725	0.352122552870483	3.3931518200049	0.000690933327766702	0.00877136993571347	PLXDC1
ENSG00000275079	24.5338907418697	1.19598605943934	0.401843780441878	2.97624628686352	0.00291800416925532	0.0219878245981045	LPCAT1
ENSG00000254415	8.55654598045331	1.19653101251088	0.411594571400854	2.90706218121029	0.00364840666534387	0.0253650712517441	SIGLEC14
ENSG00000169031	56.9542149656439	1.19693095807155	0.412643498486621	2.90064174635325	0.00372399367423341	0.0256781303852774	COL4A3
ENSG00000051128	6.49474773239637	1.19714729391456	0.337698259796913	3.54502061880482	0.000392582375213861	0.0063417068649184	HOMER3
ENSG00000136286	3.65522692833611	1.19751522110351	0.454630884100304	2.63403843202018	0.00843759368388207	0.0435632107847044	MYO1G
ENSG00000128602	19.5577871719016	1.1995147683228	0.420269819476113	2.85415395713652	0.00431516137363056	0.0281960414897274	SMO
ENSG00000196169	57.9925228419268	1.20047046945651	0.237176772374353	5.06150099539139	4.15968567729495e-07	8.11261050768907e-05	KIF19
ENSG00000187955	324.26643757878	1.20077704409089	0.320895531152762	3.74195626775265	0.000182593295744117	0.00388069276948475	COL14A1
ENSG00000104522	80.6283297609773	1.2021253905073	0.448184835585778	2.6822089795522	0.00731377556828707	0.0397630328996815	GFUS
ENSG00000116106	138.616173014724	1.20325140207625	0.41296153596807	2.91371301507674	0.00357158075564171	0.025017414074641	EPHA4
ENSG00000075275	15.4036434458106	1.20381635302343	0.3657016418837	3.29179914758562	0.000995486804805892	0.0110488237144281	CELSR1
ENSG00000160183	27.9421930645329	1.20428285819681	0.465420546794552	2.587515455626	0.00966708587252482	0.0477900942500339	TMPRSS3
ENSG00000122188	12.467221101357	1.2046377597106	0.370238715323347	3.25367853185893	0.00113921116060831	0.0119339072474958	LAX1
ENSG00000099998	87.7191092788506	1.20644762996057	0.250187709003852	4.82216986103821	1.42004936999867e-06	0.000172250256813314	GGT5
ENSG00000068078	45.7478214303697	1.20721486600753	0.459965093055723	2.62457930880699	0.00867560854149866	0.0444574654085608	FGFR3
ENSG00000164089	3.90901711850107	1.20753268902945	0.456680340878744	2.64415299048327	0.00818956309431136	0.0428047763098097	ETNPPL
ENSG00000266501	9.24884542262136	1.20826862832421	0.463013087066123	2.60957770325756	0.00906540552589209	0.0457717840399431	ATG12P1
ENSG00000182179	128.484374037428	1.20928207282633	0.251821835921609	4.80213349410563	1.56983975440818e-06	0.000181562919967686	UBA7
ENSG00000105366	14.8102593800749	1.2097583381703	0.244123478512955	4.9555181891532	7.21377733939835e-07	0.000115728768236009	SIGLEC8
ENSG00000115380	290.482852955637	1.20976560551993	0.396369020684025	3.05211947046772	0.00227231640309974	0.0187264704629278	EFEMP1
ENSG00000124107	129.853763748903	1.21092021965602	0.446249910350926	2.71354725584991	0.0066567073238047	0.0374993492496138	SLPI
ENSG00000153234	126.654193083547	1.21137459477519	0.307709407794475	3.93674864690614	8.25930368207511e-05	0.00231861033496421	NR4A2
ENSG00000271131	8.27106286063082	1.21149703553983	0.416547221290228	2.90842664077149	0.00363252390685359	0.025292893972362	PPIAP75
ENSG00000168016	111.243989906603	1.21162369272789	0.243569935363675	4.97443861829173	6.54369941244738e-07	0.000109049300132876	TRANK1
ENSG00000145423	536.788897077059	1.21212103793883	0.418110114022525	2.89904739753204	0.00374298307237086	0.0257555040673378	SFRP2
ENSG00000147113	105.723020247919	1.21226789028551	0.341274725365475	3.55217600420682	0.000382059210980139	0.00624960055336788	DIPK2B
ENSG00000271723	37.7042970233033	1.21456937490929	0.291200237243809	4.17090791685168	3.033884481751e-05	0.00121925381809036	MROH7-TTC4
ENSG00000146216	26.979412110789	1.21458028066065	0.306542246245552	3.96219540874547	7.42637186110947e-05	0.00220826330991107	TTBK1
ENSG00000110799	261.983517675943	1.21532836701133	0.408526274744974	2.97490869533425	0.00293075765262328	0.0220505151224035	VWF
ENSG00000267450	5.80146901992737	1.21896798340899	0.394159420497393	3.09257604923096	0.00198427384514051	0.0171281969556506	OR1AB1P
ENSG00000166509	25.0764798881236	1.21909617820376	0.432080388611812	2.82145686389626	0.00478060662850511	0.0301237274820564	CLEC3A
ENSG00000109819	81.369538980556	1.22017206473597	0.297665653447244	4.09913623088604	4.14694901047812e-05	0.00146788712927831	PPARGC1A

ENSG00000115604	31.7686636988852	1.22054836565292	0.439252220995967	2.77869594577218	0.0054577585122336	0.0329903342703929	IL18R1
ENSG00000070808	14.0115182633824	1.22056525796524	0.28791077752826	4.23938717558232	2.24130804930108e-05	0.00103930864859549	CAMK2A
ENSG00000144057	17.9452898746596	1.2216195257241	0.249190812238417	4.90234577571545	9.46989564393429e-07	0.000136510604380279	ST6GAL2
ENSG00000180448	19.7674506850312	1.22252651087763	0.352663854965644	3.46654893509495	0.000527185762302848	0.0075394006969738	ARHGAP45
ENSG00000105289	9.18053632590054	1.22493368161704	0.411066456943186	2.97989208539664	0.00288349946522602	0.0218436614096501	TJP3
ENSG00000127249	78.2693925236254	1.22537987602648	0.273480892232793	4.48067821492776	7.44062206294659e-06	0.000480836322926815	ATP13A4
ENSG00000110077	274.858493649728	1.22722120941573	0.320409426391131	3.83016574524132	0.000128056974608977	0.00314498443937825	MS4A6A
ENSG00000106302	6.09880678998895	1.22857381654812	0.457972171598965	2.68263858098337	0.00730438817263764	0.0397452047227452	HYAL4
ENSG00000275395	52.1453572612966	1.22926202136894	0.386859027261682	3.17754513852261	0.00148527567812986	0.0141642325335749	FCGBP
ENSG00000168918	75.400010920774	1.22951140293699	0.267409575832274	4.59785854380984	4.26855637621856e-06	0.000338657451504664	INPP5D
ENSG00000154553	112.778025409134	1.23136291841823	0.369574396759044	3.33184043379785	0.000862737076743389	0.0100777619892286	PDLIM3
ENSG00000278032	157.727272719121	1.23143968176296	0.292472378405283	4.21044779844659	2.54865010451501e-05	0.00110912066498351	LY6E
ENSG00000140678	67.2606353372023	1.23563771942978	0.258625481092124	4.77771066567735	1.77302254298426e-06	0.000195948541375477	ITGAX
ENSG00000213023	12.1790291842635	1.2361160339502	0.414278123631322	2.98378302748675	0.00284708585512532	0.0216333671579925	SYT3
ENSG00000137965	126.058576534256	1.23699258800753	0.330087177922543	3.74747239742161	0.000178625486209043	0.00384698595970667	IFI44
ENSG00000130643	65.9805851541728	1.23712702818033	0.27096633833122	4.56561149181603	4.98040407116999e-06	0.000372962566898738	CALY
ENSG00000250361	6.63410484438791	1.23897902218993	0.479082154465474	2.58615147870054	0.0097054266998715	0.0479407369007159	GYPB
ENSG00000143546	81.9449210034125	1.24359719605823	0.447757232617691	2.7773916432078	0.0054797107526838	0.0330396905789594	S100A8
ENSG00000166510	28.4012206745037	1.2447337219927	0.408656113568973	3.04591973706668	0.00231969749445744	0.0189978354290827	CCDC68
ENSG00000187546	29.8987799200919	1.24778901327125	0.365805798915051	3.41106952643202	0.000647085890898574	0.00844104359207846	AGMO
ENSG00000127074	42.5234273381896	1.24789138780211	0.446224255956072	2.7965565993906	0.00516503633056112	0.0318302564200286	RGS13
ENSG00000152213	44.8851202869424	1.2514463071725	0.409513542505371	3.05593387587685	0.00224360729835871	0.0185966999942707	11,00 ARL
ENSG00000168542	2103.33300975664	1.25156486801229	0.417188180252305	3.00000078443108	0.00269978911030914	0.0208247013460177	COL3A1
ENSG00000126861	20.7783449061299	1.25168703284905	0.351840470708207	3.55754137757254	0.000374342149186283	0.00617990736411845	OMG
ENSG00000026559	92.9375254080223	1.25458112755754	0.451983482793087	2.77572339547609	0.00550790456939542	0.0331524192432627	KCNG1
ENSG00000184564	419.570222851986	1.25719731576018	0.481716427047526	2.60982861528229	0.00905875938910602	0.0457717840399431	SLITRK6
ENSG00000101213	68.1946329689525	1.2575227621337	0.247945850848278	5.07176368481844	3.94145648317538e-07	7.8791656525724e-05	PTK6
ENSG00000122679	144.983707360472	1.25813025716194	0.321695195620506	3.9109389082892	9.19380267330245e-05	0.00248088857261457	RAMP3
ENSG00000121769	8.1905666385938	1.25910220086333	0.450706268530154	2.79362034384284	0.00521216312568832	0.0320017163763327	FABP3
ENSG00000175779	41.1685666851415	1.26205890932844	0.306207411531619	4.12158184877286	3.7627973470479e-05	0.00139132579228297	LINC02694
ENSG00000197191	18.1820588293576	1.26425755339025	0.360535156628071	3.50661379382333	0.000453847334888993	0.00688698821388355	CYSRT1
ENSG00000124469	19.931501043846	1.26510363606025	0.292525578470749	4.32476244530103	1.52696319184493e-05	0.000774894866718652	CEACAM8
ENSG00000117091	20.9205921995096	1.26582836700254	0.406193528954203	3.11631839695127	0.00183124433431371	0.0162556642313711	CD48
ENSG00000267083	7.56704230739433	1.26706526842512	0.493880712277826	2.56552895653951	0.0103018622263809	0.0497294213223478	KRT18P61
ENSG00000123342	108.467472859422	1.26992114850587	0.344771316741127	3.68337238871699	0.000230168533694342	0.00453141513684033	MMP19
ENSG00000131471	36.1172551490917	1.27053259165436	0.415689645688342	3.05644512638866	0.00223978473469674	0.0185804994692754	AOC3
ENSG00000157613	63.014068045428	1.27170165111627	0.358764750857589	3.54466721737963	0.00039310906375873	0.0063417068649184	CREB3L1
ENSG00000276600	21.6446697965377	1.2724392042887	0.440722949065445	2.88716348215338	0.00388732191200784	0.0265011976681193	RAB7B
ENSG00000130948	10.9423000466797	1.27312231261117	0.433262063347545	2.93845785337067	0.00329849502732791	0.0237047445488548	HSD17B3
ENSG00000011600	131.428625901408	1.27384640647999	0.367265761475869	3.4684594647783	0.000523451488238755	0.00750758504364351	TYROBP
ENSG00000122035	10.3331887873791	1.27501533256052	0.452251435973497	2.81926209878356	0.00481341968666513	0.0302825293569986	RASL11A
ENSG00000185101	33.2447089903671	1.27578232467232	0.318452211002988	4.00619710145566	6.17041647901026e-05	0.00193304086640868	ANO9
