확진자 확률 분포 만들기

데이터 서머리

형태

	patient_id	sex	age	country	province	city	infection_case	infected_by	contact_number	symptom_onset_date	confirmed_date	released_date	deceased_date	state
0	1000000001	male	50s	Korea	서울	강서구	overseas inflow	NaN	75	2020-01-22	2020-01-23	2020-02-05	NaN	released
1	1000000002	male	30s	Korea	서울	중랑구	overseas inflow	NaN	31	NaN	2020-01-30	2020-03-02	NaN	released
2	1000000003	male	50s	Korea	서울	종로구	contact with patient	2002000001	17	NaN	2020-01-30	2020-02-19	NaN	released
3	1000000004	male	20s	Korea	서울	마포구	overseas inflow	NaN	9	2020-01-26	2020-01-30	2020-02-15	NaN	released
4	1000000005	female	20s	Korea	서울	성북구	contact with patient	1000000002	2	NaN	2020-01-31	2020-02-24	NaN	released

각 컬럼별 결측치 갯수

```
patient_id
                          0
                       1122
sex
                       1380
age
country
                          0
province
                          0
city
                        94
infection_case
                       919
infected by
                       3819
contact number
                       4374
symptom_onset_date
                       4475
confirmed_date
                          3
released date
                       3578
deceased_date
                       5099
state
                          0
dtype: int64
```

각 컬럼별 정보

```
RangeIndex: 5165 entries, 0 to 5164
Data columns (total 14 columns):
                      Non-Null Count Dtype
    Column
---
                      _____
    patient id
                     5165 non-null int64
                     4043 non-null object
1
    sex
2
                      3785 non-null object
    age
                     5165 non-null
                                   object
    country
    province
                     5165 non-null
                                     object
    city
                      5071 non-null
                                    object
6
    infection_case
                     4246 non-null
                                     object
    infected_by
                                     object
7
                     1346 non-null
8
    contact_number
                      791 non-null
                                     object
    symptom_onset_date 690 non-null
                                     object
```

```
10 confirmed_date 5162 non-null object
11 released_date 1587 non-null object
12 deceased_date 66 non-null object
13 state 5165 non-null object
->
11 dt_confirmed_date 5162 non-null datetime64[ns]
12 dt_released_date 1587 non-null datetime64[ns]
13 dt_deceased_date 66 non-null datetime64[ns]
14 dt_released_date 66 non-null datetime64[ns]
15 dt_deceased_date 66 non-null datetime64[ns]
15 dtypes: int64(1), object(13)
```

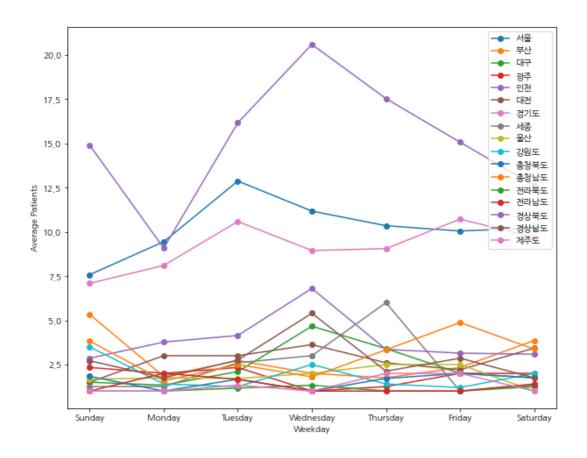
지역별 확진자수

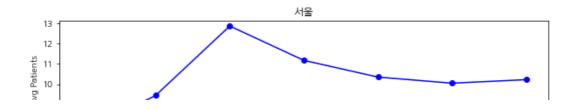
```
서울
      1312
경상북도
      1254
경기도
      1208
인천
       343
충청남도
       168
부산
       151
대구
       137
경상남도
       133
대전
       119
강원도
       63
충청북도
        56
울산
       55
세종
       51
광주
       44
전라북도
        27
전라남도
        25
제주도
        19
Name: province, dtype: int64
경산시 640
성남시 173
부천시 162
관악구 113
천안시
      110
Name: city, dtype: int64
```

