# 数据挖掘课程实验报告

Homework 2: NBC

201834879 王士东 2018/11/14

# 一. 贝叶斯定理

概率论中的经典条件概率公式:

$$P(Y \mid X) = \frac{P(X \mid Y)P(Y)}{P(X)}$$

其中, $P(X, Y) = P(Y, X) \iff P(X|Y) P(Y) = P(Y|X) P(X)$ ,即 X和 Y同时发生的概率与 Y和 X同时发生的概率一样。

## 二. 朴素贝叶斯定理

朴素贝叶斯的经典应用是对垃圾邮件的过滤,以及对文本格式的数据进行处理,因此这里以此为背景讲解朴素贝叶斯定理。

设 D 是训练样本和相关联的类的集合,其中训练样本的属性集为 X  $\{X1, X2, ..., Xn\}$ ,共有 n 个属性;类集为  $C\{C1, C2, ..., Cm\}$ ,有 m 种类别。

朴素贝叶斯定理:

$$P(C_i/\mathbf{X}) = \frac{P(\mathbf{X}/C_i)P(C_i)}{P(\mathbf{X})}.$$

其中,P(Ci|X)为后验概率,P(Ci)为先验概率,P(X|Ci)为条件概率。由于对于所有的测试集计算时,上式的分母都是一样的,都是 P(X=X(test)),所以只需考虑分子的最大值。

又由于朴素贝叶斯的两个假设: 1、属性之间相互独立; 2、每个属性同等重要。通过假设 1 知,条件概率 P(X | Ci )可以简化为:

$$P(X|C_{i}) = \prod_{k=1}^{k=n} P(X_{k}|C_{i}) = P(X_{1}|C_{i}) \times P(X_{2}|C_{i}) \times \cdots \times P(X_{n}|C_{i})$$

## 三. 朴素贝叶斯算法实现

朴素贝叶斯算法的核心思想,是选择训练集中具有最高后验概率的类别作为

测试数据的预测类别。下面介绍利用 Python 语言实现朴素贝叶斯算法的过程, 其本质是利用词和类别的联合概率来预测给定文档属于某个类别。

## 1. 数据集的准备

本实验所用数据集已经预处理完成,共包含 20 个类别,每个类别中包含若干文本文档,每个文本文档里包含若干单词,每个单词占一行。

## 1) 生成训练集向量

此过程返回一个训练集向量集合, list 的格式为: [[str, int, float, dict], [], []]。其中, str 为某个类别, int 为该类别所有文档的单词总数 (一个单词在一个文档中只计算一次), float 为 P(Ci)的值(该类别的文档总数/数据集文档总数), dict 为该类别的字典, 字典的 value 值为该类别所有单词的 df 值(包含该单词的文档总数)。

```
#返回训练集向量集合
def gettrainlist():
   #list格式为: [[str,int,float,{}], [],[]],
   #其中,str为某个类别,int为该类别所有文档的单词总数(一个单词在一个文档中只计算一次),
   #float为P(Ci)的值(该类别的文档总数/数据集文档总数),
   #dict为该类别的字典,字典的value值为该类别所有单词的df值(包含该单词的文档总数)。
   rootlist = []
   numfiles = getnumfiles(traindata) #总文档个数
   rootpathlist = os.listdir(traindata)
   for i in rootpathlist:
      rootpath = traindata + os.path.sep + i #目录名+路径切割符+文件名;i为每一个主文件夹的路径
      subspathlist = os.listdir(rootpath) #子文件夹列表
      dfdict = {} #存放值为df的类别字典
      subslist = [] #每一个类别的向量list,格式为[str,int,float,{}]
      #存类名
      subslist.append(i)
      #存各文档的单词总数(每个单词在一个文档中只计算一次)
      wordsum = 0
      for j in subspathlist:
          subspath = rootpath + os.path.sep + j
          lines = open(subspath).readlines() #此时每一行都为一个单词
          coun = collections.Counter(lines) #counter函数
          wordsum = wordsum + len(coun)
          for key,value in coun.items(): # counter函数的items()转化成(元素,计数值)组成的列表
             key = key.strip('\n') #去除换行符,此时的数据是带着换行符的
             dfdict[key] = dfdict.get(key,0) + 1
      subslist.append(wordsum)
      #存P(Xi=c)
      pc = len(subspathlist)/numfiles #P(Xi=c)为该类别文档个数/总文档个数
      subslist.append(pc)
      #存字典
      subslist.append(dfdict)
      rootlist.append(subslist)
   return rootlist
```

