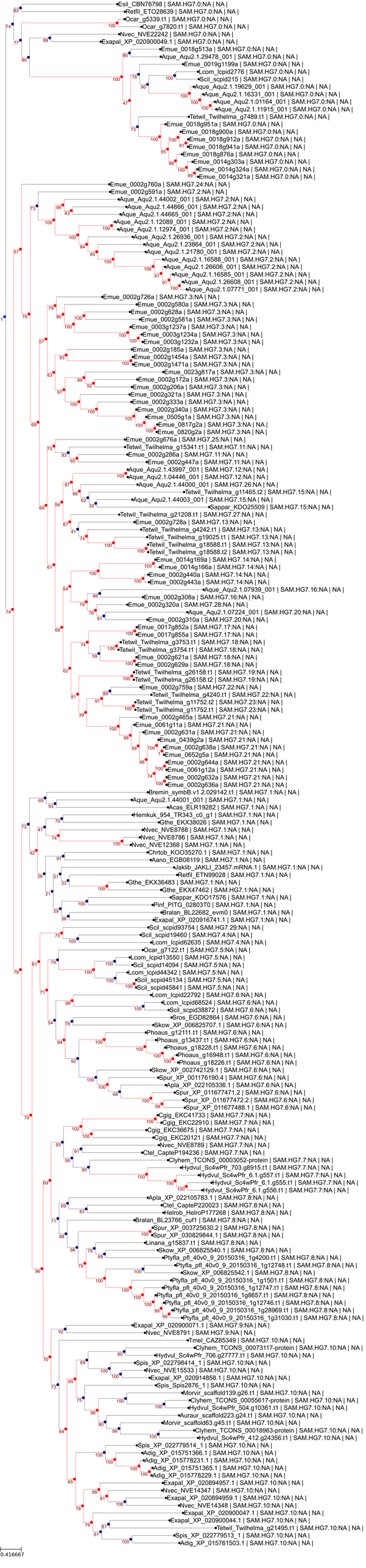
Esil_CBN76798 | SAM.HG7.0:NA | NA |
Retfil_ETO28639 | SAM.HG7.0:NA | NA |
Ocar_g5339.t1 | SAM.HG7.0:NA | NA |
Ocar_g7820.t1 | SAM.HG7.0:NA | NA |
Nvec_NVE22242 | SAM.HG7.0:NA | NA |
Exapal_XP_020900049.1 | SAM.HG7.0:NA | NA |
Emue_0018g513a | SAM.HG7.0:NA | NA |
Aque_Aqu2.1.29478_001 | SAM.HG7.0:NA | NA |
Emue_0019g1199a | SAM.HG7.0:NA | NA |
Lcom_lcpid2776 | SAM.HG7.0:NA | NA |
Scil_scpid215 | SAM.HG7.0:NA | NA |
Aque_Aqu2.1.19629_001 | SAM.HG7.0:NA | NA |
Aque_Aqu2.1.16331_001 | SAM.HG7.0:NA | NA |
Aque_Aqu2.1.01164_001 | SAM.HG7.0:NA | NA |
Aque_Aqu2.1.11915_001 | SAM.HG7.0:NA | NA |
Tetwil_Twilhelma_g7489.t1 | SAM.HG7.0:NA | NA |
Emue_0018g951a | SAM.HG7.0:NA | NA |
Emue_0018g900a | SAM.HG7.0:NA | NA |
Emue_0018g912a | SAM.HG7.0:NA | NA |
Emue_0018g941a | SAM.HG7.0:NA | NA |
Emue_0018g876a | SAM.HG7.0:NA | NA |
Emue_0014g303a | SAM.HG7.0:NA | NA |
Emue_0014g324a | SAM.HG7.0:NA | NA |
Emue_0014g321a | SAM.HG7.0:NA | NA |
Emue_0002g760a | SAM.HG7.24:NA | NA |
Emue_0002g591a | SAM.HG7.2:NA | NA |
Aque_Aqu2.1.44002_001 | SAM.HG7.2:NA | NA |
Aque_Aqu2.1.44666_001 | SAM.HG7.2:NA | NA |
Aque_Aqu2.1.44665_001 | SAM.HG7.2:NA | NA |
Aque_Aqu2.1.12089_001 | SAM.HG7.2:NA | NA |
Aque_Aqu2.1.12974_001 | SAM.HG7.2:NA | NA |
Aque_Aqu2.1.26936_001 | SAM.HG7.2:NA | NA |
Aque_Aqu2.1.23864_001 | SAM.HG7.2:NA | NA |
Aque_Aqu2.1.21780_001 | SAM.HG7.2:NA | NA |
Aque_Aqu2.1.16588_001 | SAM.HG7.2:NA | NA |
Aque_Aqu2.1.26606_001 | SAM.HG7.2:NA | NA |
Aque_Aqu2.1.16585_001 | SAM.HG7.2:NA | NA |
Aque_Aqu2.1.26608_001 | SAM.HG7.2:NA | NA |
Aque_Aqu2.1.07771_001 | SAM.HG7.2:NA | NA |
Emue_0002g726a | SAM.HG7.3:NA | NA |
Emue_0002g580a | SAM.HG7.3:NA | NA |
Emue_0002g628a | SAM.HG7.3:NA | NA |
Emue_0002g581a | SAM.HG7.3:NA | NA |
Emue_0003g1237a | SAM.HG7.3:NA | NA |
Emue_0003g1234a | SAM.HG7.3:NA | NA |
Emue_0003g1232a | SAM.HG7.3:NA | NA |
Emue_0002g185a | SAM.HG7.3:NA | NA |