ENSG00000188038	6.98137320020544	1.27990428858872	0.395460604322364	3.23648999318625	0.00121009469116959	0.0123989843782685	NRN1L
ENSG00000054179	57.6446419626221	1.28086172243647	0.42262642940236	3.03071846275149	0.00243972620426992	0.0195787246384911	ENTPD2
ENSG00000268964	5.29114631847249	1.28126180647355	0.432709817321576	2.96101857453665	0.00306623446293283	0.0227020212184681	ERVV-2
ENSG00000257017	39.4161292682806	1.28229203446797	0.330335829152947	3.88178308649124	0.000103693350880671	0.002710606871313	HP
ENSG00000225192	7.51515884247437	1.28359817547691	0.460454880818451	2.78767416515453	0.00530879094192013	0.0324149104381882	ZNF33BP1
ENSG00000066294	150.621380891911	1.28363959668989	0.26277222400629	4.88498965803616	1.03434282827385e-06	0.000142890151964248	CD84
ENSG00000147168	37.2333809335934	1.28662878810977	0.49509616289195	2.59874522273477	0.0093565189043646	0.0466957427407238	IL2RG
ENSG00000160447	8.74844888031737	1.28670941163326	0.44515342991463	2.89048522411705	0.00384647612981535	0.0263128684382548	PKN3
ENSG00000255346	32.906542954275	1.28820737992899	0.386458526209938	3.33336514156551	0.000858022557258137	0.0100420362596581	NOX5
ENSG00000077942	576.541255550361	1.29000772024918	0.30788218915083	4.1899394174348	2.79028942169061e-05	0.00115881476963865	FBLN1
ENSG00000185507	17.2504356101802	1.29125943231148	0.461706889890153	2.79670817262157	0.005162614070089	0.0318251880062846	IRF7
ENSG00000198753	18.2712518663097	1.29362542418922	0.485860206548094	2.66254656535895	0.00775518386103954	0.0412892569617133	PLXNB3
ENSG00000109610	47.2992990108881	1.29407257595549	0.318661340252523	4.06096508264857	4.88702808944244e-05	0.00166468578396025	SOD3
ENSG00000221866	12.3032273611287	1.29889011892531	0.467036860772171	2.78112977373522	0.00541700780706558	0.0328403323552303	PLXNA4
ENSG00000119535	32.6788983475201	1.29998650581271	0.275298746818394	4.72209380113987	2.33428971993353e-06	0.000225417599022513	CSF3R
ENSG00000121005	39.7174554916244	1.30067799906085	0.403056461187932	3.22703671646238	0.00125079409017166	0.0126368952949643	CRISPLD1
ENSG00000129167	513.308059930052	1.30076407572901	0.292372153664976	4.44900124524012	8.6270516112096e-06	0.000523225419822538	TPH1
ENSG00000055955	173.708033425399	1.3008882440181	0.361136639264389	3.60220510072842	0.000315529254693763	0.00552051316061831	ITIH4
ENSG00000101542	11.7616315202409	1.30117049593077	0.506179735674491	2.57057010430681	0.0101531274875526	0.0493481050703762	CDH20
ENSG00000274113	17.6157938082957	1.30336807806231	0.362173537394437	3.59873912224249	0.00031976375439073	0.00556036745288006	LILRA5
ENSG00000236047	6.37845841712127	1.30547069538789	0.508285896568526	2.56837874944243	0.0102175450074461	0.0495039611890224	RPL13AP12
ENSG00000187608	54.5470203059482	1.30614479575824	0.314369456057476	4.15480820604734	3.25560510844938e-05	0.00127739156651644	ISG15
ENSG00000106066	189.106512082818	1.30695666787063	0.370208686394232	3.53032415473596	0.000415050812109563	0.00654217096218001	CPVL

ENSG00000198959	248.236734147879	1.30791652111251	0.267135669197006	4.89607593416494	9.77692997144099e-07	0.000138176754017407	TGM2
ENSG00000116690	294.285530867272	1.30820938087035	0.242975570244132	5.38411898593719	7.28003361422874e-08	2.1615180401172e-05	PRG4
ENSG00000173702	232.115783363781	1.31061131344966	0.36239521797808	3.61652485582448	0.000298584658542429	0.00532114451366862	MUC13
ENSG00000242100	7.19357602210353	1.31105425894975	0.440455585998476	2.9765867447854	0.00291476611507431	0.0219859993293993	RPL9P32
ENSG00000213033	11.2152066974834	1.3128360961822	0.457642571679573	2.86869311865812	0.0041217149284918	0.0274500418722757	AURKAP1
ENSG00000186204	36.2983038780478	1.31365264481301	0.39408771640854	3.33340165175608	0.000857909958249891	0.0100420362596581	CYP4F12
ENSG00000168077	32.5616711321256	1.31393840541876	0.401990282867844	3.26858250414656	0.00108087659878141	0.0115975610461481	SCARA3
ENSG00000110881	47.702572463733	1.31431713565315	0.335171771245136	3.92132407443074	8.80637310946287e-05	0.00241634731402131	ASIC1
ENSG00000135298	158.815296471509	1.31446347313899	0.392605237904024	3.34805383686788	0.000813812005446729	0.00971595781391012	ADGRB3
ENSG00000141338	126.603330694934	1.31454681100519	0.219207053021206	5.99682716813871	2.01210006420818e-09	1.11185296048037e-06	ABCA8
ENSG00000099365	9.91970458085039	1.31594409484931	0.382374688094785	3.4415041994702	0.000578489491861009	0.00785521601473792	STX1B
ENSG00000255501	6.97633411698347	1.31784184540299	0.432825983627116	3.0447382903387	0.00232882862701521	0.0190256213048105	CARD18
ENSG00000228116	17.9371982264744	1.31817281500549	0.496370977244433	2.655620242592	0.00791627057783115	0.0419271487233214	PPT2
ENSG00000168675	286.331094896807	1.31854055040033	0.271767743717919	4.85171835465841	1.22396355173673e-06	0.000154103208447461	LDLRAD4
ENSG00000189058	720.013366838768	1.32049233976588	0.385828435422239	3.42248579558626	0.000620513398602073	0.0082292486922607	APOD
ENSG00000144485	19.2360309738047	1.3205009966559	0.376689534845541	3.50554202998328	0.0004556785487236	0.00690389441718093	HES6
ENSG00000125869	97.0078728977648	1.32081595459829	0.458604156054873	2.88007846671205	0.00397576208544531	0.0268647537927186	LAMP5
ENSG00000188002	145.069454435816	1.32215418103189	0.391021169865791	3.3812854211594	0.000721475583574588	0.00899740528789678	PDCD6P1
ENSG00000113657	440.772836808329	1.32374771034505	0.278307376574036	4.7564233713112	1.97052988564187e-06	0.000205234298508239	DPYSL3
ENSG00000175445	71.5705906325251	1.3254726298494	0.515741009518057	2.5700353576459	0.0101688135684717	0.0493737701060601	LPL
ENSG00000204397	64.6717436542128	1.3274542884715	0.376266677549137	3.52796133082538	0.000418773328235268	0.00654925929133976	CARD16
ENSG00000176956	27.1336584389819	1.33097040570467	0.485224900968965	2.74299691348651	0.00608812577326818	0.0353505796869889	LY6H
ENSG00000164591	10.8907822173914	1.33157384296302	0.475306423752352	2.80150609463844	0.00508646803426649	0.0315120238572604	MYOZ3
ENSG00000174326	17.273665286778	1.33228225562322	0.314508218446691	4.2360808954474	2.27454860506998e-05	0.0010520471928826	SLC16A11
ENSG00000108691	410.647017234846	1.33271758617918	0.499662909311382	2.66723337142612	0.0076478545715716	0.0409154135276304	CCL2
ENSG00000170369	18.286048188963	1.33295926173606	0.498662942948794	2.67306660858682	0.00751613249299082	0.0404322400440958	CST2
ENSG00000162571	16.1289770773064	1.33323589734765	0.333196569327564	4.00134941376586	6.29822721012781e-05	0.00195461207318366	TTL10
ENSG00000160593	52.580406448535	1.33324668137752	0.467462449609508	2.85209364408036	0.00434323036392422	0.0283092665889727	JAML
ENSG00000203710	18.2200469519308	1.33533018093725	0.294335508664588	4.53676210184661	5.71244829788267e-06	0.000408622547976991	CR1
ENSG00000105697	44.7754404956832	1.33540500626874	0.440706930437684	3.03014296812283	0.00244438000149799	0.0195993758040304	HAMP
ENSG00000099953	37.005373816034	1.3363560562715	0.287714585522467	4.64472822552526	3.40524424575094e-06	0.000295055798217693	MMP11
ENSG00000145721	7.86009463349129	1.33830781142741	0.450571749921135	2.97024349986801	0.00297563784009858	0.0222859348019856	LIX1
ENSG00000153902	7.85776496350908	1.33837164109115	0.517066630486702	2.58839298879406	0.00964249021128484	0.0476922073031052	LGI4
ENSG00000164796	24.6943153245354	1.34008303840089	0.460292609800784	2.91137204870806	0.00359845255691884	0.0251436658639925	CSMD3
ENSG00000133392	146.118698579865	1.34085110134949	0.295404056345041	4.53904092563759	5.6510668400913e-06	0.000408622547976991	MYH11
ENSG00000152284	35.231278954957	1.34100560772299	0.281105691739305	4.77046764661965	1.83798706595437e-06	0.00019740740099852	TCF7L1
ENSG00000082126	21.686662717953	1.34197956533813	0.292334115891768	4.59056775239664	4.42041934821169e-06	0.000347570759264724	MPP4
ENSG00000004939	162.185058115583	1.34331375396238	0.286861545518593	4.68279480100379	2.82989769128126e-06	0.000257055501245014	SLC4A1
ENSG00000169071	54.9455210706666	1.34436531731703	0.44451532868075	3.02433961345471	0.00249176551729395	0.0198459758228062	ROR2
ENSG00000071909	22.7861124738455	1.34455467658571	0.342178404392868	3.92939665193476	8.51592670390938e-05	0.00236431545649779	MYO3B
ENSG00000100092	3.91281983546433	1.34586847452911	0.424254194339617	3.17231624928083	0.00151228226214103	0.014318815345441	SH3BP1
ENSG00000231940	9.84122964056024	1.34727876739215	0.391430354377151	3.44193737743195	0.000577563938618265	0.00785373965982292	RPS7P3
ENSG00000172236	73.1272965825526	1.34732082287862	0.361401525963183	3.72804408970835	0.000192971623558585	0.00400290355312923	TPSAB1
ENSG00000150782	49.1018255836727	1.34852579005166	0.381199029253131	3.53758978005209	0.0004037968794361	0.00644164500611253	IL18
ENSG00000174792	51.6597369178662	1.35008516453843	0.38762031548501	3.48300930215471	0.000495811136402698	0.0072630139267344	ODAPH
ENSG00000072694	39.8606053355319	1.35086951838076	0.523710843764208	2.57941865146669	0.00989667650248375	0.0486350261027444	FCGR2B
ENSG00000165457	45.4452874895	1.35203528479073	0.480767190585963	2.81224532635611	0.00491969648535541	0.0307566065943354	FOLR2
ENSG00000225650	3.18053997174374	1.35315125570172	0.516042879189796	2.62216825436329	0.00873722842067859	0.0446581924389926	EIF2S2P5
ENSG00000198723	13.4318542261343	1.35316490635649	0.327568443316781	4.13093792752157	3.61286135293787e-05	0.00136247359311622	SAXO5
ENSG00000121068	12.830900522573	1.35383325676869	0.45991268915116	2.94367450323538	0.00324340917743883	0.023462232278833	TBX2
ENSG00000171551	56.75184444659565	1.35471433955008	0.438516387248304	3.08931291724564	0.00200620013326803	0.017255921048708	ECEL1
ENSG00000149131	1560.03584924724	1.35696758832229	0.406500751892955	3.33816747448384	0.000843329030332326	0.00992683100615441	SERPING1
ENSG00000155761	15.0048377718016	1.35736738417317	0.508902496625169	2.66724449806136	0.00764760136036107	0.0409154135276304	SPAG17
