Un'analisi del modello di cattura-ricattura

Patrick Zecchin

Università di Trento

26 settembre 2014



relatore: prof. Pier Luigi Novi Inverardi

Piano della presentazione

- La stima della numerosità
- Il modello di cattura-ricattura
- L'evoluzione del modello
- Una stima dell'incidenza del diabete

La stima della numerosità di popolazioni

Una questione di viva importanza, nella statistica e non solo

Varie le tecniche messe a punto, tra cui

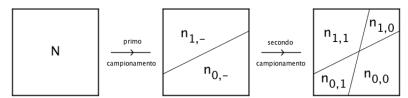
- il campionamento per centri
- lo snowballing
- il metodo di cattura ricattura

Uno sguardo storico

- Si tratta di un modello già proposto da Pierre Laplace nel 1802
- ma "ufficializzato" nel 1896 da Carl Petersen e nel 1930 da Frederick Lincoln
- utilizzato inizialmente in ambito ecologico: platesse e anatre

Funzionamento del metodo di cattura-ricattura

Il metodo originariamente ideato è piuttosto semplice:

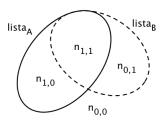


Le ipotesi da soddisfare

Per formulare il modello occorrono prima di alcune ipotesi:

- popolazione chiusa
- 2. marcatura efficiente e non invasiva
- omogeneità/equicatturabilità tra i soggetti, risolvibile con la stratigrafia
- 4. indipendenza delle liste, stimabile tramite l'odds ratio della tabella di contingenza

Lo stimatore di Lincoln-Petersen



$$\frac{n_{1,1}}{n_{1,0} + n_{1,1}} = \mathbb{P}[x \in B \mid x \in A] \stackrel{indip.}{=} \mathbb{P}[x \in B \mid x \notin A] = \frac{n_{0,1}}{n_{0,0} + n_{0,1}}$$

$$\rightarrow \hat{N} = n_{1,1} + n_{1,0} + n_{0,1} + \hat{n}_{0,0} = \frac{n_A n_B}{n_{1,1}}$$

Lo stimatore di Lincoln-Petersen: comportamento

Lo stimatore di Lincoln-Petersen $\hat{N} = \frac{n_A n_B}{n_{1.1}}$

• è asintoticamente non distorto:

$$\mathbb{E}[\hat{N}] \approx \frac{\mathbb{E}[n_A]\mathbb{E}[n_B]}{\mathbb{E}[n_{1,1}]} = \frac{Np_A p_B}{p_{A,B}} \stackrel{indip.}{=} N$$

• ma purtroppo è distorto per piccoli valori del campione

Altri stimatori proposti

• stimatore di Chapman-Seber (1951)

$$\hat{N}_{Chapman} = \frac{(n_A + 1)(n_B + 1)}{n_{1,1} + 1} - 1$$

• stimatore di *Chao* (1987)

$$\hat{N}_{Chao} = n_{1,0} + n_{0,1} + n_{1,1} + \frac{(n_{1,0} + n_{0,1})^2}{4n_{1,1}}$$

L'evoluzione del modello

Importanti sviluppi nel XX secolo

Dopo Petersen (1896) e Lincoln (1930)

- Schnabel propone la versione generalizzata a k-liste (1938)
- Sekar e Deming stimano il numero di nascite e morti vicino a Calcutta (1949)
- il cattura-ricattura viene ampiamente utilizzato fuori dall'ecologia

L'evoluzione del modello

... e conseguenti difficoltà

Gli importanti sviluppi del XX secolo pongono nuove problematiche, ma si forniscono possibili nuove soluzioni, quali

- il two-samples method, proposto da Wittes
- il sample coverage approach, come ricorda Chao
- i modelli log-lineari, suggeriti da Fienberg

I modelli log-lineari

variabile B	variabile A		totale	
variabile D	cat_{A1}	cat_{A2}	totale	
cat _{B1}	$n_{1,1}$	$n_{0,1}$	n_,1	
cat _{B2}	$n_{1,0}$	$n_{0,0}$	<i>n</i> _{-,0}	
totale	$n_{1,-}$	<i>n</i> _{0,-}	n	

$$\mu_{i,j} = \mathbb{E}[n_{ij}] = np_{i,j} \stackrel{indip.}{=} np_{i,_}p_{_,j}$$

$$\log[\mu_{i,j}] = \lambda + \lambda_i^A + \lambda_j^B + \underbrace{\lambda_{ij}^{AB}}_{interazione}$$

con la necessità di testare tramite i test di goodness of fit χ^2 oppure L^2

L'evoluzione del modello

Utilizzo dei modelli log-lineari

Ci si trova di fronte alle relazioni che identificano il modello

$$\log \mathbb{E}[n_{1,1}] = \lambda + \lambda^A + \lambda^B + \lambda^{AB} \qquad \log \mathbb{E}[n_{0,0}] = \lambda - \lambda^A - \lambda^B + \lambda^{AB}$$
$$\log \mathbb{E}[n_{1,0}] = \lambda + \lambda^A - \lambda^B - \lambda^{AB} \qquad \log \mathbb{E}[n_{0,1}] = \lambda - \lambda^A + \lambda^B - \lambda^{AB}$$

Si tratta di trovare i termini λ per cui il modello meglio si adatta ai dati conosciuti

L'evoluzione del modello

Ulteriori questioni teoriche finali:

