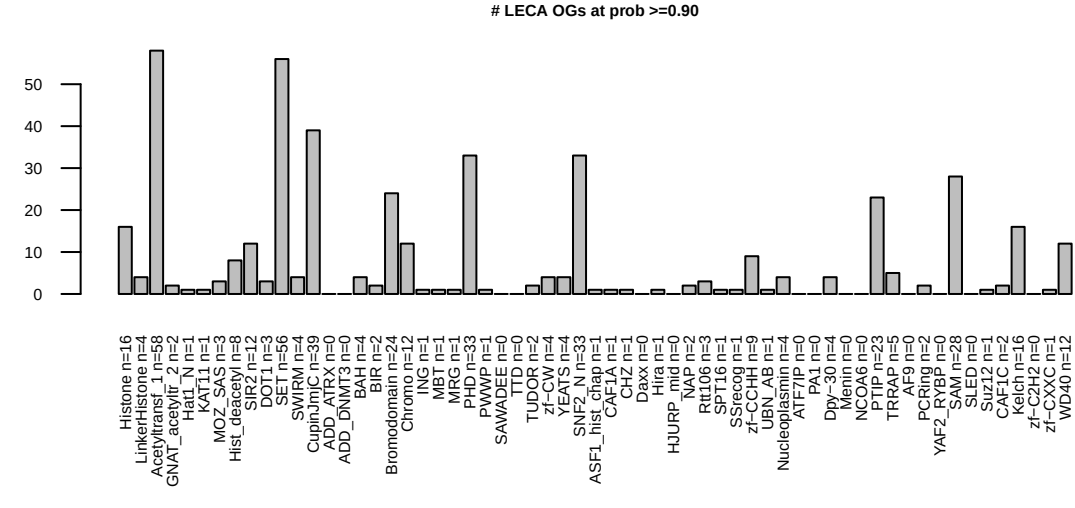
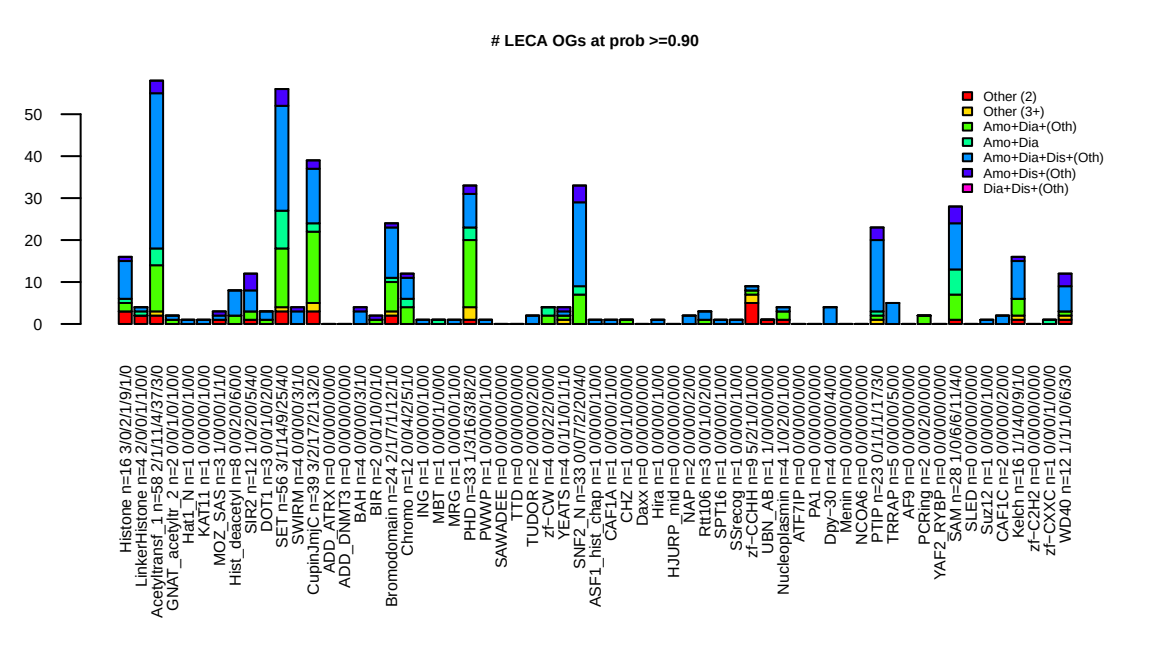
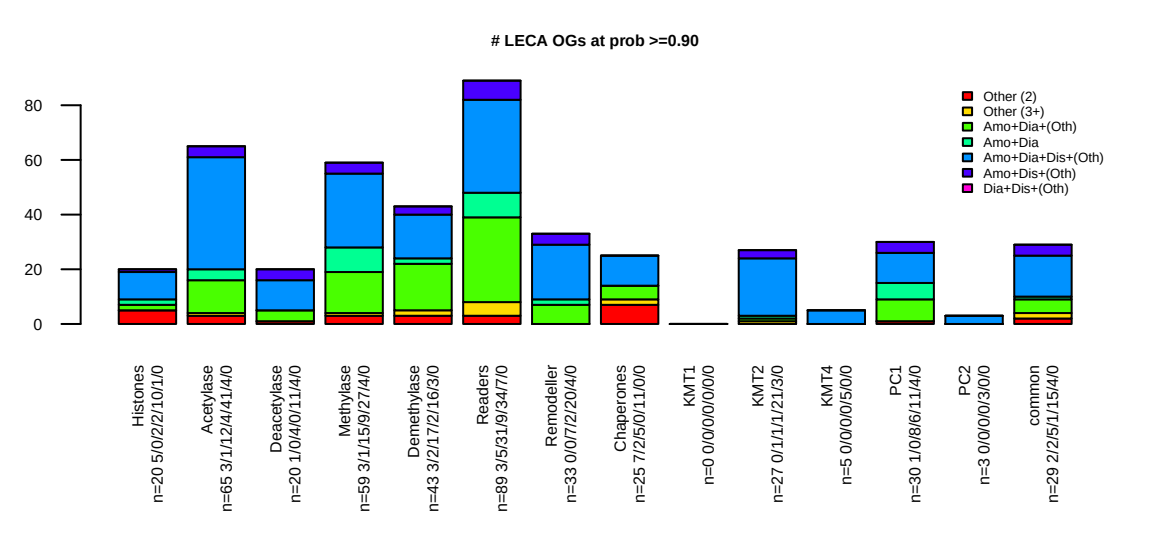
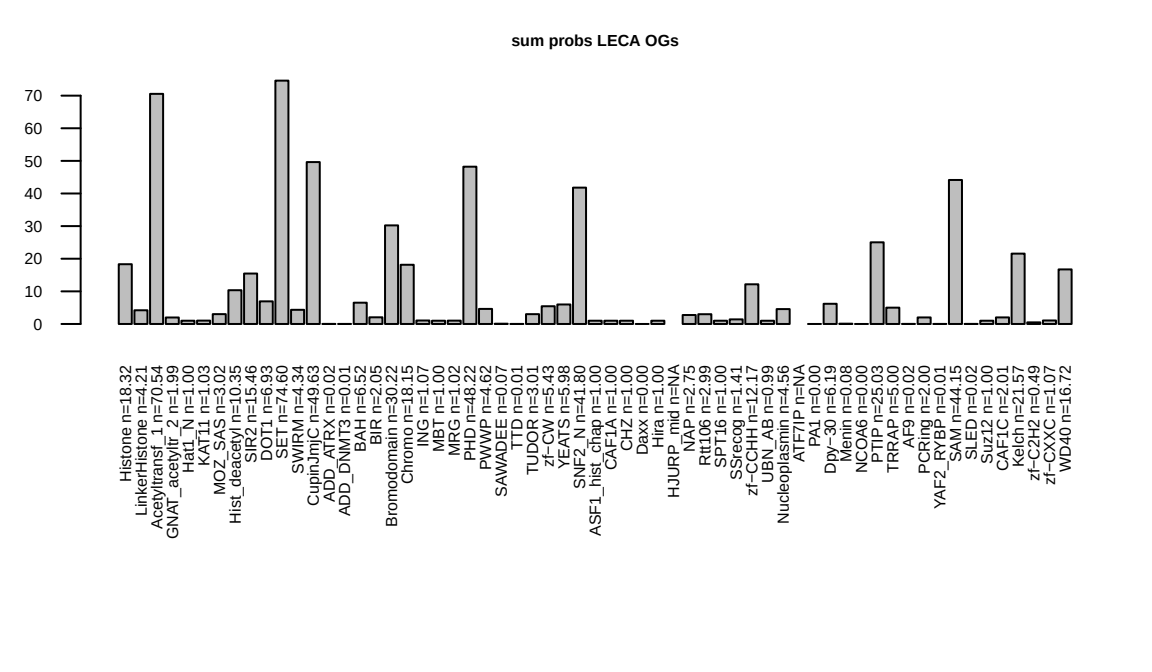

LECA OGs at prob >=0.90
0
10
20
30
40
50
Histone n=16
LinkerHistone n=4
Acetyltransf_1 n=58
GNAT_acetyltr_2 n=2
Hat1_N n=1
KAT11 n=1
MOZ_SAS n=3
Hist_deacetyl n=8
SIR2 n=12
DOT1 n=3
SET n=56
SWIRM n=4
CupinJmjC n=39
ADD_ATRX n=0
ADD_DNMT3 n=0
BAH n=4
BIR n=2
Bromodomain n=24
Chromo n=12
ING n=1
MBT n=1
MRG n=1
PHD n=33
PWWP n=1
SAWADEE n=0
TTD n=0
TUDOR n=2
zf-CW n=4
YEATS n=4
SNF2_N n=33
ASF1_hist_chap n=1
CAF1A n=1
CHZ n=1
Daxx n=0
Hira n=1
HJURP_mid n=0
NAP n=2
Rtt106 n=3
SPT16 n=1
SSrecog n=1
zf-CCHH n=9
UBN_AB n=1
Nucleoplasmin n=4
ATF7IP n=0
PA1 n=0
Dpy-30 n=4
Menin n=0
NCOA6 n=0
PTIP n=23
TRRAP n=5
AF9 n=0
PCRing n=2
YAF2_RYBP n=0
SAM n=28
SLED n=0
Suz12 n=1
CAF1C n=2
Kelch n=16
zf-C2H2 n=0
zf-CXXC n=1
WD40 n=12


LECA OGs at prob >=0.90
Other (2)
Other (3+)
Amo+Dia+(Oth)
Amo+Dia
Amo+Dia+Dis+(Oth)
Amo+Dis+(Oth)
Dia+Dis+(Oth)