ENSG00000090104	357.822031196325	1.36015416233443	0.472026754222168	2.88151921510417	0.00395763102939095	0.0267968529842322	RGS1
ENSG00000198125	19.6026718883167	1.36676396910957	0.495210423651608	2.75996607468651	0.00578073641803188	0.0341945255914089	MB
ENSG00000105383	27.9386281431778	1.36786020625126	0.337388580599282	4.05425756799952	5.02937779640065e-05	0.00170441929308004	CD33
ENSG00000211448	190.576673064937	1.37101175320067	0.415084159534721	3.30297295550251	0.000956656136283125	0.0107275989397295	DIO2
ENSG00000134531	456.774203816058	1.37427805399012	0.427661069064364	3.21347476635356	0.00131139320574139	0.0130275138113977	EMP1
ENSG00000107719	10.258934349558	1.37477678135669	0.46959075811123	2.9276061285496	0.00341582461188731	0.0242768842459001	PALD1
ENSG00000109072	372.682423492455	1.37481841642679	0.380208206486569	3.61596197286541	0.00029923430453546	0.00532114451366862	VTN
ENSG00000184985	7.08172709311178	1.37502432674877	0.49046702660292	2.80350003602175	0.00505512266263746	0.0313471181819972	SORCS2
ENSG00000176788	29.0909801348976	1.37592180864735	0.332244797684765	4.14128924887736	3.4535911108369e-05	0.00133402500908502	BASP1
ENSG00000047648	14.9380364642006	1.37751287118619	0.495302805257373	2.78115297665313	0.00541662063535346	0.0328403323552303	ARHGAP6
ENSG00000182326	951.768545135049	1.37784737885837	0.344048027240361	4.00481115939018	6.20670435704453e-05	0.00194135172601709	C1S
ENSG00000139618	47.9207461658426	1.38300435141948	0.407245305118407	3.39599826943952	0.000683787919021138	0.00871961094428686	BRCA2



ENSG00000162576	59.0061182874397	1.38359316994641	0.377943421151421	3.66084734516937	0.00025138250808643	0.00478084470584306	MXRA8
ENSG00000243658	7.78038930931409	1.38541284892901	0.494899184777283	2.79938397868341	0.00512002124945284	0.0316410632852952	MTND5P16
ENSG00000115956	50.979757169952	1.38808435879886	0.528051699147145	2.62869026089822	0.00857143922819619	0.0440484734090692	PLEK
ENSG00000136167	168.385848239785	1.38868871231476	0.355355531834409	3.9078854496681	9.31074288475273e-05	0.00249733647482383	LCP1
ENSG00000105696	150.314795915714	1.38937644896066	0.263692402049408	5.26892863868081	1.37222293791738e-07	3.59179353999873e-05	TMEM59L
ENSG00000259660	51.7295038771949	1.39017657765401	0.41893541258932	3.31835537383132	0.000905492005824536	0.0103940868273904	DNM1P47
ENSG00000175356	57.7651528025404	1.39041991895357	0.456477846138971	3.04597458718789	0.00231927436792443	0.0189978354290827	SCUBE2
ENSG00000165168	94.6437440777199	1.39097492133657	0.399641653158222	3.480555418446	0.000500375296325649	0.0073029829565709	CYBB
ENSG00000078725	36.9695728483265	1.39528729693219	0.474813334660336	2.9386017516343	0.00329696415686879	0.0237031109405822	BRINP1
ENSG00000019582	2714.64991573463	1.39645229306963	0.314578821270417	4.4391173170212	9.03285716078911e-06	0.000543353864021816	CD74
ENSG00000162645	127.56068885527	1.39974703384465	0.397130203319447	3.52465519405159	0.000424034346125411	0.00660040316703662	GBP2
ENSG00000163563	52.8360085425945	1.400025431553	0.379399238246133	3.69011134029938	0.000224155921311945	0.00445913374265852	MNDA
ENSG00000165646	1161.52888681294	1.40129350110033	0.296033192632458	4.73356885638199	2.20606076379234e-06	0.000221866206380358	SLC18A2
ENSG00000154589	22.5869186306761	1.4039590248344	0.380512623735343	3.68965163639587	0.000224561345514467	0.0044601457356901	LY96
ENSG00000277734	32.5069851888222	1.40410140610267	0.5035352790991	2.78848665502607	0.00529549290937396	0.0323436415247701	TRAC
ENSG00000110876	13.1252854146839	1.40411710685522	0.505917110034936	2.77538964190845	0.00551356078237535	0.0331663939049872	SELPLG
ENSG00000100365	22.4563630232456	1.40487601194689	0.434562361937139	3.23285248562348	0.00122560831882967	0.012475633371752	NCF4
ENSG00000158869	170.216320499458	1.40533293436183	0.354728245914466	3.9617170342299	7.44126982205189e-05	0.00220939075477729	FCER1G
ENSG00000174807	29.0382628048101	1.40621669292406	0.395252865631523	3.55776470001615	0.000374024123217948	0.00617978561725469	CD248
ENSG00000156096	19.0327331947503	1.40688307837277	0.537918758644622	2.61541925386214	0.00891179899564015	0.0452052142424494	UGT2B4
ENSG00000111335	41.293134191701	1.40913423479282	0.46272118846092	3.04532031368568	0.00232432619543916	0.019019081404162	OAS2
ENSG00000233701	10.7796517381271	1.41527274938946	0.319986978455042	4.42290732023742	9.73815223525187e-06	0.000578271828107061	PRR23C
ENSG00000257501	3.65346371026263	1.41575667878979	0.507288624822258	2.79083072143759	0.00525729598935696	0.0321837180743878	PAFAH1B2P2
ENSG00000198848	39.2137140578071	1.41740903242253	0.551358345843554	2.5707582792711	0.0101476127522631	0.0493481050703762	CES1
ENSG00000141391	7.40206580116267	1.41918123453567	0.352613192906245	4.02475364815125	5.70349901744023e-05	0.0018359175720702	PRELID3A
ENSG00000174697	14.5122914282499	1.42007686586899	0.509960643323672	2.78467933645551	0.00535806821805986	0.0326280568579823	LEP
ENSG00000135248	6.61624666266189	1.42209122972914	0.526061104137027	2.70328146016801	0.00686585804374822	0.0381835376193132	GARIN1B
ENSG00000249691	4.47377401511073	1.4264449750027	0.47023945412437	3.03344383907317	0.00241779709537504	0.0194804526603061	DPPA4P2
ENSG00000152467	14.2820018230095	1.42885707003626	0.277124058976063	5.15601956508467	2.52254550529838e-07	5.63831435246075e-05	ZSCAN1
ENSG00000125378	25.2971498541979	1.42906237579843	0.464008093591204	3.07982208831351	0.0020712428022	0.0176610514634224	BMP4
ENSG00000254726	8.39894219697117	1.43013687534901	0.457702890969572	3.12459655284126	0.0017804907789182	0.0159675829350318	MEX3A
ENSG00000141753	669.568551191011	1.43030104010273	0.309081753038285	4.62758162215277	3.69960442168264e-06	0.00030537855087358	IGFBP4
ENSG00000054967	8.22251611280883	1.43069074126331	0.516230306614531	2.7714195058517	0.00558124697578292	0.0334119007190038	RELT
ENSG00000140470	26.2047562660336	1.43111094271548	0.410695457897623	3.48460377439145	0.000492866298118963	0.00724282399412947	ADAMTS17
ENSG00000234737	28.3273588918319	1.43179654764225	0.385007156892532	3.71888294025118	0.00020010575345444	0.00411229726598055	KRT18P15
ENSG00000100292	35.527251811792	1.43355164727316	0.484628120670236	2.9580447071263	0.00309597218321013	0.0228028115625665	HMOX1
ENSG00000173068	60.4209937104067	1.43378849621405	0.387485735001303	3.7002355614697	0.000215399430413298	0.00433698468543698	BNC2
ENSG00000152495	56.7363468432372	1.43891012269889	0.284458070503535	5.0584260806937	4.22731053602631e-07	8.16445519351179e-05	CAMK4
ENSG00000173535	31.8204878720409	1.44022945553445	0.318176582869784	4.52650991013967	5.99657884969885e-06	0.000414201191170344	TNFRSF10C
ENSG00000140937	80.1633547626254	1.44119753788456	0.416002044203667	3.46440013448343	0.000531415411257573	0.00756724894498704	CDH11
ENSG00000164588	32.1533796394576	1.44368122804542	0.531516022926053	2.7161574924831	0.00660444922345997	0.0373139188873301	HCN1
ENSG00000166741	478.975742657813	1.44651474597021	0.341635618620793	4.23408645682173	2.29482652624841e-05	0.00105673574274675	NNMT
ENSG00000187474	38.8087998815769	1.44678906078326	0.515271632204941	2.80781818822859	0.0049878377978705	0.0310363019433962	FPR3
ENSG00000157470	20.8377373613801	1.45508279362007	0.41311037247785	3.52226158082749	0.00042788172144585	0.00663031086841295	FAM81A
ENSG00000117115	19.5014729775056	1.45714134070387	0.469078538446373	3.10639097992	0.00189386127750665	0.0166480699926822	PADI2
ENSG00000168961	44.8272098326571	1.45718410357532	0.45323649456519	3.21506348462354	0.00130415676501013	0.0129808977079554	LGALS9
ENSG00000025708	27.3291924109609	1.4574196883838	0.530333205501716	2.74812075364021	0.00599379300564457	0.0350072003115935	TYMP
ENSG00000142173	42.486995351668	1.4579422377324	0.343765955384256	4.24108965677748	2.22437255009759e-05	0.00103386549390401	COL6A2
ENSG00000177575	87.8087288136127	1.46018479816306	0.354775525284057	4.11579912958749	3.8584023070175e-05	0.00141348039797691	CD163
ENSG00000230463	104.387482568391	1.46193926783776	0.562527443088441	2.59887634958978	0.00935294569164059	0.0466896232481321	HLA-DRB3
ENSG00000206159	45.2795854702872	1.46536614053538	0.356218991691662	4.11366652175519	3.89423890220268e-05	0.00142143292626638	GYG2P1
ENSG00000158747	212.009783758823	1.46548182204139	0.325179580865041	4.5066846391244	6.58483874476407e-06	0.000448603414895862	NBL1
ENSG00000073282	4.46804927696785	1.46722633980026	0.456121751748385	3.21674275382869	0.00129654795118088	0.0129349189532805	TP63
ENSG00000101445	42.3908720594873	1.4674402849314	0.318549724842142	4.60662863751833	4.09249928292431e-06	0.000329603596093981	PPP1R16B
ENSG00000079215	37.6385982456703	1.46864834461438	0.546791993283079	2.6859360829266	0.00723269233507246	0.0394989578680064	SLC1A3
ENSG00000122585	778.431650172312	1.47016072177484	0.408241405565541	3.60120434069693	0.000316746494353351	0.00553207902736718	NPY
ENSG00000177551	26.5770567029591	1.47306701192727	0.379902058051919	3.87749152895074	0.000105539001066734	0.00274084510211559	NHLH2
ENSG00000108821	890.594681388178	1.47411912430908	0.34737895788082	4.24354754617817	2.20013730828467e-05	0.00102536717655893	COL1A1
ENSG00000170231	18.8774962749771	1.47613690731985	0.432147912458427	3.41581404135988	0.000635916571170363	0.00833352328741241	FABP6
ENSG00000110446	26.179969331984	1.47632690918001	0.390076484275338	3.78471138018649	0.000153887064098031	0.00355422786123905	SLC15A3
ENSG00000168685	32.431349270506	1.47733491532612	0.304091625125977	4.85819007581713	1.18463658452611e-06	0.000152038552103084	IL7R
ENSG00000164708	39.1730856479888	1.47796722139613	0.453379796126917	3.25988770126491	0.00111456334302925	0.0117886716934161	PGAM2
ENSG00000137033	52.0078270608416	1.47872862110235	0.448723099665851	3.29541452669476	0.000982765946759536	0.0109463398538004	IL33