Emue_0002g1454a | SAM.HG7.3:NA | NA |
Emue_0002g1471a | SAM.HG7.3:NA | NA |
Emue_0023g817a | SAM.HG7.3:NA | NA |
Emue_0002g172a | SAM.HG7.3:NA | NA |
Emue_0002g206a | SAM.HG7.3:NA | NA |
Emue_0002g321a | SAM.HG7.3:NA | NA |
Emue_0002g333a | SAM.HG7.3:NA | NA |
Emue_0002g340a | SAM.HG7.3:NA | NA |
Emue_0505g1a | SAM.HG7.3:NA | NA |
Emue_0817g2a | SAM.HG7.3:NA | NA |
Emue_0820g2a | SAM.HG7.3:NA | NA |
Emue_0002g676a | SAM.HG7.25:NA | NA |
Tetwil_Twilhelma_g15341.t1 | SAM.HG7.11:NA | NA |
Emue_0002g286a | SAM.HG7.11:NA | NA |
Emue_0002g447a | SAM.HG7.11:NA | NA |
Aque_Aqu2.1.43997_001 | SAM.HG7.12:NA | NA |
Aque_Aqu2.1.04446_001 | SAM.HG7.12:NA | NA |
Aque_Aqu2.1.44000_001 | SAM.HG7.16:NA | NA |
Tetwil_Twilhelma_g11465.t2 | SAM.HG7.15:NA | NA |
Aque_Aqu2.1.44003_001 | SAM.HG7.15:NA | NA |
Sappar_KDO25509 | SAM.HG7.15:NA | NA |
Tetwil_Twilhelma_g21208.t1 | SAM.HG7.27:NA | NA |
Emue_0002g728a | SAM.HG7.13:NA | NA |
Tetwil_Twilhelma_g4242.t1 | SAM.HG7.13:NA | NA |
Tetwil_Twilhelma_g19025.t1 | SAM.HG7.13:NA | NA |
Tetwil_Twilhelma_g18588.t1 | SAM.HG7.13:NA | NA |
Tetwil_Twilhelma_g18588.t2 | SAM.HG7.13:NA | NA |
Emue_0014g169a | SAM.HG7.14:NA | NA |
Emue_0014g166a | SAM.HG7.14:NA | NA |
Emue_0002g440a | SAM.HG7.14:NA | NA |
Emue_0002g443a | SAM.HG7.14:NA | NA |
Aque_Aqu2.1.07939_001 | SAM.HG7.16:NA | NA |
Emue_0002g308a | SAM.HG7.16:NA | NA |
Emue_0002g320a | SAM.HG7.28:NA | NA |
Aque_Aqu2.1.07224_001 | SAM.HG7.20:NA | NA |
Emue_0002g310a | SAM.HG7.20:NA | NA |
Emue_0017g852a | SAM.HG7.17:NA | NA |
Emue_0017g855a | SAM.HG7.17:NA | NA |
Tetwil_Twilhelma_g3753.t1 | SAM.HG7.18:NA | NA |
Tetwil_Twilhelma_g3754.t1 | SAM.HG7.18:NA | NA |
Emue_0002g621a | SAM.HG7.18:NA | NA |
Emue_0002g629a | SAM.HG7.18:NA | NA |
Tetwil_Twilhelma_g26158.t1 | SAM.HG7.19:NA | NA |
Tetwil_Twilhelma_g26158.t2 | SAM.HG7.19:NA | NA |
Emue_0002g759a | SAM.HG7.22:NA | NA |
Tetwil_Twilhelma_g4240.t1 | SAM.HG7.22:NA | NA |
Tetwil_Twilhelma_g11752.t2 | SAM.HG7.23:NA | NA |