- la selezione del modello
 - criterio di Akaike AIC = $2k 2\log[L]$
 - criterio di Bayes $BIC \approx k \log[n] 2 \log[L]$
- la costruzione di intervalli di confidenza
 - con la soluzione classica
 - tramite la verosimiglianza profilo $\log[L_1(N_0)] > \log[L(\hat{N}, \hat{\delta})] - \frac{1}{2}\chi_{1-\alpha}^2(1)$
 - utilizzando il metodo bootstrap

Un caso concreto: una stima dell'incidenza del diabete Inquadramento del problema

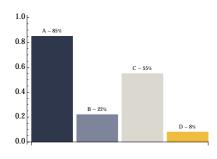
L'OMS stima in 380 milioni il numero di persone con diabete nel mondo, ponendolo come 8^a causa di morte

Dati di partenza

Nello studio del caso in oggetto sono state considerate 4 liste

- a. elenco pazienti fornito da medici di famiglia (1754 casi)
- registri di diagnosi di diabete fornito da ospedali piemontesi (452 casi)
- c. database con prescrizioni di insulina e ipoglicemizzanti (1135 casi)
- d. lista con richieste di rimborso per medicinali (173 casi)

per un totale di 2069 casi unici



С	D	A B	Yes Yes	Yes No	No Yes	No No
Yes Yes No No	Yes No Yes No		58 157 18 104	46 650 12 709	14 20 7 74	8 182 10

16 / 23

Primo approccio: il two-samples method

	Α		
В	Yes	No	
Yes	337	115	
No	1417	-	

Lincoln-Petersen: $\hat{N}=2353$ Chao: $\hat{N}=3610$ Chao C.l.: $3342\div3878$ Chapman: $\hat{N}=2351$ Chapman C.l.: $2238\div2464$ odds ratio = 1.6

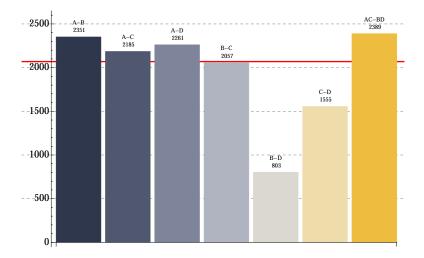
(a) Liste A - B.

	Α		
С	Yes	No	
Yes	911	224	
No	843	-	

Lincoln-Petersen: $\hat{N}=2185$ Chao: $\hat{N}=2290$ Chao C.L.: 2235 \div 2345 Chapman: $\hat{N}=2185$ Chapman $\hat{C}=2181$ Chapman $\hat{C}=2181$ Chapman $\hat{C}=3,7$

(b) Liste A - C.

Primo approccio: il two-samples method



Un secondo approccio: i modelli log-lineari

Si possono utilizzare i modelli log-lineari, con una procedura backward, per determinare un modello dall'espressione

$$\log \mathbb{E}[n_{i,j,k,l}] = \lambda + \lambda^{A} + \lambda^{B} + \lambda^{C} + \lambda^{D} + \lambda^{AB} + \lambda^{AC} + \lambda^{AD} + \lambda^{BC} + \lambda^{BD} + \lambda^{CD} + \lambda^{ABC} + \lambda^{ABC} + \lambda^{ACD} + \lambda^{ACD} + \lambda^{ABCD}$$

Un secondo approccio: i modelli log-lineari

Dall'analisi deriva che

• il modello migliore è della forma:

$$\log \mathbb{E}[n_{i,j,k,l}] = \lambda + \lambda^{A} + \lambda^{B} + \lambda^{C} + \lambda^{D} + \lambda^{AB} + \lambda^{AC} + \lambda^{ABC} + \lambda^{BC} + \lambda^{BD} + \lambda^{CD} + \lambda^{ABC} + \lambda^{ABC} + \lambda^{ABCD} + \lambda^{ABCD}$$

con rapporto di verosimiglianza (la "precisione") $L^2 = 7,6$

- questo ci fornisce una stima di 2 771 casi (C.I. 2 492 3 051)
- il modello log-lineare di indipendenza ha $L^2=217,5$, da cui le incongruenze precedenti

I modelli log-lineari con stratigrafia

Si possono ulteriormente dividere i pazienti in base al tipo di trattamento e ripetere l'analisi

- dieta: 360 casi (C.I. 303 442)
- ipoglicemizzanti: 1 890 casi (C.I. 1 785 2 014)
- insulina: 333 casi (C.I. 328 341)
- totale: 2 583 casi (C.I. 2 416 2 798)

Questa è la migliore stima ottenibile con questo metodo.

Conclusioni

Con una tabella riassuntiva si vogliono schematizzare i risultati ottenuti tramite le diverse analisi

provenienza	casi accertati	precisione
elenco da medici di famiglia (lista A) registro ospedaliero (lista B) database prescrizioni (lista C) elenco rimborsi (lista D) two-samples method corretto (AC-BD) modello loglineare modello loglineare con stratigrafia	1 754 452 1 135 173 2 389 2 771 2 583	68% 17% 44% 7% 92% 107% 100%

Si evidenzia il deciso miglioramento nella stima dell'entità del problema.

Conclusioni

Anche dall'analisi del caso concreto risulta che

- innumerevoli sono le applicazioni della statistica e molti sono i modelli applicabili
- vi è una continua evoluzione e un continuo miglioramento della tecnica e delle metodologie
- tali metodi forniscono un'idea più corretta dell'entità dei problemi in esame.