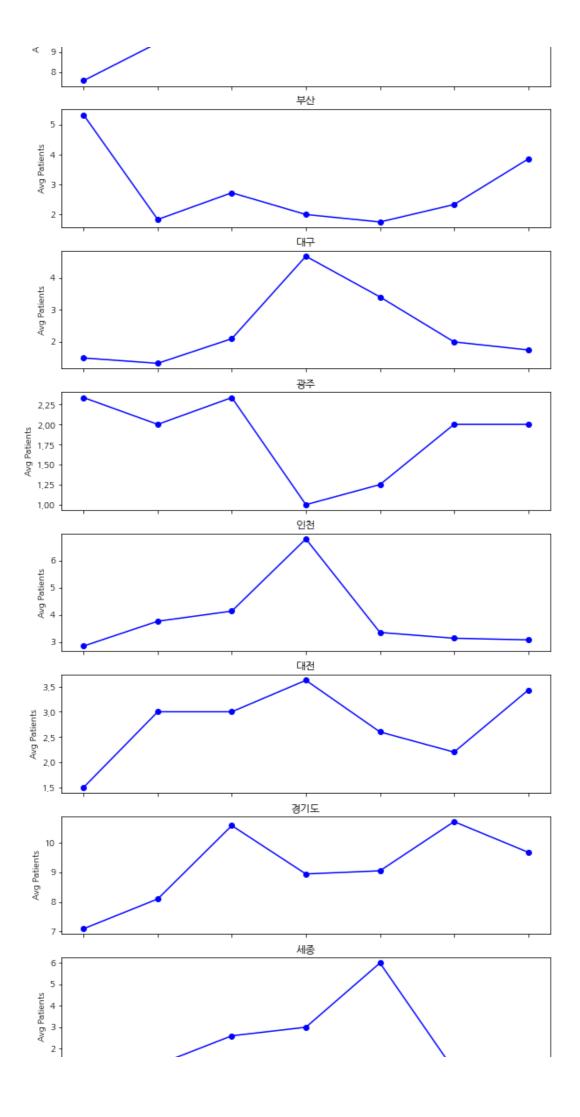
요일별 누적 확진자수

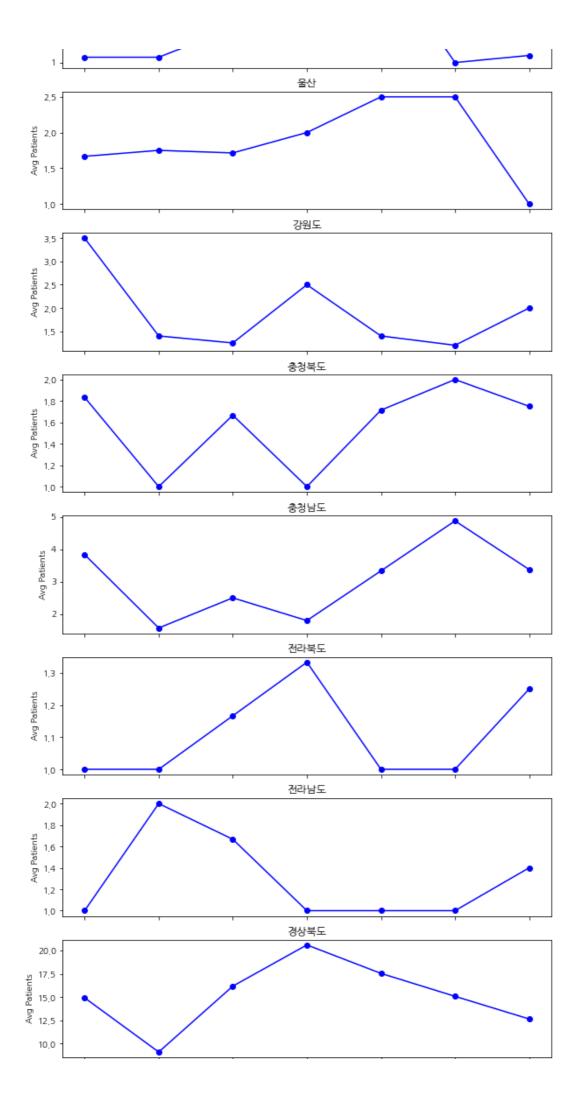
```
Tuesday 825
Friday 808
Thursday 800
Wednesday 790
Saturday 712
Sunday 648
Monday 579
Name: dt_confirmed_weekday, dtype: int64
```

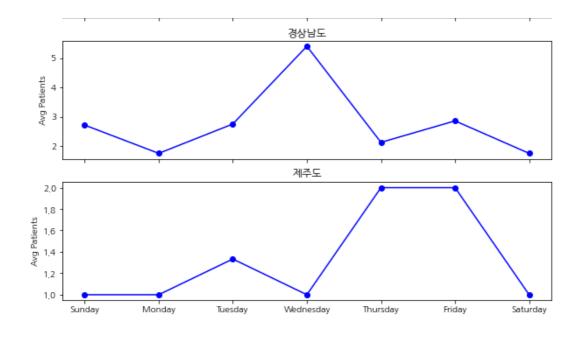
지역별 요일별 평균 확진자수











계보 알아보기

최초 감염자 찾기

- covid.infected_by.nunique() : unique 감염시킨 사람 606 명 (nan 제외)
- infected_by 에는 있는데 patient_id 에는 없는 확진자: 5명
 - o nan 2002000001 2017000005 1500000050, 1500000055 12702 6100000384
 - ㅇ 제외하고 진행
- 606 명 중 infected_by 가 NaN 인사람: 366 명
- n 차 감염된 사람: 235 명 (606 366)
- n 차 감염된 사람 중 서로 감염을 주고받은 사람: 22명
 - ㅇ 그중 자기 자신에게 감염된 사람: 4명