ENSG00000279718	3.97957922839688	1.48155512412776	0.481027732873252	3.07997860181201	0.00207015467522463	0.0176593426047357	SNX18P12
ENSG00000164530	14.5891805073767	1.48208373927349	0.548748604340791	2.70084284050964	0.00691640120861199	0.0383573931538663	PI16



ENSG00000180219	3.49883398669021	1.48235389691785	0.531436927924607	2.78933175138357	0.00528169313516181	0.0322844496285297	GARIN6
ENSG00000272573	19.9704068087577	1.48496323882193	0.391041938775658	3.79745262994375	0.000146190702218701	0.00347438158733766	MUSTN1
ENSG00000198286	23.189490824025	1.4897351348999	0.446576413463979	3.3359019643344	0.000850231406329734	0.00998444708743648	CARD11
ENSG00000086696	181.648714263143	1.49089178510613	0.568563134836881	2.62220973143794	0.00873616508381629	0.0446581924389926	HSD17B2
ENSG00000244073	2.61037701564088	1.49275871935945	0.540942493425164	2.75955159282742	0.00578807469076378	0.0342175838999595	RPS4XP6
ENSG00000173391	24.0996318987843	1.49282649701918	0.416888780064202	3.58087472824114	0.000342445822705448	0.00583242701291051	OLR1
ENSG00000138180	3.81796996771601	1.49364081817	0.445448907358792	3.3531136646541	0.000799078833475048	0.00963398499049644	CEP55
ENSG00000123838	16.1969172968901	1.49382963674618	0.447326299245262	3.33946302568527	0.000839405243399799	0.00991437010979889	C4BPA
ENSG00000171051	51.0572359354719	1.49416405753045	0.438940091503201	3.40402730680971	0.000664001150595233	0.00855503554973509	FPR1
ENSG00000060558	5.95415906229262	1.49426845594718	0.442992565808254	3.37312309794825	0.000743207181823016	0.00917729389696168	GNA15
ENSG00000181234	31.0413677014548	1.49671717216248	0.309655826422116	4.83348622713202	1.34162565048912e-06	0.000167855088460252	TMEM132C
ENSG00000157927	15.8555401005265	1.49741374554096	0.304452634133269	4.91837999629688	8.72633877481336e-07	0.000128587449812861	RADIL
ENSG00000187479	55.6948956360676	1.49821106473878	0.497483915338421	3.01157689433959	0.00259894569212763	0.0203552313264333	C11orf96
ENSG00000112852	58.8915515960451	1.50002483435804	0.460838351585772	3.25499132005043	0.00113395831486683	0.0119190867280161	PCDHB2
ENSG00000132000	4.9669964216634	1.50002550933285	0.554058900541147	2.70733943244624	0.00678248714052042	0.0379106537472247	PODNL1
ENSG00000099994	9.65602361817979	1.50294727691655	0.503145792295182	2.98710095549167	0.00281636701636367	0.0214330486061678	SUSD2
ENSG00000255040	6.01817971919629	1.50386354635665	0.547893088926891	2.744812038608	0.00605455642695031	0.0351967536532211	MORF4L1P3
ENSG00000174473	28.3137454856844	1.50727248677676	0.547778987256297	2.7516069835507	0.00593036455565473	0.0347899563862104	GALNTL6
ENSG00000171819	14.9906602061385	1.50815501912622	0.556175606823532	2.71165257991032	0.00669487212041074	0.037632407768107	ANGPTL7
ENSG00000188483	5.7006630138223	1.50909283617359	0.543395939844182	2.77715147560049	0.00548376160395527	0.0330396905789594	IER5L
ENSG00000170004	816.716863259486	1.50947263954117	0.361548782475967	4.17501790271277	2.97962620596153e-05	0.00120475008364213	CHD3
ENSG00000145242	36.8696880298122	1.50951475508241	0.523694683018494	2.88243284499625	0.00394617241793062	0.0267684991417631	EPHA5
ENSG00000182742	17.0266543975505	1.51057562315506	0.530490397777807	2.84750794638842	0.00440629941293483	0.0285055330801667	HOXB4
ENSG00000235548	7.50712433588426	1.51208905668587	0.402329659338116	3.75833354959078	0.00017104876707219	0.003760339231019063	HEBP2P1
ENSG00000185985	9.79202841175736	1.5143535404335	0.517571556840874	2.92588246092334	0.00343480683927974	0.0243335514436581	SLITRK2
ENSG00000180644	15.9551969704106	1.51528457426355	0.516506227407011	2.93371985439682	0.00334926357713332	0.0239517940813849	PRF1
ENSG00000105388	19.2941380159718	1.51702604758741	0.506823996728354	2.99320090875748	0.00276067949720217	0.0211549295985527	CEACAM5
ENSG00000173110	18.525464976292	1.5216933367276	0.528992960636983	2.87658522883794	0.00402003617327324	0.0269988452379894	HSPA6
ENSG00000275688	12.6513254492047	1.52286868954555	0.529908310825339	2.87383431894787	0.00405521633448517	0.0271087509690081	CCL15-CCL14
ENSG00000134256	13.0390232858078	1.5228886887884	0.528999957399525	2.87880682689403	0.00399182762700249	0.0268819996560462	CD101
ENSG00000139269	10.5407702515334	1.52855794392474	0.342146828222917	4.46754965365	7.91206503139081e-06	0.000501257037163877	INHBE
ENSG00000273780	24.184145073404	1.52966129707612	0.518269999281958	2.95147567714783	0.00316259453321835	0.0231469805185109	ARHGAP23
ENSG00000111186	9.30869602092462	1.53147177808125	0.515166115040126	2.9727727297475	0.00295122887135845	0.0221793713403603	WNT5B
ENSG00000180440	173.367599034276	1.53453939411655	0.505838725730401	3.03365344735275	0.00241611802476762	0.0194804526603061	SERTM1
ENSG00000142552	20.0043548897738	1.53491360530343	0.34978085461963	4.38821503530427	1.14284750991239e-05	0.000642222189680426	RCN3
ENSG00000178860	13.2249860782229	1.53547341063448	0.491431605395002	3.12449055733868	0.001781132384901	0.0159675829350318	MSC
ENSG00000123560	16.9413915638202	1.54182338128519	0.49774090532578	3.09764249790971	0.00195066589973965	0.0169466945325932	PLP1
ENSG00000171812	15.3175163150568	1.54193096411038	0.446891066783024	3.45035083204969	0.000559858469651672	0.00777010993362553	COL8A2
ENSG00000141756	50.4164503841173	1.54426471096013	0.303642308983683	5.0858021602092	3.66075501819553e-07	7.46407261663642e-05	FKBP10
ENSG00000196154	149.429578787571	1.54427166756013	0.366663071962605	4.21169129275617	2.5346578036576e-05	0.00110574446684563	S100A4
ENSG00000164626	26.9818401157235	1.54457231124841	0.467287244019423	3.3054022574265	0.000948401768919431	0.010696478618747	KCNK5
ENSG00000116254	46.967563909254	1.54562136576961	0.412170001336454	3.74996084323935	0.000176862185438495	0.00382426027709564	CHD5
ENSG00000104970	63.2103966116932	1.54774674328976	0.368440384594626	4.20080644794859	2.65965898315914e-05	0.00112811505654552	KIR3DX1
ENSG00000180777	38.1936029275542	1.54781419014075	0.435140908878619	3.55704131365067	0.000375055190329397	0.00618654469421451	ANKRD30B
ENSG00000255504	3.56214032891081	1.54851782266042	0.510515395878883	3.03324411988507	0.00241939794280457	0.0194854588162799	MTMR12P1
ENSG00000050730	6.34152631716264	1.5502236932093	0.558883404335337	2.77378730730596	0.00554078905133289	0.0332636021262847	TNIP3
ENSG00000157570	22.4121524557499	1.55088912233593	0.451894318120511	3.43197305243024	0.000599207094898395	0.00803236303154566	TSPAN18
ENSG00000164684	255.055387184956	1.55146071814754	0.436722701409691	3.55250760525981	0.000381577988148883	0.00624929866538169	ZNF704
ENSG00000155052	171.992869321278	1.5514883285524	0.358312360669851	4.32998829750654	1.49117266066107e-05	0.00076256806525786	CNTNAP5
ENSG00000229657	6.46450462558515	1.55507039959526	0.483319892314716	3.21747650846257	0.0012932361693761	0.012914460052056	RPL13AP11
ENSG00000113578	42.214877841862	1.55612176105764	0.519269829745326	2.99674980504998	0.00272874566347498	0.0209910817801654	FGF1
ENSG00000138964	26.203144516822	1.56421684385582	0.417671493852586	3.74508882429955	0.000180329963480281	0.00385731608979918	PARVG
ENSG00000138650	233.975490868286	1.56627584561453	0.391434139141048	4.00137772615214	6.29747352227807e-05	0.00195461207318366	PCDH10
ENSG00000150337	18.3162532507311	1.57117424992673	0.552537570388511	2.84356093436683	0.00446124779572938	0.0287674562075996	FCGR1A
ENSG00000276125	25.7395776177335	1.57262525654588	0.524695578021877	2.9972146181882	0.00272458825048936	0.0209776011893505	CCL4L2
ENSG00000137841	11.0609472549002	1.57264425947661	0.469232615199458	3.35152376142506	0.000803681416991713	0.0096660425805418	PLCB2
ENSG00000151474	226.328236633293	1.57510797394227	0.376105901714809	4.18793740475956	2.81501126956325e-05	0.00116396913014288	FRMD4A
ENSG00000184347	86.0778871924215	1.57641994415094	0.326486679454359	4.82843571684312	1.37609740488947e-06	0.000168979664663372	SLIT3
ENSG00000156886	3.87323253110491	1.57970104985694	0.521632596467515	3.02837871052277	0.0024586975270381	0.0196903663065092	ITGAD
ENSG00000010932	35.5463572703637	1.58186011658878	0.523062153416311	3.02422973303855	0.00249267076416004	0.0198459758228062	FMO1
ENSG00000138061	111.203631927503	1.58668518009525	0.539500297102197	2.94102744450331	0.0032712554925716	0.0235693898999372	CYP1B1
ENSG00000137959	113.74590267775	1.5871613429235	0.484651748626666	3.27484910024768	0.00105718427794746	0.0114670484412262	IFI44L
ENSG00000141744	12.7050180664732	1.58856564200552	0.614716985301359	2.58422278868176	0.00975987271021735	0.0481006927829239	PNMT
ENSG00000159189	204.960253065169	1.58951908708288	0.361112224537498	4.40173159221816	1.07390357121243e-05	0.00061401417953189	C1QC
ENSG00000143340	16.0566160736747	1.59310932834352	0.53287840541537	2.98963011477584	0.00279315456798162	0.0213216515045504	FAM163A

ENSG00000204305	5.03342648459578	1.59599993173737	0.603724667094728	2.64358907085529	0.00820321792630337	0.0428423770564329	AGER
ENSG00000182511	26.9181041318689	1.60036401305929	0.391724210645446	4.0854355425782	4.39942128799803e-05	0.0015300295049326	FES
ENSG00000117122	56.4838116181031	1.60088220558042	0.478577337659457	3.34508569379766	0.000822571512243552	0.00978088170535623	MFAP2
ENSG00000159403	475.192941416153	1.60590640722391	0.325952153047002	4.92681638152068	8.35802300026847e-07	0.000126920726369726	C1R
ENSG00000107317	288.364326609108	1.60652521199926	0.364979545854445	4.40168560196505	1.07413127470516e-05	0.00061401417953189	PTGDS
ENSG00000224674	3.59807200833997	1.61186967545814	0.479195239466591	3.36370135323624	0.000769047138900681	0.00938676934553318	EIF3EP2
ENSG00000178562	3.49131363919536	1.61270616516681	0.524558348831458	3.07440758260617	0.00210921058617097	0.0178622929717749	CD28
ENSG00000131187	18.7733149962305	1.61823912694849	0.362769123799914	4.46079619455439	8.16557168283424e-06	0.000510810432347867	F12
