



ПРИМЕР 15:

Представитель общественности ищет информацию о генетически измененных продуктах питания.

Задача:

Найти информацию о живом измененном организме (ЖИО) SYN-EV176-9.

Справка:

Модуль 4 МПБ: Поиск информации в Центральном портале МПБ.

Сценарий:

Недавно к вам попал продукт питания, на котором указано, что он включает генетически измененный организм, который идентифицируется как SYN-EV176-9. С помощью МПБ ответьте на следующие вопросы.

К какому типу организмов принадлежит SYN-EV176-9?

Как отличается SYN-EV176-9 от своего родительского организма (т.е., какие новые свойства он проявляет)?

Известен ли SYN-EV176-9 под какими-либо иными названиями?

Какой ген был включен в SYN-EV176-9? Откуда этот ген происходит?

Одобен ли в каких-либо странах SYN-EV176-9 для использования в качестве продукта питания для людей, корма для животных, или для обработки? В каких?

Считают ли какие-либо страны, что SYN-EV176-9 не может быть использован, и по какой-то причине? Если да, то почему?

Где еще вы можете получить дальнейшую информацию об этом организме?

Сверхурочная работа: Если позволяет время, вы можете, по желанию, ответить на ряд нижеприведенных дополнительных вопросов.

Что осуществляет встроенный ген в продукции ?

Какие прочие организмы, приведенные в МПБ, имеют те же привнесенные свойства, что и SYN-EV176-9.

Какие гены встроены в другие организмы, вследствие чего у них проявляются те же свойства?

**ПРИМЕР 15:**

Представитель общественности ищет информацию о генетически измененных продуктах питания.

ПРИМЕЧАНИЯ ДЛЯ ИНСТРУКТОРА**Задача обучения:**

Отработать поиск данных в реестре ЖИО и нахождение информации о родительском организме, торговых названиях, генетических изменениях и связанных с этим решениях.

Требования:

Наличие доступа к МПБ.

Примечания:

Пользователи могут работать по одиночке или в группах для проделывания данного упражнения.

Перед тем, как начать упражнение, инструктор обновляет ожидаемые результаты.

Для тех, кто быстрее других завершил работу, предлагаются дополнительные задания. Они касаются использования реестра генов и поиска привнесенных характеристик.