o 일부는 주고 받은 것 이외에 추가로 감염을 시킨 사람도 존재 (>1)

```
0 1100000028 1100000028 1
                            same
1 1300000010 1300000011 1
2 1300000011 1300000010 2
3 1500000042 1500000043 1
4 1500000043 1500000042 1
5 1500000047 1500000048 2
  1500000048 1500000047 1
6
7
  1500000108 1500000109 1
8 1500000109 1500000108 2
9 2000000854 2000000854 1
                            same
10 4100000006 4100000007 21
11 4100000007 4100000006 1
12 4100000052 4100000070 1
13 4100000070 4100000052 1
14 4100000116 4100000118 1
15 4100000118 4100000116 1
16 4100000121 4100000122 1
17 4100000122 4100000121 4
18 6004000072 6004000072 2 same
19 6009000007 6009000008 1
20 6009000008 6009000007 1
21 6100000066 6100000066 2
                            same
```

계보 찾기

● 계보 예시

- ㅇ 최초 감염자 366 명
- 계보 출력 예시

```
|------
|아이디: 1000000002
|성별: male
|나이대: 30s
|지역: 서울
```

지역간 감염전파

● 전체 지역 목록

```
['서울', '부산', '대구', '광주', '인천', '대전', '경기도', '세종', '울산', '강원도',
'충청북도', '충청남도', '전라북도', '전라남도', '경상북도', '경상남도', '제주도']
```

- ㅇ 전체 17개 지역
- 세부경로 (1사람 to 1사람) 기준으로 지역이 바뀐 경우 추출 & 지역이 바뀐 계보의 최초 감염자 추출

```
1 1000000023 서울 2000000048 경기도
2 1000000023 서울 2000000105 경기도
3 1000000023 서울 2000000137 경기도
4 1000000125 서울 2000000157 경기도
5 1000000125 서울 2000000158 경기도
6 1000000125 서울 2000000159 경기도
7 1000000125 서울 2000000160 경기도
8 1000000125 서울 2000000163 경기도
9 1000000125 서울 2000000164 경기도
10 1000000125 서울 2000000165 경기도
```

- 지역간 계보를 가진 최초 감염자 : 86 명 (336 명 중)
- 전파 지역 목록
 - Origin

```
13
['서울' '경기도' '부산' '대구' '광주' '인천' '대전' '세종' '울산' '충청남도' '전라북
도' '경상북도' '경상남도']
```

Destination

12 ['경기도' '충청남도' '대전' '울산' '경상북도' '경상남도' '전라남도' '전라북도' '서울' '세종' '대구' '부산']

- ㅇ 전라남도로 전파된 경우는 없었음
- 서울 to 부산 / 부산 to 서울 감염 사례
 - ㅇ 없음
 - \circ 서울 ightarrow 경기도, 충청남도 사례 있음
 - $\,\circ\,\,$ 부산 ightarrow 경기도 사례 있음
- 지역쌍 확인

Ori:			경기도	#:	220
Ori:	서울	Dest:	충청남도	#:	1
Ori:	경기도	Dest:	충청남도	#:	5
Ori:	경기도	Dest:	서울	#:	2
Ori:	부산	Dest:	경기도	#:	1
	· –				
Ori:	대구	Dest:	대전	#:	2
Ori:	대구	Dest:		#:	2
Ori:			 경기도	#:	
Ori:			경상북도	#:	
Ori:			경상남도	#:	
011:	네구	Dest:	99日エ	#:	2
Ori:	과즈	Doct	 전라남도	#:	
0ri:	생수	Dest:	전라 북 도	#:	3
0-4-	OI#I		~~~~~~		
0ri:	인전	υesτ:	경기도	#:	118
0		D+-	ue		
Ori:		Dest:	. —	#:	
Ori:			경기도	#:	
Ori:		Dest:		#:	6
Ori:		Dest:	충청남도	#:	10
Ori:	대전	Dest:	전라 북 도	#:	1
Ori:	대전	Dest:	대구	#:	3
Ori:	세종	Dest:	충청남도	#:	3
Ori:	울산	Dest:	전라남도	#:	1
Ori:	울산	Dest:	서울	#:	1
Ori:	충청남도	Dest:	대전	#:	4
Ori:	전라북도	Dest:	대전	#:	1
Ori:	경상북도	Dest:	경상남도	#:	2
	경상북도	Dest:		#:	
011.	904±	Des C:	20	" ·	
Ori:	 경상남도	Dest:	보사	#:	1
	경상남도		ㅜ년 충청남도	#:	
011:	99 <u>9</u> ±	Dest:	900T	#:	1
Total	. 417				
iota	l: 417				