ENSG00000170276	9.61348912671906	1.62201596522931	0.593354750029103	2.73363610074708	0.00626392298474013	0.0360139363975247	HSPB2
ENSG00000188674	7.53102722199361	1.62605251573831	0.546772480684278	2.97391067250373	0.00294030657818415	0.0221056382312235	C2orf80
ENSG00000187902	37.5248963567534	1.62659082432468	0.431081617919298	3.77327809099294	0.000161116527824352	0.00364214896364754	SHISA7
ENSG00000104321	16.9127108548307	1.62830856372856	0.482997694450531	3.37125535470923	0.000748264651138038	0.00920545992893568	TRPA1
ENSG00000154451	26.8460969413241	1.63122619428052	0.351518066554453	4.6405187940115	3.47535564955027e-06	0.000295898152256412	GBP5
ENSG00000186704	3.6585834055856	1.63744249368717	0.551312302065573	2.97008154462045	0.00297720708727534	0.0222859348019856	DTX2P1
ENSG00000142303	6.67812076767773	1.64981827234516	0.557972928768073	2.95680701927194	0.00310842598023157	0.0228683128789743	ADAMTS10
ENSG00000110076	10.6115014007347	1.65018686961062	0.534753393192692	3.0858838683722	0.00202948070346984	0.0173719705826702	NRXN2
ENSG00000185736	35.7418482329715	1.65035287202829	0.376068707338141	4.38843445313406	1.14169532547623e-05	0.000642222189680426	ADARB2
ENSG00000167286	14.9782637835181	1.65099779984015	0.526901317964771	3.13340988824503	0.00172787964542182	0.0156524179355084	CD3D
ENSG00000153446	33.1134130775584	1.65458533859703	0.464043795062471	3.56558013748312	0.000363052201952106	0.00605519919486263	C16orf89
ENSG00000188761	249.920176904119	1.6558869303591	0.390204952055897	4.24363381765051	2.19929123823318e-05	0.00102536717655893	BCL2L15
ENSG00000174370	10.7710637733884	1.65904539447484	0.606133014226432	2.73709789029092	0.0061983845652619	0.035730067851856	KCNJ5-AS1
ENSG00000196549	11.7783703915716	1.66035110090263	0.396265684883723	4.18999465318282	2.78961027809333e-05	0.00115881476963865	MME
ENSG00000181847	5.726423810272	1.66624891247053	0.541653108966076	3.07622883518774	0.00209636887512729	0.01779357400757	TIGIT
ENSG00000187144	3.54406339511704	1.6667048302749	0.487534255656072	3.41864148198576	0.000629345895786201	0.00828562402705155	SPATA21
ENSG00000100473	66.8724224693146	1.67102439896258	0.505171316885575	3.30783705073477	0.000940194982033587	0.0106389640373118	COCH
ENSG00000114948	28.4908995005704	1.67754315090423	0.538726310446445	3.11390611220389	0.00184628230202444	0.0163672432416097	ADAM23
ENSG00000116701	31.2262152334647	1.67934783630964	0.485516437781798	3.45888976278982	0.000542406853866037	0.00763630540973608	NCF2
ENSG00000102359	111.671062551606	1.68120905931081	0.409671689342535	4.10379604704664	4.06425789384648e-05	0.00145676184292411	SRPX2
ENSG00000157322	13.1621067641593	1.6813005266797	0.426409623496969	3.94292350367569	8.04943359197008e-05	0.00230068078225662	CLEC18A
ENSG00000136542	42.3925447124981	1.68179012373913	0.453320792537275	3.70993378513701	0.000207313461485396	0.00421835519633792	GALNT5
ENSG00000078549	8.78943349320653	1.68368793524346	0.621354676986516	2.709705096949	0.00673430550557209	0.0377476509084119	ADCYAP1R1
ENSG00000163220	29.1505307650557	1.68515681479795	0.56027332753938	3.00774056512535	0.00263197720391934	0.0205194375656953	S100A9
ENSG00000128683	73.6524583369478	1.68610629664443	0.386870986949087	4.3583167348404	1.31066608430074e-05	0.000704499118027014	GAD1
ENSG00000182950	8.12597126602175	1.69160156776631	0.642106226124451	2.63445750709549	0.00842718513382285	0.0435433750304254	CIMAP1C
ENSG00000115353	20.2137047095117	1.69513565131811	0.616116245442969	2.75132438700648	0.00593548349471227	0.0347994615857092	TACR1
ENSG00000126709	2197.68611915936	1.69553721296605	0.341629553080406	4.96308705636771	6.93814640392742e-07	0.000113131595420761	IFI6
ENSG00000140623	4.71247933706877	1.69579437652006	0.453838919211428	3.73655564724727	0.000186558177372775	0.00392789777235304	SEPTIN12
ENSG00000130513	22.128845760304	1.69696071364324	0.461088800901932	3.68033383227663	0.000232928808219749	0.00455513241557759	GDF15
ENSG00000259516	2.7309995871434	1.69746503902445	0.647272128822937	2.62249054676784	0.00872896893637674	0.0446389149232243	ANP32AP1
ENSG00000084636	55.9605177036217	1.70090557766452	0.380653063593766	4.46838798985663	7.8811262330256e-06	0.000500892153845298	COL16A1
ENSG00000102879	13.3438719654476	1.70203574701684	0.482400774682589	3.52826080790758	0.00041829979693966	0.00654925929133976	CORO1A
ENSG00000038427	420.45895961863	1.70600260498822	0.437407108226915	3.90026264525905	9.60883896273244e-05	0.00256203787378911	VCAN
ENSG00000081237	125.795530989571	1.71098088772113	0.39005992167558	4.38645652281135	1.15212180979932e-05	0.000643796605683649	PTPRC
ENSG00000227835	5.02889687503935	1.71276825968597	0.602594340234676	2.84232384097558	0.00447859737500544	0.0288512751233754	CARM1P1
ENSG00000054938	19.8171438503359	1.71468613918793	0.623197629089083	2.7514323854124	0.00593352674731121	0.0347982451604546	CHRD12
ENSG00000169896	18.575297117172	1.72100001595575	0.485189355565065	3.5470687809122	0.000389542877424885	0.0063155472376636	ITGAM
ENSG00000155659	142.032105515216	1.72478165475809	0.435831694054785	3.95744889205163	7.57544889569326e-05	0.00224253578693491	VSIG4
ENSG00000102924	7.52172934650096	1.7356779838736	0.489714267544374	3.5442667263443	0.000393706729913749	0.0063417068649184	CBLN1
ENSG00000225824	115.907472743521	1.74036483534573	0.616782515504185	2.82168315670084	0.00477723495315666	0.0301215641594756	HLA-DQB1
ENSG00000038295	8.16285775077848	1.74037242024253	0.60730139618521	2.86574743805095	0.00416026008194768	0.0276020402001365	TLL1
ENSG00000143119	97.6829724676412	1.74343945629104	0.430876193009224	4.04626545763626	5.20412157857398e-05	0.00174579410729464	CD53
ENSG00000026751	19.8505591371525	1.74904903474827	0.425795333209777	4.10772241575172	3.99579924680176e-05	0.00144262131427636	SLAMF7
ENSG00000167261	7.78467828349397	1.75744217101265	0.566226872051154	3.10377740400473	0.0019106702333852	0.0167292970742658	DPEP2
ENSG00000067191	16.5332881383373	1.75891215564475	0.366480302597223	4.79947255876904	1.59084030281244e-06	0.000182928243606057	CACNB1
ENSG00000017427	221.146688706929	1.76657634819644	0.45958980140313	3.84381103062573	0.000121138298017065	0.00303120020434399	IGF1
ENSG00000128918	12.2633545883057	1.76743646694728	0.600052103104199	2.94547166455038	0.00322462681975383	0.0233603427987484	ALDH1A2
ENSG00000197245	92.9886232430084	1.77454245792855	0.371842706599513	4.77229330153243	1.82139996747951e-06	0.000196919073657989	FAM110D
ENSG00000254481	2.41063395018566	1.78077786524382	0.626769498524188	2.8412005840056	0.00449440338957066	0.0289249972917273	PTP4A2P2
ENSG00000020633	18.7473488523619	1.7808956208191	0.445552507370123	3.9970499354405	6.41367753361738e-05	0.00197198280025117	RUNX3
ENSG00000185811	27.4431476691435	1.78673548627782	0.339998032995056	5.25513477398207	1.47916112140727e-07	3.73952121098583e-05	IKZF1
ENSG00000198851	13.2338466540468	1.78696273582104	0.49582687728769	3.60400538509776	0.000313350558799614	0.00549444359622537	CD3E
ENSG00000156466	3.47310180155684	1.78759236423049	0.671322356236881	2.66279284105909	0.00774951064971138	0.0412857566563225	GDF6
ENSG00000125740	127.198421695339	1.78894695556503	0.408583237002954	4.37841495575623	1.19545572689873e-05	0.000658759024243667	FOSB
ENSG00000167851	18.6580347229685	1.79110937713542	0.47038918079478	3.80771805616175	0.000140255049800092	0.00338603605057431	CD300A
ENSG00000173369	167.698738785539	1.79258056317978	0.389573769278521	4.60138927346055	4.1968224235071e-06	0.000336642695446882	C1QB

ENSG00000185338	14.5390472131673	1.7928693950813	0.49892566062799	3.59345998124177	0.000326315786086465	0.00564960829644739	SOCS1
ENSG00000277943	35.5131203558659	1.79537956478499	0.477290159333263	3.76161026930241	0.00016882296294067	0.00373986102647968	CCL4
ENSG00000149451	16.2168619086549	1.79775173972609	0.398391945302664	4.51252029797015	6.40618016610382e-06	0.000437931759602417	ADAM33
ENSG00000050165	331.731901607559	1.80016771718305	0.226978834052993	7.93099376289315	2.17399138651397e-15	4.80524562799138e-12	3,00 DKK
ENSG00000204347	21.5271847220453	1.80069950662914	0.273406475608116	6.58616260870922	4.51339505982772e-11	3.90369425761534e-08	BTBD17
ENSG00000135074	35.3699008854175	1.80099929027328	0.380567862822302	4.73239983249511	2.21880805936917e-06	0.000221866206380358	ADAM19
ENSG00000135472	198.443467863863	1.80180871587598	0.38281028933356	4.70679280594254	2.51644441423865e-06	0.000236130324209667	FAIM2
ENSG00000239329	104.594469537661	1.80395275223628	0.701820300116212	2.57039124108775	0.0101583718023018	0.0493481050703762	HLA-DMB
ENSG00000198074	13.065426693558	1.80653498414618	0.512879665594742	3.52233692488334	0.000427760121934572	0.00663031086841295	AKR1B10
ENSG00000224928	3.27936282072581	1.81521035325952	0.658994565912912	2.75451490369255	0.005877921283104	0.0346150053536968	KRT8P30
ENSG00000225449	37.5640307465685	1.81673779837493	0.559759079414826	3.24557093432795	0.00117215358248271	0.0121319725371116	RAB6C-AS1
ENSG00000142235	6.25823274944352	1.81752061607007	0.54657272320491	3.32530428048581	0.000883220864120019	0.0102448470262038	LMTK3
ENSG00000128262	7.87262557557348	1.82130895182821	0.502193858948449	3.62670494546045	0.000287060992749533	0.00520232324236544	POM121L9P
ENSG00000203772	3.75433461356568	1.82221396109377	0.546685998541996	3.33320034892715	0.000858530955435482	0.0100420362596581	SPRN
ENSG00000015285	4.80158963033568	1.82228858832755	0.520789397919129	3.49908925874586	0.000466850270271304	0.00699853234853583	WAS
ENSG00000170509	663.242496299693	1.8240876908309	0.243236036771792	7.49924935071314	6.41843283093708e-14	1.06401570254859e-10	HSD17B13
ENSG00000186407	10.4354602333394	1.82476392632204	0.462749639124938	3.94330707587948	8.03656450975349e-05	0.00230030759413707	CD300E
ENSG00000174175	27.9757444350801	1.82519112739419	0.563339157442241	3.23995075307955	0.00119550345253551	0.0122829377515337	SELP