0
10
20
30
40
50
Histone n=16 3/0/2/1/9/1/0
LinkerHistone n=4 2/0/0/1/1/0/0
Acetyltransf_1 n=58 2/1/11/4/37/3/0
GNAT_acetyltr_2 n=2 0/0/1/0/1/0/0
Hat1_N n=1 0/0/0/0/1/0/0
KAT11 n=1 0/0/0/0/1/0/0
MOZ_SAS n=3 1/0/0/0/1/1/0
Hist_deacetyl n=8 0/0/2/0/6/0/0
SIR2 n=12 1/0/2/0/5/4/0
DOT1 n=3 0/0/1/0/2/0/0
SET n=56 3/1/14/9/25/4/0
SWIRM n=4 0/0/0/0/3/1/0
CupinJmjC n=39 3/2/17/2/13/2/0
ADD_ATRX n=0 0/0/0/0/0/0/0
ADD_DNMT3 n=0 0/0/0/0/0/0/0
BAH n=4 0/0/0/0/3/1/0
BIR n=2 0/0/1/0/0/1/0
Bromodomain n=24 2/1/7/1/12/1/0
Chromo n=12 0/0/4/2/5/1/0
ING n=1 0/0/0/0/1/0/0
MBT n=1 0/0/0/1/0/0/0
MRG n=1 0/0/0/0/1/0/0
PHD n=33 1/3/16/3/8/2/0
PWWP n=1 0/0/0/0/1/0/0
SAWADEE n=0 0/0/0/0/0/0/0
TTD n=0 0/0/0/0/0/0/0
TUDOR n=2 0/0/0/0/2/0/0
zf-CW n=4 0/0/2/2/0/0/0
YEATS n=4 0/1/1/0/1/1/0
SNF2_N n=33 0/0/7/2/20/4/0
ASF1_hist_chap n=1 0/0/0/0/1/0/0
CAF1A n=1 0/0/0/0/1/0/0
CHZ n=1 0/0/1/0/0/0/0
Daxx n=0 0/0/0/0/0/0/0
Hira n=1 0/0/0/0/1/0/0
HJURP_mid n=0 0/0/0/0/0/0/0
NAP n=2 0/0/0/0/2/0/0
Rtt106 n=3 0/0/1/0/2/0/0