• 지역간 전파 계보 중 40 번째 계보 예시

```
아이디:
        1000000963
성별:
        nan
1나이대:
        nan
        서울
        nan
확진날:
        2020-06-06
|원인:
        Yangcheon Table Tennis Club
        아이디:
                2000000940
        |성별:
                nan
        |나이대:
                nan
        지역:
                경기도
        보균자:
                1000000963
        확진날:
                2020-06-07
        원인:
                contact with patient
        아이디:
                2000000941
        |성별:
                nan
        |나이대:
                nan
        |지역:
                경기도
        보균자:
                1000000963
        확진날:
                2020-06-07
        원인:
                contact with patient
        아이디:
                2000001001
        |성별:
                nan
        |나이대:
                nan
                경기도
        지역:
        보균자:
                1000000963
        확진날:
                2020-06-11
        원인:
                contact with patient
```

o 대부분 최초 감염자일 경우 다른 infection_case 를 가지며, root 이외의 n 차 감염자의 원인은 전부 contact with patient 로 표시됨

감염자 정보

• 감염 사례 구분: infection case

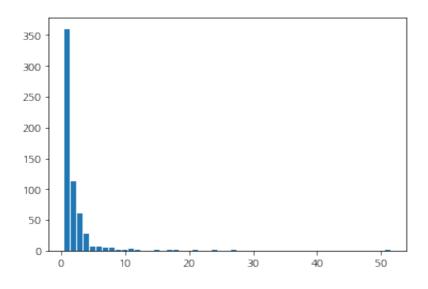
• 지역간 전파 계보가 있는 최초감염자중 대부분이 나이 / 성별이 결측값임

```
NaN
       39
male
       25
female 22
Name: sex, dtype: int64
NaN 45
50s 11
60s 11
40s
     8
20s 5
     3
30s
10s
     2
70s
     1
Name: age, dtype: int64
```

감염 분포도 구하기

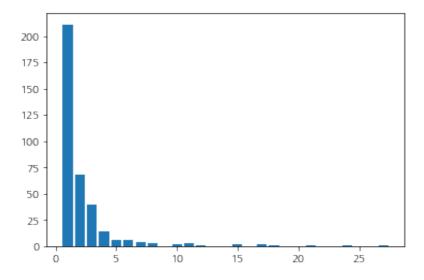
단순 감염자 분포 (감염시킨 이력이 있는 patient_id 기준)

```
{1: 360,
2: 113,
3: 61,
4: 27,
5: 7,
6: 7,
7: 4,
8: 4,
9: 1,
10: 2,
11: 3,
12: 1,
15: 2,
17: 2,
18: 1,
21: 2,
 24: 2,
 27: 1,
 51: 1}
```



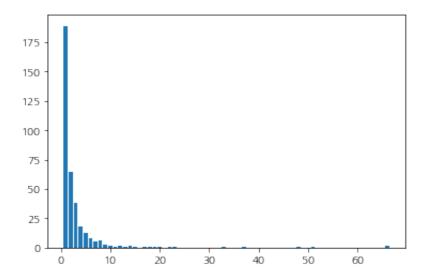
최초 감염자 분포

```
{1: 211,
 2: 68,
 3: 40,
 4: 14,
 5: 6,
 6: 6,
 7: 4,
 8: 3,
 10: 2,
 11: 3,
 12: 1,
 15: 2,
 17: 2,
 18: 1,
 21: 1,
 24: 1,
 27: 1}
```



최초 감염자 누적 분포 (전체 계보 트리 포함)

```
{1: 189,
 2: 65,
 3: 38,
 4: 18,
 5: 13,
 6: 8,
 7: 5,
 8: 6,
 9: 3,
 10: 2,
 11: 1,
 12: 2,
 13: 1,
 14: 2,
 15: 1,
 17: 1,
 18: 1,
 19: 1,
 20: 1,
 22: 1,
 23: 1,
 33: 1,
 37: 1,
 48: 1,
 51: 1,
 66: 2}
```



단순 감염자 분포 예측

```
Best fitting distribution: genextreme
Best p value: 9.293818801246002e-08
Parameters for the best fit: (-1.386526181436671, 1.5090348240149343e-19, 5.0740539012026565e-19)
```