ENSG00000091986	674.449166869397	1.83090560685274	0.452160744807046	4.04923609110308	5.13850871145061e-05	0.00172961681551416	CCDC80
ENSG00000162078	13.9212579231169	1.83401451557063	0.553594216990453	3.31292209940528	0.000923266918800519	0.010520306759788	ZG16B
ENSG00000160963	8.82925532311236	1.83763811172165	0.659762247325921	2.78530352285202	0.00534776383688549	0.0326028397202461	COL26A1
ENSG00000213215	8.82383606319256	1.83870269748002	0.545034845028325	3.37355072662274	0.000742053725422249	0.00916874208684771	OR2F1
ENSG00000160791	5.81898270686867	1.84127921701436	0.665460453974629	2.76692507573795	0.00565877588030261	0.0337339012846449	CCR5
ENSG00000178999	4.18338947877381	1.84581507618406	0.619804240922023	2.97806138505638	0.00290077882002514	0.0219161386504975	AURKB
ENSG00000213041	2.36080091639539	1.85093107778882	0.670875937168975	2.75897669783708	0.00579826693258572	0.03425610658457	RPL17P8
ENSG00000231048	19.4312083567569	1.85338545784003	0.709008614452435	2.61405210044083	0.00894753911444234	0.04532554000601	LST1
ENSG00000178623	10.8085079740007	1.85396051640095	0.404088076708299	4.58801093935586	4.47489195223153e-06	0.000349094218061733	GPR35
ENSG00000204655	6.82408779061377	1.85402188107179	0.547933785039052	3.38366045623496	0.000715263992990406	0.00895492882141756	MOG
ENSG00000136689	11.9926937341087	1.86532312750159	0.62691526576592	2.97539911589594	0.00292607576364117	0.0220266773668258	IL1RN
ENSG00000064300	28.983347117712	1.87335662088897	0.448268183942728	4.17909788825949	2.92667702333478e-05	0.0011881711433714	NGFR
ENSG00000134516	24.5877053972612	1.87468471535702	0.524357006886644	3.57520675939455	0.000349951222753707	0.00591122098575662	DOCK2
ENSG00000073737	14.7460772586579	1.87561259944921	0.564119474070424	3.32484993988182	0.000884661359380486	0.0102482215873342	DHRS9
ENSG00000141314	11.1151727285922	1.88015805929353	0.46766872083082	4.02027755021419	5.81296157854726e-05	0.00185613554866839	RHBDL3
ENSG00000177989	7.75683784333362	1.88398316327526	0.550525554960433	3.42215387877983	0.000621271420137441	0.008233812365619	CIMAP1B
ENSG00000160182	11.9329574252001	1.88773031893035	0.730227934118457	2.58512476821262	0.00973437645986981	0.0480391840526396	TFF1
ENSG00000135144	25.6940588823186	1.89429250728741	0.461717173295878	4.10271182630132	4.08335716119275e-05	0.00145835231611503	DTX1
ENSG00000102362	154.142879545513	1.90057967521307	0.437439091305155	4.3447869954705	1.394108709379e-05	0.000731741545004657	SYTL4
ENSG00000198022	7.8086912613068	1.90603068699829	0.642362703818901	2.96721879347412	0.00300507031405467	0.0224131673040449	SAGE2P
ENSG00000138152	4.68819218182104	1.90631143376751	0.665493722112815	2.86450701250094	0.00417658906918035	0.0276352709576843	BTBD16
ENSG00000162511	153.806655292778	1.90916921449858	0.381675565298372	5.0020734573514	5.6716969768261e-07	0.000100738453535716	LAPTM5
ENSG00000270367	96.3143127767102	1.91345477466685	0.386038196557851	4.95664623793284	7.17203902612856e-07	0.000115728768236009	ADAD1P1
ENSG00000140287	51.3475421758674	1.91606206840456	0.455388572251862	4.20753217176658	2.58174656911242e-05	0.00110994030271972	HDC
ENSG00000172116	6.30292698576513	1.92311822472805	0.669037418886786	2.87445540479326	0.00404724920924393	0.0271083934409055	CD8B
ENSG00000134339	59.7840065730687	1.92782064680894	0.436843328847824	4.41307104744756	1.01914532979558e-05	0.000600589475494223	SAA2
ENSG00000163823	25.4548525816148	1.93151817627626	0.485808908655474	3.97588051981577	7.01193256527989e-05	0.00212395364976458	CCR1
ENSG00000146070	8.06068884743371	1.93595323863851	0.493257995406776	3.92482890630488	8.67914018531751e-05	0.00239464820674787	PLA2G7
ENSG00000125730	783.303741202742	1.93617533932682	0.426267316240048	4.54216231355744	5.56801430303522e-06	0.000405730800477215	C3
ENSG00000173372	113.472488870195	1.93686254238615	0.388791498147961	4.98175127700206	6.30113930437882e-07	0.000107883677440473	C1QA
ENSG00000100599	9.99029079778219	1.93712394769394	0.480761985620513	4.02927853206555	5.59482967441959e-05	0.00183055833409916	RIN3
ENSG00000138696	30.9681233394921	1.93726568215203	0.567774858799074	3.41203146305145	0.000644806702913197	0.00842228479386226	BMPR1B
ENSG00000197646	8.8001286184754	1.93802354527466	0.661409994995422	2.93013948978512	0.00338809876831139	0.024138705053489	PDCD1LG2
ENSG00000184489	178.369599025498	1.94898764380472	0.336630184714903	5.78969959409713	7.05124213736705e-09	3.04935564866615e-06	PTP4A3
ENSG00000158714	18.6992500143176	1.95646805268282	0.686728057701173	2.84897060887844	0.00438609321335403	0.0284598588477146	SLAMF8
ENSG00000163239	5.02250987124209	1.95693732136068	0.693568470927918	2.82154884973724	0.00477923581532333	0.0301237274820564	TDRD10
ENSG00000205277	5.30948354913306	1.96055093268199	0.599370494442348	3.27101675985248	0.00107161559402885	0.0115605471865596	MUC12
ENSG00000170324	12.3749799698616	1.96818123431442	0.695755225795169	2.82884146801055	0.00467168341265185	0.029691309306033	FRMPD2
ENSG00000042493	103.826553813167	1.97115146419703	0.404096016984157	4.87792846588318	1.07205787915191e-06	0.000145002419776926	CAPG
ENSG00000095970	25.7034422933763	1.97232875192337	0.615812774890352	3.20280584025648	0.00136095703438868	0.0133432815599281	TREM2
ENSG00000185269	15.3584244082035	1.9773341594741	0.417834181444378	4.73234179319368	2.21944277231645e-06	0.000221866206380358	NOTUM
ENSG00000087245	405.921262118486	1.97996523730345	0.392452873439474	5.04510317366503	4.5327671037533e-07	8.58765104713947e-05	MMP2
ENSG00000187753	5.42622292043264	1.98044889727065	0.625689641354811	3.16522564283207	0.00154962726403362	0.0145684003607849	C9orf153
ENSG00000132321	38.0763209428765	1.987974752946	0.555504338580389	3.5786844762119	0.000345328074629589	0.00586644866661522	IQCA1
ENSG00000134917	11.9757805278381	1.98996254006368	0.535060777391523	3.71913364639612	0.000199907264365113	0.00411229726598055	ADAMTS8
ENSG00000214244	3.36792608818548	1.99091329143817	0.765123071913177	2.60208241591764	0.00926595817452712	0.0464301526362388	SETP21
ENSG00000244301	3.62960618830278	1.99149707312743	0.721203279804857	2.76135332283332	0.00575623660452779	0.0341111984572273	AOX3P

ENSG00000123496	129.038490516556	2.00201310763512	0.591962295143513	3.38199429940003	0.000719616379328745	0.00898639587820887	IL13RA2
ENSG00000276231	4.87067122480948	2.01030527809478	0.651836417244928	3.08406407636995	0.00204193611396629	0.0174710688667232	PIK3R6
ENSG00000230804	4.0010851345067	2.02313897002266	0.542292758242502	3.73071360307186	0.000190938180052907	0.00398148135827303	CDRT15P14
ENSG00000169442	120.276869499655	2.03207113332748	0.421338036653094	4.82289980147359	1.4148605502813e-06	0.000172250256813314	CD52
ENSG00000284128	10.8847964217404	2.04277612121264	0.446983002565457	4.57014273358972	4.87392147387823e-06	0.000368657490037489	BCRP3
ENSG00000139352	67.436231966277	2.04438495995199	0.635151974179263	3.21873353632211	0.00128758074773448	0.012891015010513	ASCL1
ENSG00000244682	14.4464115175744	2.05050929010407	0.46636527944817	4.39678805534225	1.0986452777714e-05	0.000624438586020183	FCGR2C
ENSG00000240751	3.05595117763682	2.0516011877635	0.62709160651252	3.27161321640579	0.00106935762823162	0.0115424478016341	RABGGTBP1
ENSG00000124635	3.4875608136127	2.05447917207292	0.761851038403797	2.6966940628937	0.00700315781716071	0.038655332535177	H2BC11
ENSG00000180730	101.879526804557	2.05598784847384	0.437541201675373	4.69895827090416	2.61491871185852e-06	0.000239716949009224	SHISA2
ENSG00000134460	14.686388410011	2.05617504298627	0.498482238053885	4.12487123114707	3.70942234045062e-05	0.00137674915594346	IL2RA
ENSG00000103569	10.9602179326292	2.05698240593753	0.726697609825632	2.83058919986141	0.00464623535945931	0.0295673576473845	AQP9
ENSG00000154269	11.1583659930492	2.06035218046973	0.524364745614732	3.92923475062059	8.52166180218628e-05	0.00236431545649779	ENPP3
ENSG00000160856	2.67087546072055	2.06861084662236	0.566228505268591	3.65331456713065	0.000258876761576723	0.00488136058582536	FCRL3
ENSG00000122733	9.23163585369925	2.07531410573369	0.703310718988056	2.95077843932154	0.00316974201369224	0.0231907605290105	PHF24
ENSG00000133048	35.3126956168896	2.07987011996458	0.570948381975063	3.64283389817089	0.00026965285344921	0.0050085940370356	CHI3L1
ENSG00000282757	5.33428221455387	2.08703793597564	0.570135175335296	3.66060195241988	0.000251623405570688	0.00478084470584306	DUXB
ENSG00000065328	6.94925494549296	2.08742484789429	0.496132564290616	4.20739334229946	2.58333263036862e-05	0.00110994030271972	MCM10
ENSG00000128815	13.9844759816324	2.09196649730249	0.694852314726637	3.0106634934727	0.00260677568317432	0.0203918948743165	WDFY4
ENSG00000278196	7.34580064618163	2.09585486414845	0.742443883029967	2.82291350505188	0.00475894086835064	0.0300691548212227	IGLV2-8
ENSG00000149781	13.046036633779	2.10677424751151	0.46525486023694	4.5282154525771	5.94839141243526e-06	0.000414201191170344	FERMT3
ENSG00000183092	8.68459636518894	2.11372571244866	0.717048287391193	2.9478150211319	0.00320028498348084	0.0232687387340586	BEGAIN
ENSG00000237988	8.04623096206975	2.11790352287097	0.557371175823072	3.79980812560579	0.000144808162981902	0.00345818581776587	OR2I1P
ENSG00000233232	3.04825003657501	2.12082867383804	0.63925570860037	3.31765308515042	0.000907771554252492	0.0104142442495645	NPIP7
ENSG00000186417	22.8813782586792	2.13312708204416	0.530866514901994	4.01819859072854	5.86447626954607e-05	0.00186958375689231	GLDN
ENSG00000153802	7.66263509585009	2.13510644867698	0.65555174262809	3.2569609839147	0.00112611910514754	0.0118654064399894	TMPRSS11D
ENSG00000119715	6.33384547971907	2.1366637522977	0.505263555717331	4.22881034683818	2.34930278634963e-05	0.00106457130589643	ESRRB
ENSG00000188153	33.4487759266254	2.14057134952706	0.412019643942982	5.19531381815205	2.04374784798269e-07	4.95808243169752e-05	COL4A5