Tetwil_Twilhelma_g11752.t1 | SAM.HG7.23:NA | NA |
Emue_0002g465a | SAM.HG7.21:NA | NA |
Emue_0061g11a | SAM.HG7.21:NA | NA |
Emue_0002g631a | SAM.HG7.21:NA | NA |
Emue_0439g2a | SAM.HG7.21:NA | NA |
Emue_0002g638a | SAM.HG7.21:NA | NA |
Emue_0652g5a | SAM.HG7.21:NA | NA |
Emue_0002g644a | SAM.HG7.21:NA | NA |
Emue_0061g12a | SAM.HG7.21:NA | NA |
Emue_0002g632a | SAM.HG7.21:NA | NA |
Emue_0002g636a | SAM.HG7.21:NA | NA |
Bremin_symbB.v1.2.029142.t1 | SAM.HG7.1:NA | NA |
Aque_Aqu2.1.44001_001 | SAM.HG7.1:NA | NA |
Acas_ELR19282 | SAM.HG7.1:NA | NA |
Hemkuk_954_TR343_c0_g1 | SAM.HG7.1:NA | NA |
Gthe_EKX38026 | SAM.HG7.1:NA | NA |
Nvec_NVE8788 | SAM.HG7.1:NA | NA |
Nvec_NVE8786 | SAM.HG7.1:NA | NA |
Nvec_NVE12368 | SAM.HG7.1:NA | NA |
Chrtob_KOO35270.1 | SAM.HG7.1:NA | NA |
Aano_EGB08119 | SAM.HG7.1:NA | NA |
Jaklib_JAKLJ_23457.mRNA.1 | SAM.HG7.1:NA | NA |
Retfil_ETN99028 | SAM.HG7.1:NA | NA |
Gthe_EKX36483 | SAM.HG7.1:NA | NA |
Gthe_EKX47462 | SAM.HG7.1:NA | NA |
Sappar_KDO17576 | SAM.HG7.1:NA | NA |
Pinf_PITG_02803T0 | SAM.HG7.1:NA | NA |
Bralan_BL22682_evm0 | SAM.HG7.1:NA | NA |
Exapal_XP_020916741.1 | SAM.HG7.1:NA | NA |
Scil_scpid93754 | SAM.HG7.29:NA | NA |
Scil_scpid19460 | SAM.HG7.4:NA | NA |
Lcom_lcpid62635 | SAM.HG7.4:NA | NA |
Ocar_g7122.t1 | SAM.HG7.5:NA | NA |
Lcom_lcpid13550 | SAM.HG7.5:NA | NA |
Scil_scpid14094 | SAM.HG7.5:NA | NA |
Lcom_lcpid44342 | SAM.HG7.5:NA | NA |
Scil_scpid45134 | SAM.HG7.5:NA | NA |
Scil_scpid45841 | SAM.HG7.5:NA | NA |
Lcom_lcpid22792 | SAM.HG7.6:NA | NA |
Lcom_lcpid68524 | SAM.HG7.6:NA | NA |
Scil_scpid38872 | SAM.HG7.6:NA | NA |
Sros_EGD82864 | SAM.HG7.6:NA | NA |
Skow_XP_006825707.1 | SAM.HG7.6:NA | NA |
Phoaus_g12111.t1 | SAM.HG7.6:NA | NA |
Phoaus_g13437.t1 | SAM.HG7.6:NA | NA |
Phoaus_g18228.t1 | SAM.HG7.6:NA | NA |
Phoaus_g16948.t1 | SAM.HG7.6:NA | NA |
Phoaus_g18226.t1 | SAM.HG7.6:NA | NA |
Skow_XP_002742129.1 | SAM.HG7.6:NA | NA |
Spur_XP_001176190.4 | SAM.HG7.6:NA | NA |
