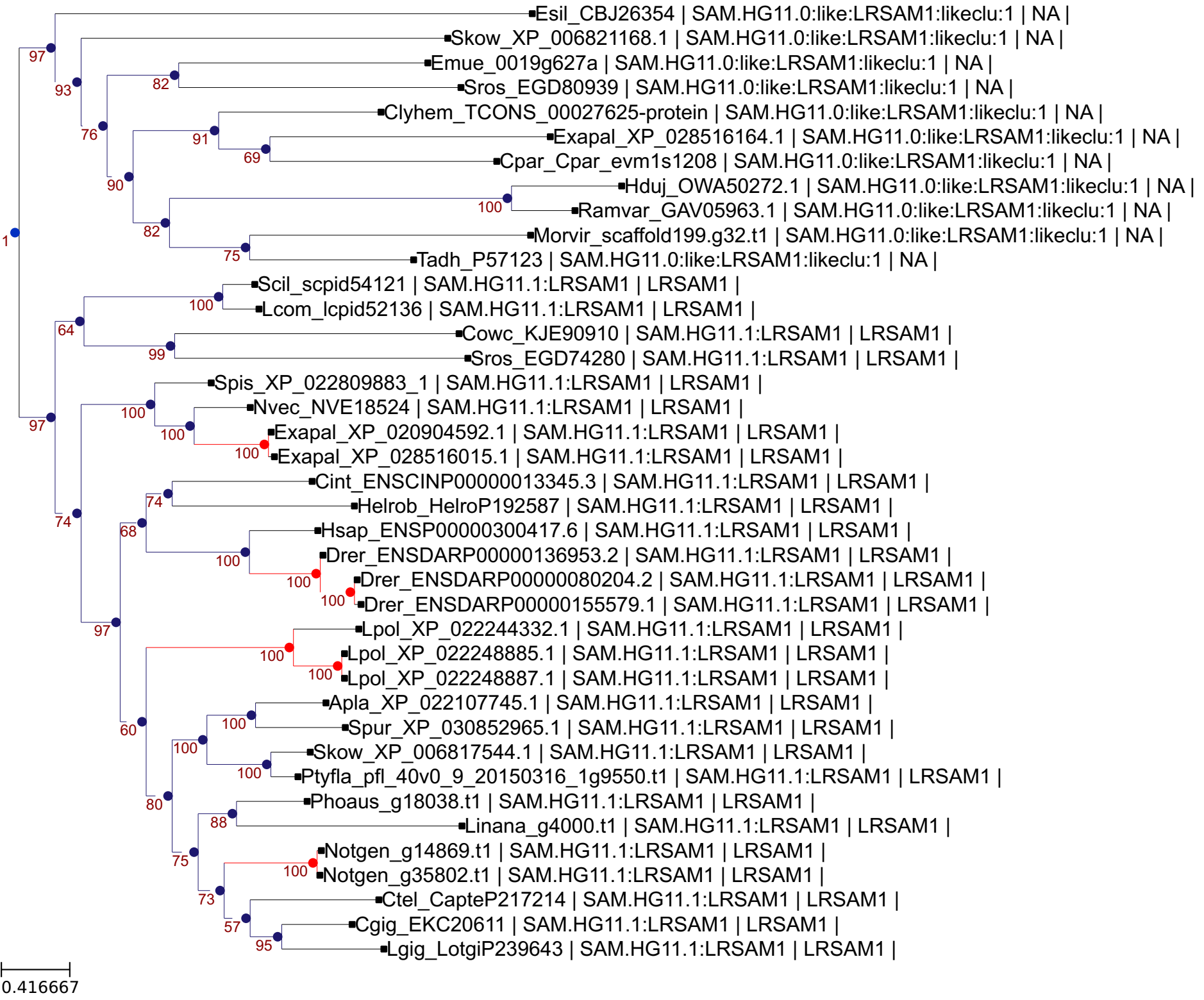
Esil_CBJ26354 | SAM.HG11.0:like:LRSAM1:likeclu:1 | NA |
Skow_XP_006821168.1 | SAM.HG11.0:like:LRSAM1:likeclu:1 | NA |
Emue_0019g627a | SAM.HG11.0:like:LRSAM1:likeclu:1 | NA |
Sros_EGD80939 | SAM.HG11.0:like:LRSAM1:likeclu:1 | NA |
Clyhem_TCONS_00027625-protein | SAM.HG11.0:like:LRSAM1:likeclu:1 | NA |
Exapal_XP_028516164.1 | SAM.HG11.0:like:LRSAM1:likeclu:1 | NA |
Cpar_Cpar_evm1s1208 | SAM.HG11.0:like:LRSAM1:likeclu:1 | NA |
Hduj_OWA50272.1 | SAM.HG11.0:like:LRSAM1:likeclu:1 | NA |
Ramvar_GAV05963.1 | SAM.HG11.0:like:LRSAM1:likeclu:1 | NA |
Morvir_scaffold199.g32.t1 | SAM.HG11.0:like:LRSAM1:likeclu:1 | NA |
Tadh_P57123 | SAM.HG11.0:like:LRSAM1:likeclu:1 | NA |
Scil_scpid54121 | SAM.HG11.1:LRSAM1 | LRSAM1 |
Lcom_lcpid52136 | SAM.HG11.1:LRSAM1 | LRSAM1 |
Cowc_KJE90910 | SAM.HG11.1:LRSAM1 | LRSAM1 |
Sros_EGD74280 | SAM.HG11.1:LRSAM1 | LRSAM1 |
Spis_XP_022809883_1 | SAM.HG11.1:LRSAM1 | LRSAM1 |
Nvec_NVE18524 | SAM.HG11.1:LRSAM1 | LRSAM1 |
Exapal_XP_020904592.1 | SAM.HG11.1:LRSAM1 | LRSAM1 |
Exapal_XP_028516015.1 | SAM.HG11.1:LRSAM1 | LRSAM1 |