## 2) 生成测试集向量

此过程返回一个测试集向量集合,list 的格式为:[[str,list], [],[]]。 其中,str 为测试集该向量所属的类别,list 为测试集该向量所包含的所有单词 集合(无重复单词)。

```
#返回测试集向量集合
def gettestlist():
   #list格式为[[str,[]], [],[]],
   #其中,str为测试集该向量所属的类别,list为测试集该向量所包含的所有单词集合(无重复单词)。
   rootlist = []
   rootpathlist = os.listdir(testdata)
   for i in rootpathlist:
       rootpath = traindata + os.path.sep + i
       subspathlist = os.listdir(rootpath)
       for j in subspathlist:
          subslist = [] #格式为[str,[]]
          #存类名
          subslist.append(i)
          templist = [] #第一次subslist和templist写到;循环的外边,所以运行了三小时。。。。
          subspath = rootpath + os.path.sep + j
          lines = open(subspath).readlines() #此时每一行都为一个单词
          coun = collections.Counter(lines) #counter函数
          for key,value in coun.items():
              key = key.strip('\n')
              templist.append(key)
          #存單词list
          subslist.append(templist)
          rootlist.append(subslist)
   return rootlist
```

# 2. NBC 算法实现

- 1) 装载数据:导入第一步已经预处理完成的训练集和测试集的向量集合
- 2)模型应用(伯努利朴素贝叶斯模型):本实验采用的伯努利朴素贝叶斯模型,统计(训练)时和判断(测试)时均不考虑重复单词;
- 3)Laplace 平滑: 若测试数据中有的单词在训练集没有出现,其概率就是 0,会十分影响分类器的性能,所以采取 Laplace 平滑,让分子各单词的出现次数默认加 1,让分母单词出现总数加上测试数据的单词总数,这样处理后不影响相对大小。
- 4)解决下溢问题:若很小是数字相乘,则结果会更小,再四舍五入存在误差,而且会造成下溢出。所以对概率值取 log,乘法变为加法,并且相对大小趋

#### 势不变。

5)模型性能评测:记录模型预测成功与失败次数,计算并输出模型预测准确率。

```
def NBC():
   #装载数据
   trainlist = gettrainlist() #[[str,int,float,{}], [],[]]
   print('训练集装载完成! 数据集大小: ',len(trainlist))
   testlist = gettestlist() #[[str,[]], [],[]]
print('测试集装载完成! 数据集大小: ',len(testlist))
   success = 0 #记录模型预测成功的次数
   failure = 0 #记录模型预测失败的次数
   print('预测开始: ')
   for i in range(len(testlist)):

      maxp = 0
      #与训练集向量比较后,最大的概率值P

      maxclass = ' ' #最大概率值P所属类的类名

       for j in range(len(trainlist)):
           #对P做Log处理,不影响大小关系,不然的话用乘积,超过了计算机下限,最后全是0
           p = math.log10(trainlist[j][2])
           #print(p)
           for key in testlist[i][1]:
               #Laplace 平滑, 分子加1, 分母加单词总数
               tempdp = trainlist[j][3].get(key,0) + 1
               tempfenmu = trainlist[j][1] + len(testlist[i][1])
               tempp = math.log10(tempdp / tempfenmu)
               p = p + tempp
           #让maxp,和maxclass初始值默认为第一个测试数据的值,不可以直接设为0,因为maxp的值可能小于0
           if j == 0:
               maxp = p
               maxclass = trainlist[j][0]
           elif p > maxp:
               maxp = p
               maxclass = trainlist[j][0]
       #print(maxclass,' == ', testlist[i][0])
       if maxclass == testlist[i][0]:
           success = success + 1
           #print('预测成功')
       else:
           failure = failure + 1
           #print('预测失败')
       if (i % 1000) == 0:
           print('已完成测试次数:',i+1)#打印程序运行程度
   #輸出模型的性能
   successp = success / (success + failure)
   print('预测结束!')
   print('该模型的性能:')
   print('总测试次数:', (success + failure))
print('预测成功次数:', success)
print('预测成功次数:', failure)
   print('预测准确率:', successp)
```

#### 3. 模型预测结果

In [2]: runfile('D:/code/AnacondaCode) AnacondaCodes/Homework 2 NBC') 训练集装载完成! 数据集大小: 测试集装载完成! 数据集大小: 15074 预测开始: 已完成测试次数: 1 已完成测试次数: 1001 已完成测试次数: 2001 已完成测试次数: 3001 已完成测试次数: 4001 已完成测试次数: 5001 已完成测试次数: 6001 已完成测试次数: 7001 已完成测试次数: 8001 已完成测试次数: 9001 已完成测试次数: 10001 已完成测试次数: 11001 已完成测试次数: 12001 已完成测试次数: 13001 已完成测试次数: 14001 已完成测试次数: 15001 预测结束! 该模型的性能: 总测试次数: 15074 预测成功次数: 14168 预测失败次数: 906 预测准确率: 0.9398965105479634

#### 四. 总结

不同于其它分类器,朴素贝叶斯是一种基于概率理论的分类算法。特征之间的条件独立性假设,显然这种假设显得"粗鲁"而不符合实际,这也是名称中"朴素"的由来,然而事实证明,朴素贝叶斯在有些领域很有用,比如垃圾邮件过滤。

在具体的算法实施中,要考虑很多实际问题。比如因为"下溢"问题,需要对概率乘积取对数;再比如词集模型和词袋模型,还有停用词和无意义的高频词的剔除,以及大量的数据预处理问题等。

总的来说,朴素贝叶斯原理和实现都比较简单,学习和预测的效率都很高, 是一种经典而常用的分类算法。