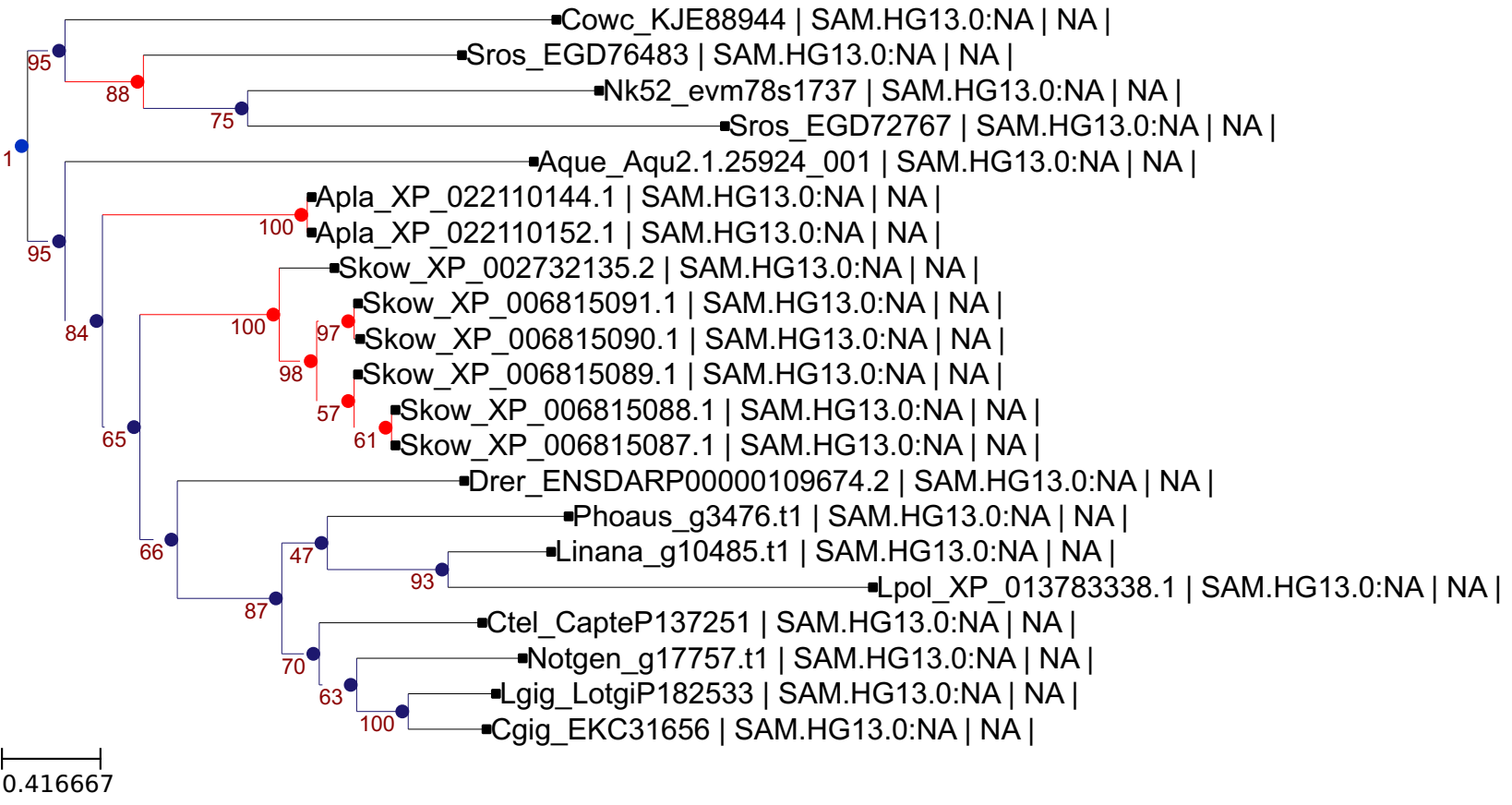
Cowc_KJE88944 | SAM.HG13.0:NA | NA |
Sros_EGD76483 | SAM.HG13.0:NA | NA |
Nk52_evm78s1737 | SAM.HG13.0:NA | NA |
Sros_EGD72767 | SAM.HG13.0:NA | NA |
Aque_Aqu2.1.25924_001 | SAM.HG13.0:NA | NA |
Apla_XP_022110144.1 | SAM.HG13.0:NA | NA |
Apla_XP_022110152.1 | SAM.HG13.0:NA | NA |
Skow_XP_002732135.2 | SAM.HG13.0:NA | NA |
Skow_XP_006815091.1 | SAM.HG13.0:NA | NA |
Skow_XP_006815090.1 | SAM.HG13.0:NA | NA |
Skow_XP_006815089.1 | SAM.HG13.0:NA | NA |
Skow_XP_006815088.1 | SAM.HG13.0:NA | NA |
Skow_XP_006815087.1 | SAM.HG13.0:NA | NA |
Drer_ENSDARP00000109674.2 | SAM.HG13.0:NA | NA |
Phoaus_g3476.t1 | SAM.HG13.0:NA | NA |
Linana_g10485.t1 | SAM.HG13.0:NA | NA |
Lpol_XP_013783338.1 | SAM.HG13.0:NA | NA |
Ctel_CapteP137251 | SAM.HG13.0:NA | NA |
Notgen_g17757.t1 | SAM.HG13.0:NA | NA |
Lgig_LotgiP182533 | SAM.HG13.0:NA | NA |
Cgig_EKC31656 | SAM.HG13.0:NA | NA |
95
88
75
1
95
100
84
100
97
98
57
61
65
66
47
93
87
70
63
100
0.416667