SPT16 n=1 0/0/0/0/1/0/0
SSrecog n=1 0/0/0/0/1/0/0
zf-CCHH n=9 5/2/1/0/1/0/0
UBN_AB n=1 1/0/0/0/0/0/0
Nucleoplasmin n=4 1/0/2/0/1/0/0
ATF7IP n=0 0/0/0/0/0/0/0
PA1 n=0 0/0/0/0/0/0/0
Dpy-30 n=4 0/0/0/0/4/0/0
Menin n=0 0/0/0/0/0/0/0
NCOA6 n=0 0/0/0/0/0/0/0
PTIP n=23 0/1/1/1/17/3/0
TRRAP n=5 0/0/0/0/5/0/0
AF9 n=0 0/0/0/0/0/0/0
PCRing n=2 0/0/2/0/0/0/0
YAF2_RYBP n=0 0/0/0/0/0/0/0
SAM n=28 1/0/6/6/11/4/0
SLED n=0 0/0/0/0/0/0/0
Suz12 n=1 0/0/0/0/1/0/0
CAF1C n=2 0/0/0/0/2/0/0
Kelch n=16 1/1/4/0/9/1/0
zf-C2H2 n=0 0/0/0/0/0/0/0
zf-CXXC n=1 0/0/0/1/0/0/0
WD40 n=12 1/1/1/0/6/3/0


LECA OGs at prob >=0.90
Other (2)
Other (3+)
Amo+Dia+(Oth)
Amo+Dia
Amo+Dia+Dis+(Oth)
Amo+Dis+(Oth)
Dia+Dis+(Oth)
0
20
40
60
80
Histones n=20 5/0/2/2/10/1/0
Acetylase n=65 3/1/12/4/41/4/0
Deacetylase n=20 1/0/4/0/11/4/0
Methylase n=59 3/1/15/9/27/4/0
Demethylase n=43 3/2/17/2/16/3/0
Readers n=89 3/5/31/9/34/7/0
Remodeller n=33 0/0/7/2/20/4/0
Chaperones n=25 7/2/5/0/11/0/0
KMT1 n=0 0/0/0/0/0/0/0
KMT2 n=27 0/1/1/1/21/3/0