ENSG00000204993	2.4835009151741	2.14425594029165	0.74791507476092	2.86697783298069	0.00414412037991413	0.0275439314125064	CRTC1P1
ENSG00000138778	30.3136990582685	2.14556892712452	0.486794068834655	4.40754944336284	1.04546739934718e-05	0.000608113537286942	CENPE
ENSG00000126231	2.90587190470777	2.1458467468473	0.70198091703388	3.05684484403688	0.00223680024779908	0.0185634824069533	PROZ
ENSG00000145428	4.1706923167442	2.14895827630964	0.6936066148187	3.09823786336199	0.00194675108692695	0.0169408221225887	RNF175
ENSG00000170476	13.6447261675395	2.14913035481759	0.648748453056673	3.31273291626616	0.000923891615611004	0.010520306759788	MZB1
ENSG00000160255	49.3268757733611	2.16669922685496	0.450145873101258	4.81332687097095	1.4843820005255e-06	0.000176780064273151	ITGB2
ENSG00000233608	2.92810667117395	2.17961324283226	0.698916979778503	3.11855814909949	0.00181738276425447	0.0161976681582949	TWIST2
ENSG00000135502	6.57955864706534	2.18588272216884	0.555040923709814	3.93823703585442	8.20824861456245e-05	0.00231626069658942	SLC26A10P
ENSG00000134817	32.2287998380122	2.19845397603812	0.474309100191359	4.63506598366163	3.568236419662e-06	0.000299669694568499	APLNR
ENSG00000263639	6.28447933753151	2.20094363077889	0.616426672311378	3.57048734203234	0.000356317673761906	0.00598667861836622	MSMB
ENSG00000066279	7.91550375019716	2.20768533472926	0.685887769323405	3.2187267851518	0.00128761106046797	0.012891015010513	ASPM
ENSG00000243466	12.1259591020015	2.22364450411921	0.737886376979903	3.0135323994195	0.00258225467003237	0.0202876243157904	IGKV1-5
ENSG00000130208	123.609530291826	2.23305461369629	0.548422197021536	4.07178014643451	4.66552054255738e-05	0.00159743890108595	APOC1
ENSG00000140968	35.3809759534148	2.24156138360501	0.374514223120582	5.98525034624197	2.16057284053613e-09	1.16162906802122e-06	IRF8
ENSG00000225217	5.87059701800472	2.25184332212864	0.652361209575939	3.45183510158801	0.000556787890007812	0.0077483443533965	HSPA7
ENSG00000162621	18.7433373427405	2.26480303301597	0.691790906651659	3.27382596567777	0.00106101936538014	0.0114961101500584	LRRC53
ENSG00000182782	3.54763720092726	2.27386764298808	0.847163837694853	2.6840943177831	0.0072726586079255	0.0396478480919326	HCAR2
ENSG00000277641	7.78730857960337	2.27449165331379	0.688152769980581	3.30521324992701	0.000949041610721784	0.010696478618747	WNT3
ENSG00000171246	6.88331885599058	2.27477310283954	0.756065778914675	3.00869734655225	0.00262370340899179	0.0204860942118331	NPTX1
ENSG00000140379	16.895985717376	2.28405896068817	0.635683059212643	3.59307822913703	0.000326794423825338	0.00565297519404996	BCL2A1
ENSG00000125888	4.48506388999071	2.29758296157381	0.871190477405142	2.63729117932649	0.00835710617298268	0.0433519137711285	BANF2
ENSG00000109625	4.37256581476811	2.30799170598981	0.736475553653286	3.13383342398946	0.00172538772346143	0.0156440920614486	CPZ
ENSG00000147689	2.31082985851487	2.33111173619682	0.849687411808839	2.74349331742398	0.00607892854817765	0.0353074819296052	FAM83A
ENSG00000144229	5.04402082730289	2.33889381786287	0.78475713421194	2.98040465756531	0.00287867833641589	0.0218237607264944	THSD7B
ENSG00000188015	3.6229967552624	2.35453352904103	0.861940595821025	2.73166566287351	0.00630150517746888	0.0361360168623201	S100A3
ENSG00000164690	10.0647123273324	2.3670046960351	0.689689430526177	3.43198632785958	0.000599177764145925	0.00803236303154566	SHH
ENSG00000166183	5.4447327837273	2.3919432194697	0.725305466057381	3.29784253863663	0.000974307552932834	0.0108887079497151	ASPG
ENSG00000234906	37.8885189563698	2.3946691643741	0.628640306387606	3.80928352834188	0.000139370066360015	0.00336875908882112	APOC2
ENSG00000240864	14.7050974056886	2.39755134345212	0.657465393009943	3.64665786053907	0.000265673289302391	0.00497181443470599	IGKV1-16
ENSG00000231543	13.8935551143194	2.42378749073557	0.78814959877558	3.07528861843109	0.00210298939254761	0.0178399863479529	C2
ENSG00000170891	4.4046318015248	2.4242706458419	0.820212360942135	2.955662169072	0.00311998627844372	0.0229279228064577	CYTL1
ENSG00000111087	16.3646804477231	2.43406277277546	0.693941798679619	3.50758922060439	0.000452186693836927	0.00687715972248779	GLI1
ENSG00000227746	52.0022306389824	2.46554431792775	0.62370382517319	3.95306909853105	7.71551444731059e-05	0.00226378656195206	C4A
ENSG00000211892	62.1964838848715	2.46836148278735	0.850532901121508	2.90213521373786	0.00370628530121035	0.0256261058349678	IGHG4
ENSG00000134827	102.669991882632	2.49788913495417	0.744234806016371	3.35631861713711	0.000789875135230799	0.00956359468359482	TCN1
ENSG00000133636	48.7269480319322	2.50429648467994	0.767940796615458	3.26105410171866	0.00110998859466977	0.0117639867414841	NTS
ENSG00000270706	2.33058480350187	2.50968436585746	0.790562370730304	3.17455580834067	0.00150066029872653	0.0142602041600851	PRMT1P1



ENSG00000136573	2.8834794501182	2.51668684814437	0.761513599766444	3.30484819826755	0.000950278541998148	0.0106982971341082	BLK
ENSG00000277236	16.8153660637171	2.545255339063	0.874897105839078	2.90920534777852	0.00362348770937955	0.02526140534737	CCL14
ENSG00000096088	126.894934515115	2.54986307838062	0.79927408023362	3.19022365598959	0.00142162727614641	0.0137684670907403	PGC
ENSG00000230793	4.60551789832897	2.55000577823299	0.733552426123121	3.47624203454681	0.000508493154956018	0.0073774009554963	SMARCE1P5
ENSG00000081041	24.0407337792599	2.56780960207049	0.724255122701485	3.54544900213134	0.000391944822156007	0.0063417068649184	CXCL2
ENSG00000211592	1592.259097625	2.60570680264091	0.706240627720268	3.68954531977591	0.000224655206713994	0.0044601457356901	IGKC
ENSG00000179088	2.47167474805809	2.60841166704754	0.914774748795344	2.85142508632045	0.00435237407050035	0.0283224656148065	C12orf42
ENSG00000240602	8.3248830541327	2.61662559721593	0.806156368566478	3.24580403907106	0.0011711942783009	0.0121283538668609	AADACP1
ENSG00000133110	94.3018159275177	2.6249389667725	0.583515839484927	4.49848794008668	6.84384780108465e-06	0.000458399543121134	POSTN
ENSG00000136872	846.305313569779	2.64603030792877	0.410797859757155	6.44119789108194	1.18534199771632e-10	9.43200334422826e-08	ALDOB
ENSG00000278728	11.0131296517715	2.65805463136223	0.818003078817232	3.24944330919337	0.00115631123433431	0.012043193395085	CNTNAP2
ENSG00000198829	48.7051585023564	2.6591735524923	0.771667360408748	3.44601014494608	0.000568929000491352	0.0078116511074358	SUCNR1
ENSG00000132693	83.2399253913335	2.69859189165107	0.783906862199145	3.44249045617553	0.000576384202427946	0.00785373965982292	CRP
ENSG00000235920	5.97497753013768	2.70553987035108	0.799267295885527	3.38502511522575	0.000711717421832686	0.00893825421244799	THRAP3P3
ENSG00000115085	2.31936387461503	2.70623705502971	0.945616607025504	2.86187555815284	0.00421142225376103	0.0277685856460285	ZAP70
ENSG00000117983	27.5030931690924	2.7171918255741	0.714306579085344	3.80395743947005	0.000142402657121105	0.00342127543250018	MUC5B
ENSG00000172023	7946.53944913573	2.72265240230652	0.7735885480595	3.51950970465648	0.000432345218674698	0.00666200111161563	REG1B
ENSG00000135519	33.6434216116209	2.73282761266731	0.462807714313476	5.90488777120138	3.52886896571156e-09	1.7549947583725e-06	KCNH3
ENSG00000211598	120.760427678852	2.75557430212932	0.986148056769066	2.79428051722522	0.00520153364042763	0.0319499434218533	IGKV4-1
ENSG00000100385	4.31379213680273	2.76276256564902	0.578859505729865	4.77276876047071	1.81710382108333e-06	0.000196919073657989	IL2RB
ENSG00000181092	67.2626174017914	2.76815878695714	0.479222894048798	5.77634921313934	7.63388516767491e-09	3.23108250299057e-06	ADIPOQ
ENSG00000211679	198.757863880279	2.778111111571273	0.814791784382837	3.409596376597	0.000650590862158728	0.00845895687642064	IGLC3
ENSG00000171557	15.0033641111099	2.79215183814041	0.757661032397566	3.68522560716214	0.000228500142174984	0.00451364051953814	FGG
ENSG00000088882	9.78521045193181	2.83390985891278	0.669815181759774	4.23088328853249	2.327754338402e-05	0.0010620646113264	CPXM1
ENSG00000176884	2.47349764916408	2.85867342573086	0.999775349151213	2.85931577344631	0.00424555937056949	0.0278883680554382	GRIN1
ENSG00000224389	18.4540623713319	2.87009641629213	0.742722889634937	3.86428970528004	0.000111412927836424	0.00284784116310954	C4B
ENSG00000276849	13.5752085622159	2.87132287036354	1.04854655089399	2.73838378268992	0.00617419781723003	0.0356768321605152	TRBC2
ENSG00000183090	11.7885535102194	2.89008522563935	0.78776492785935	3.66871527714846	0.000243772378388283	0.00467633936670984	FREM3
ENSG00000134028	8.21866241055255	2.90338494244726	0.920489996030805	3.15417327180826	0.00160953491929795	0.0149549173982224	ADAMDEC1
ENSG00000144331	4.28814394797309	2.9172606884909	0.955992105628458	3.05155311567466	0.00227660764896939	0.0187530252426286	ZNF385B
ENSG00000177675	19.8697585984694	2.96933465101114	0.648838186942774	4.57638701107004	4.7307502614218e-06	0.000363354497878239	CD163L1
ENSG00000100448	7.45067797403933	2.96949686875884	0.693312832622483	4.28305481888543	1.84344730232675e-05	0.000912231273263335	CTSG
ENSG00000171560	62.3740744160881	2.97984766895154	0.751403227068142	3.96571050217397	7.31776373016811e-05	0.00218576987814166	FGA
ENSG00000139626	7.51355219390884	2.98039688531694	0.842279538913364	3.5384890023115	0.000402424044494618	0.00642489688373309	ITGB7
ENSG00000166106	2.41373320012538	3.00278248137796	1.01073126330913	2.97090096090118	0.00296927519238771	0.0222729228514965	ADAMTS15
ENSG00000147588	4.10474720634341	3.00857450060201	1.08260962336091	2.77900217740724	0.00545261596044607	0.0329893215636112	PMP2
ENSG00000280066	3.42983213443511	3.01728989683085	1.17373531810621	2.57067317502142	0.0101501065230719	0.0493481050703762	MTDHP4
ENSG00000236418	15.5730051825021	3.02758604819835	1.15398152893361	2.62360009435863	0.00870058755889849	0.0445395749637591	HLA-DQA1