Cint_ENSCINP00000013345.3 | SAM.HG11.1:LRSAM1 | LRSAM1 |
Helrob_HelroP192587 | SAM.HG11.1:LRSAM1 | LRSAM1 |
Hsap_ENSP00000300417.6 | SAM.HG11.1:LRSAM1 | LRSAM1 |
Drer_ENSDARP00000136953.2 | SAM.HG11.1:LRSAM1 | LRSAM1 |
Drer_ENSDARP00000080204.2 | SAM.HG11.1:LRSAM1 | LRSAM1 |
Drer_ENSDARP00000155579.1 | SAM.HG11.1:LRSAM1 | LRSAM1 |
Lpol_XP_022244332.1 | SAM.HG11.1:LRSAM1 | LRSAM1 |
Lpol_XP_022248885.1 | SAM.HG11.1:LRSAM1 | LRSAM1 |
Lpol_XP_022248887.1 | SAM.HG11.1:LRSAM1 | LRSAM1 |
Apla_XP_022107745.1 | SAM.HG11.1:LRSAM1 | LRSAM1 |
Spur_XP_030852965.1 | SAM.HG11.1:LRSAM1 | LRSAM1 |
Skow_XP_006817544.1 | SAM.HG11.1:LRSAM1 | LRSAM1 |
Ptyfla_pfl_40v0_9_20150316_1g9550.t1 | SAM.HG11.1:LRSAM1 | LRSAM1 |
Phoaus_g18038.t1 | SAM.HG11.1:LRSAM1 | LRSAM1 |
Linana_g4000.t1 | SAM.HG11.1:LRSAM1 | LRSAM1 |
Notgen_g14869.t1 | SAM.HG11.1:LRSAM1 | LRSAM1 |
Notgen_g35802.t1 | SAM.HG11.1:LRSAM1 | LRSAM1 |
Ctel_CapteP217214 | SAM.HG11.1:LRSAM1 | LRSAM1 |
Cgig_EKC20611 | SAM.HG11.1:LRSAM1 | LRSAM1 |
Lgig_LotgiP239643 | SAM.HG11.1:LRSAM1 | LRSAM1 |
0.416667