KMT4 n=5 0/0/0/0/5/0/0
PC1 n=30 1/0/8/6/11/4/0
PC2 n=3 0/0/0/0/3/0/0
common n=29 2/2/5/1/15/4/0


sum probs LECA OGs
70
60
50
40
30
20
10
0
Histone n=18.32
LinkerHistone n=4.21
Acetyltransf_1 n=70.54
GNAT_acetyltr_2 n=1.99
Hat1_N n=1.00
KAT11 n=1.03
MOZ_SAS n=3.02
Hist_deacetyl n=10.35
SIR2 n=15.46
DOT1 n=6.93
SET n=74.60
SWIRM n=4.34
CupinJmjC n=49.63
ADD_ATRX n=0.02
ADD_DNMT3 n=0.01
BAH n=6.52
BIR n=2.05
Bromodomain n=30.22
Chromo n=18.15
ING n=1.07
MBT n=1.00
MRG n=1.02
PHD n=48.22
PWWP n=4.62
SAWADEE n=0.07
TTD n=0.01
TUDOR n=3.01
zf−CW n=5.43
YEATS n=5.98
SNF2_N n=41.80
ASF1_hist_chap n=1.00
CAF1A n=1.00
CHZ n=1.00
Daxx n=0.00
Hira n=1.00
HJURP_mid n=NA
NAP n=2.75
Rtt106 n=2.99
SPT16 n=1.00
SSrecog n=1.41
zf−CCHH n=12.17
UBN_AB n=0.99
Nucleoplasmin n=4.56
ATF7IP n=NA
PA1 n=0.00
Dpy−30 n=6.19
Menin n=0.08
NCOA6 n=0.00
PTIP n=25.03
TRRAP n=5.00
AF9 n=0.02
PCRing n=2.00
YAF2_RYBP n=0.01
SAM n=44.15
SLED n=0.02
Suz12 n=1.00
CAF1C n=2.01
Kelch n=21.57
zf−C2H2 n=0.49
zf−CXXC n=1.07
WD40 n=16.72