ENSG00000111344	6.0267115380614	3.06392911709535	0.777466269174837	3.94091581664019	8.117111114647238e-05	0.00231337667674463	RASAL1
ENSG00000081800	3.70920441844773	3.07233341023116	0.650071801107384	4.7261447197025	2.28822598182063e-06	0.000223135683609597	SLC13A1
ENSG00000156194	66.9575025428305	3.07643231550259	0.631910712954177	4.86846045245902	1.12471024439741e-06	0.00014623438491371	PPEF2
ENSG00000137225	3.62623794803348	3.09358339649899	0.928117104301877	3.33318218375682	0.000858587013496624	0.0100420362596581	CAPN11
ENSG00000173641	5.54626694334652	3.10922065552568	0.819672736991283	3.79324639604153	0.0001486904817298	0.00350047308053362	HSPB7
ENSG00000196754	4.85614476772657	3.11780482215549	0.863153280420502	3.61211026231238	0.000303715367116282	0.00537527562103577	S100A2
ENSG00000184530	153.737402239928	3.13087345231103	0.629521070086057	4.97342122620778	6.57815111644553e-07	0.000109049300132876	C6orf58
ENSG00000169594	3.90573883417637	3.13347187188894	1.06737344524297	2.93568468079665	0.0033281243515626	0.0238323893900773	BNC1
ENSG00000065618	8.03607234977356	3.1574867308007	0.695873445509341	4.53744391480492	5.69401667513287e-06	0.000408622547976991	COL17A1
ENSG00000162753	11.6478645297615	3.20289162034227	0.85644530793623	3.73975032691843	0.000184203126358411	0.00390239914020008	SLC9C2
ENSG00000198796	3.9234433606502	3.23020233459155	0.969159224558395	3.33299446854403	0.000859166505019868	0.0100420362596581	ALPK2
ENSG00000204583	4.85758937168644	3.23484343618982	0.883366757931479	3.6619483438166	0.00025030433815686	0.00477402128375304	LRCOL1
ENSG00000243806	2.76939758843188	3.23774745448862	0.872274552412975	3.71184444798032	0.000205754426436582	0.00419802338984916	RPL7P18
ENSG00000088827	11.1574281620847	3.2378125920975	0.759104318354446	4.26530651164822	1.99627952189315e-05	0.000966336445855962	SIGLEC1
ENSG00000143954	1714.0615231318	3.2488203115966	0.786502054257534	4.13072069425619	3.61627736975502e-05	0.00136247359311622	REG3G
ENSG00000188257	45.4768534719935	3.26125921159415	0.931209227506934	3.50217664866284	0.000461473548217398	0.00695988877535155	PLA2G2A
ENSG00000174371	2.33902546660684	3.2714503363564	1.05367579801736	3.10479783488631	0.00190409119587265	0.0167010961902534	EXO1
ENSG00000137077	73.2363408810481	3.30363647404768	0.776032176715032	4.25708697805814	2.07107796186966e-05	0.000985644830035243	CCL21
ENSG00000253755	9.23651676597428	3.32183060984474	0.952087107436837	3.48899862617362	0.000484833640719822	0.00717949359234715	IGHGP
ENSG00000227582	3.48951476314514	3.32756450320821	0.832451675457574	3.99730651197157	6.406732068224e-05	0.00197198280025117	ADGRF5P1
ENSG00000241351	12.6257149769599	3.343420485865	0.827420813703814	4.04077396953399	5.32750871195274e-05	0.00177819011420933	IGKV3-11
ENSG00000211673	4.63221751916118	3.35531069988943	1.11722995944397	3.00324089192821	0.00267120902637515	0.0206838506855696	IGLV3-1
ENSG00000275122	2.4422888747693	3.36158421151237	1.25099351868621	2.68713159684687	0.0072068553134001	0.0393970796233768	THEMIS
ENSG00000213443	3.89263991311183	3.37079536786853	1.1892064218	2.83449139365263	0.00458986942249454	0.0293667889416622	NPM1P7
ENSG00000186081	2.45991993536617	3.38068382036817	1.11020986679221	3.04508536763068	0.00232614273696103	0.019019081404162	KRT5
ENSG00000115705	3.00265163666476	3.40209384722936	1.04163946932246	3.26609536929536	0.00109041519132264	0.0116621663446136	TPO
ENSG00000239975	5.86620368993913	3.40371448344793	1.0170946853945	3.34650699912737	0.000818366135498123	0.00974252395778825	IGKV1D-33

ENSG00000211651	8.80091555172786	3.4085665794745	1.23209996470838	2.76646918034873	0.00566669409354295	0.033766023921723	IGLV1-44
ENSG00000128591	6.67034732241952	3.41023948561794	0.940618011224418	3.62553070951594	0.000288368623681318	0.00520782357890641	FLNC
ENSG00000242371	32.4911006725342	3.41328832344118	1.27160717115723	2.68423173513162	0.00726966982663059	0.0396478480919326	IGKV1-39
ENSG00000102802	22.364547360027	3.41937275188168	0.82888539904035	4.12526599677168	3.70306521923527e-05	0.00137674915594346	MEDAG
ENSG00000163568	3.62305781998355	3.45105492156228	0.929206104496836	3.71398218851675	0.000204023160054194	0.00417125665257768	AIM2
ENSG00000139572	4.30597445091088	3.49848614682258	0.963424555313397	3.6313026562672	0.000281994246324746	0.00514180709636863	GPR84
ENSG00000211625	5.63913228707706	3.50382268745099	0.989597615460547	3.54065393116409	0.00039913673123732	0.0063940666494905	IGKV3D-20
ENSG00000171564	88.7682321153494	3.52257337481083	0.749302945776266	4.70113375993938	2.58720962031768e-06	0.000239716949009224	FGB
ENSG00000225968	7.96956652531269	3.53926821275846	0.51719603729041	6.84318509341387	7.74514724575014e-12	8.1091691663004e-09	ELFN1
ENSG00000211644	30.9626991812773	3.56286862819778	0.724044212414445	4.92078876829469	8.61961203508601e-07	0.000128155402770321	IGLV1-51
ENSG00000110245	2.81065175183127	3.60516609671511	0.864264597695974	4.17136847480049	3.02775799941857e-05	0.00121925381809036	APOC3
ENSG00000162344	2.97861999041813	3.63657059560165	1.22177518778546	2.97646459999989	0.00291592744196258	0.0219859993293993	FGF19
ENSG00000221887	10.4954217282119	3.63699941107414	0.870175575700568	4.17961560015751	2.92002256853112e-05	0.0011881711433714	HMSD
ENSG00000239951	48.9668700770185	3.65975574836307	0.75952112543115	4.81850422038698	1.44638466840237e-06	0.000173330904870653	IGKV3-20
ENSG00000092009	4.9591951665929	3.66582623309995	0.797327613026211	4.59764113672988	4.27301162859652e-06	0.000338657451504664	CMA1
ENSG00000172016	3178.5996531845	3.71621829964811	0.745162873322918	4.98712218857109	6.12853083743977e-07	0.000106012925173208	REG3A
ENSG00000204787	378.156373883677	3.74785849811833	0.878067934838611	4.2683012890195	1.96967176793851e-05	0.000958011747667502	REG1CP
ENSG00000117560	2.65657830483714	3.76585380939422	1.14055775198235	3.30176512574569	0.000960784862956995	0.0107617642335605	FASLG
ENSG00000170477	2.43582326906767	3.81774483443183	1.32832768824759	2.87409866421472	0.00405182364471679	0.0271087509690081	KRT4
ENSG00000163710	30.3458114069581	3.83722331700647	0.54540564429687	7.03554016561998	1.98490527213713e-12	2.19365114325688e-09	PCOLCE2
ENSG00000211668	17.486360430433	3.93201290661466	1.00358713183085	3.91795867234912	8.93020118153884e-05	0.00243098968979948	IGLV2-11
ENSG00000172724	44.844278127393	3.96220873240028	0.79187579816408	5.00357346642799	5.62772043221678e-07	0.000100738453535716	CCL19
ENSG00000169385	3.00776660188974	4.02355598897154	1.14417484262214	3.51655694487271	0.000437182868720578	0.00671573653085595	RNASE2
ENSG00000224305	2.90459246090138	4.02473275854371	1.07904470208782	3.72990363675977	0.000191553016157844	0.00398742343803348	HLA-DQB2
ENSG00000243238	11.5323997789921	4.02941215107759	1.47578296330589	2.73035551382931	0.00632660588103678	0.0362381718374502	IGKV2-30
ENSG00000211896	327.795132570824	4.11180173993406	0.903151969667165	4.55272410184674	5.29557021334732e-06	0.000389431102305877	IGHG1
ENSG00000175785	15.9750502162517	4.24057653108328	0.576511160507507	7.35558445624932	1.90093519961837e-13	2.70109313757202e-10	PRIMA1
ENSG00000211677	506.333903440695	4.31723458379951	0.777700225669894	5.55128369685213	2.83579443431601e-08	9.56143367488957e-06	IGLC2
ENSG00000145681	3.03675148610734	4.34705934989135	1.38604624649881	3.13630180873989	0.00171093033382132	0.0155413411555742	HAPLN1
ENSG00000211893	195.67007920839	4.40217010304496	0.971161763660016	4.53289067565274	5.8181931566626e-06	0.000410430200232231	IGHG2
ENSG00000156738	11.424059419763	4.47671986521227	1.00325381697191	4.46220068090466	8.11221985421022e-06	0.000509073784100328	MS4A1
ENSG00000211663	3.3420269449992	4.58762439671997	1.69737174431579	2.70278117453243	0.00687619989373173	0.0382196827286966	IGLV3-19
ENSG00000211897	87.7778132761267	4.58945077812853	1.06385455573441	4.31398329159789	1.60339069804539e-05	0.000807500029271314	IGHG3
ENSG00000276173	119.944176594009	4.66450636642627	0.941946153065823	4.95198833950789	7.34590070761825e-07	0.000116088605221205	IGHA2
ENSG00000211660	20.9725155221233	4.71041230688062	0.996165672652392	4.72854308896096	2.26136638561529e-06	0.000222116709415236	IGLV2-23
ENSG00000224916	10.9186044491475	4.81238852042389	0.942616103815423	5.10535360147658	3.30176523738077e-07	6.9874484965123e-05	APOC4-APOC2
ENSG00000211666	18.0049152279748	4.96146859952633	1.05017792329238	4.72440763558598	2.30787077493547e-06	0.000223953528418494	IGLV2-14
ENSG00000240382	5.88357421750236	5.02038348137088	1.37759674799082	3.64430555508566	0.000268114744392621	0.00500394936877489	IGKV1-17
ENSG00000273859	8.57113235743134	5.19384872620744	1.59993285879817	3.24629167883266	0.00116918982304633	0.0121202152943516	RASSF7
ENSG00000243290	10.9657495673588	5.60292093224936	1.18709493512167	4.71985918436684	2.36007964357412e-06	0.000225716655527019	IGKV1-12
ENSG00000148773	14.4613265229285	5.62910749300041	0.848666664999935	6.63288394036407	3.29190648690401e-11	2.97663162472643e-08	MKI67
ENSG00000164326	1192.94173100154	5.6671210306027	0.88392384795178	6.41132269904754	1.44262467511667e-10	1.06289380229985e-07	CARTPT
ENSG00000133063	12.386526093459	5.72122496945657	1.19835390480007	4.77423651438853	1.80390284554385e-06	0.000196919073657989	CHIT1
ENSG00000281618	24.3932832262932	5.87729964177073	1.2910493788347	4.55234303050096	5.30517411777473e-06	0.000389431102305877	IFITM10
ENSG00000274646	208.18964430917	6.49950242766956	0.963676833999109	6.74448341846886	1.5357242611966e-11	1.5275081363992e-08	RPS9
ENSG00000244437	52.7429933344999	6.80589909212578	1.07750605577489	6.3163441686936	2.67823241553509e-10	1.77474598505155e-07	IGKV3-15
ENSG00000239285	10.0438636336389	21.1680486649536	2.51790244705873	8.40701699530931	4.20570154145495e-17	1.1952002966309e-13	LY6G5B
ENSG00000236765	39.7344019956989	23.900182451514	2.18466100724432	10.9399958951348	7.42032682575275e-28	7.38062807723498e-24	DXO