Clim_evm73s144 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3/RERE |
Coerev_PIA15405.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3/RERE |
Spom_SPAC3H1.12c.1_pep | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3/RERE |
Cang_ORZ37380 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3/RERE |
Amac_KNE63416 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3/RERE |
Amac_KNE64603 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3/RERE |
Concor_KXN75030 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3/RERE |
Concor_KXN75034 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3/RERE |
Umay_KIS66588 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3/RERE |
Cneo_AAW43382 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3/RERE |
Ccin_EAU90390 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3/RERE |
Scer_YGL131C | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3/RERE |
Tmel_CAZ85992 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3/RERE |
Ncra_EAA29177 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3/RERE |
Spun_KNC99032 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3/RERE |
Gpro_KXS15155 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3/RERE |
Pisp_OUM66836.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3/RERE |
Bden_EGF82747 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3/RERE |
Morelo_OAQ28345 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3/RERE |
Umbram_247934 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3/RERE |
Pbla_XP_018298073.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3/RERE |
Plebac_Pbla_mRNA_2274 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3/RERE |
Pbla_XP_018298082.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3/RERE |
Plebac_Pbla_mRNA_2283 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3/RERE |
Rhidel_EIE76893 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3/RERE |
Rhidel_EIE91465 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3/RERE |
Mcir_OAD05589 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3/RERE |
Mcir_OAC98135 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3/RERE |
Sman_Smp_170540.1_pep | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | RERE |
Emul_CDS36557.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | RERE |
Hduj_OQV18282.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | RERE |
Aque_Aqu2.1.39143_001 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | RERE |
Emue_0008g1214a | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | RERE |
Tadh_P57654 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | RERE |
Exapal_XP_020913804.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | RERE |
Nvec_NVE14231 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | RERE |
Spis_XP_022789785_1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | RERE |
Adig_XP_015767733.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | RERE |
Hydvul_Sc4wPfr_259.g33668.t1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | RERE |
Clyhem_TCONS_00025296-protein | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | RERE |
Morvir_scaffold30.g28.t1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | RERE |
Auraur_scaffold802.g7.t5 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | RERE |
Auraur_scaffold802.g7.t1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | RERE |
Cgig_EKC19118 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | RERE |
Drer_ENSDARP00000102789.2 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | RERE |
Hsap_ENSP00000338629.3 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | RERE |
Apla_XP_022096937.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | RERE |
Spur_XP_030843011.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | RERE |
Cint_ENSCINP00000033016.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | RERE |
Skow_XP_006823033.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | RERE |
Ptyfla_pfl_40v0_9_20150316_1g13640.t1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | RERE |
Notgen_g27124.t1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | RERE |
Linana_g22728.t1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | RERE |
Phoaus_g13050.t1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | RERE |
Cscu_XP_023225793.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | RERE |
Lpol_XP_022250365.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | RERE |
Lpol_XP_022241223.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | RERE |
Lpol_XP_013785606.2 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | RERE |
Amobb2_AMBB2_09950.mRNA.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Sros_EGD79887 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Cowc_KJE92610 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Gthe_EKX44219 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Chrtob_KOO21253.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Tadh_P33395 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Hduj_OQV23938.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Ramvar_GAU89797.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Hduj_OQV23716.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Ramvar_GAU97304.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Emul_CDS36682.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Sman_Smp_168850.1_pep | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Sman_Smp_049730.2_pep | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Emul_CDI98103.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Morvir_scaffold258.g27.t1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Hydvul_Sc4wPfr_381.1.g32302.t1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Clyhem_TCONS_00010395-protein | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Adig_XP_015771731.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Spis_XP_022784370_1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Exapal_XP_020909215.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Nvec_NVE24950 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Nvec_NVE25412 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Mlei_ML0639_g10_t1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Ocar_g6846.t1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Scil_scpid34929 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Aque_Aqu2.1.40832_001 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Tetwil_Twilhelma_g10411.t2 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Tetwil_Twilhelma_g10411.t1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Emue_0019g560a | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Emue_0019g569a | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Skow_XP_006815799.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Spur_XP_030855621.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Apla_XP_022103205.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Bralan_BL23039_cuf8 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Cint_ENSCINP00000013282.3 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Hsap_ENSP00000333633.7 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1 |
Drer_ENSDARP00000152737.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1 |
Hsap_ENSP00000278823.2 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA2 |
Drer_ENSDARP00000071581.4 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA2 |
Hsap_ENSP00000385823.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA3 |
Drer_ENSDARP00000109572.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA3 |
Drer_ENSDARP00000134505.2 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA3 |
Lgig_LotgiP180212 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Helrob_HelroP187398 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Phoaus_g7162.t1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Ctel_CapteP184591 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Linana_g6737.t1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Cgig_EKC18877 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Lcom_lcpid205352 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Notgen_g13734.t1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Notgen_g3793.t1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Dpul_EFX84917 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Dmel_FBpp0303347 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Tcas_XP_008195933.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Tcas_XP_975498.3 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Cscu_XP_023230842.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Lpol_XP_022249422.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Lpol_XP_022251919.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Lpol_XP_022251920.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Lpol_XP_022248037.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Lpol_XP_013780198.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
Lpol_XP_022248036.1 | BAH.HG3.0:MTA1/MTA2/MTA3/RERE | MTA1/MTA2/MTA3 |
0.416667