Apla_XP_022105336.1 | SAM.HG7.6:NA | NA |
Spur_XP_011677471.2 | SAM.HG7.6:NA | NA |
Spur_XP_011677472.2 | SAM.HG7.6:NA | NA |
Spur_XP_011677488.1 | SAM.HG7.6:NA | NA |
Cgig_EKC41733 | SAM.HG7.7:NA | NA |
Cgig_EKC22910 | SAM.HG7.7:NA | NA |
Cgig_EKC36675 | SAM.HG7.7:NA | NA |
Cgig_EKC20121 | SAM.HG7.7:NA | NA |
Nvec_NVE8789 | SAM.HG7.7:NA | NA |
Ctel_CapteP194236 | SAM.HG7.7:NA | NA |
Clyhem_TCONS_00003052-protein | SAM.HG7.7:NA | NA |
Hydvul_Sc4wPfr_703.g8915.t1 | SAM.HG7.7:NA | NA |
Hydvul_Sc4wPfr_6.1.g557.t1 | SAM.HG7.7:NA | NA |
Hydvul_Sc4wPfr_6.1.g555.t1 | SAM.HG7.7:NA | NA |
Hydvul_Sc4wPfr_6.1.g556.t1 | SAM.HG7.7:NA | NA |
Apla_XP_022105783.1 | SAM.HG7.8:NA | NA |
Ctel_CapteP220023 | SAM.HG7.8:NA | NA |
Helrob_HelroP177268 | SAM.HG7.8:NA | NA |
Bralan_BL23766_cuf1 | SAM.HG7.8:NA | NA |
Spur_XP_003725630.2 | SAM.HG7.8:NA | NA |
Spur_XP_030829844.1 | SAM.HG7.8:NA | NA |
Linana_g15637.t1 | SAM.HG7.8:NA | NA |
Skow_XP_006825540.1 | SAM.HG7.8:NA | NA |
Ptyfla_pfl_40v0_9_20150316_1g4200.t1 | SAM.HG7.8:NA | NA |
Ptyfla_pfl_40v0_9_20150316_1g12748.t1 | SAM.HG7.8:NA | NA |
Skow_XP_006825542.1 | SAM.HG7.8:NA | NA |
Ptyfla_pfl_40v0_9_20150316_1g1501.t1 | SAM.HG7.8:NA | NA |
Ptyfla_pfl_40v0_9_20150316_1g12747.t1 | SAM.HG7.8:NA | NA |
Ptyfla_pfl_40v0_9_20150316_1g8657.t1 | SAM.HG7.8:NA | NA |
Ptyfla_pfl_40v0_9_20150316_1g12746.t1 | SAM.HG7.8:NA | NA |
Ptyfla_pfl_40v0_9_20150316_1g28969.t1 | SAM.HG7.8:NA | NA |
Ptyfla_pfl_40v0_9_20150316_1g31030.t1 | SAM.HG7.8:NA | NA |
Exapal_XP_020900071.1 | SAM.HG7.9:NA | NA |
Nvec_NVE8791 | SAM.HG7.9:NA | NA |
Tmel_CAZ85349 | SAM.HG7.10:NA | NA |
Clyhem_TCONS_00073117-protein | SAM.HG7.10:NA | NA |
Hydvul_Sc4wPfr_706.g27777.t1 | SAM.HG7.10:NA | NA |
Spis_XP_022798414_1 | SAM.HG7.10:NA | NA |
Nvec_NVE15533 | SAM.HG7.10:NA | NA |
Exapal_XP_020914858.1 | SAM.HG7.10:NA | NA |
Spis_Spis2876_1 | SAM.HG7.10:NA | NA |
Morvir_scaffold139.g26.t1 | SAM.HG7.10:NA | NA |
Clyhem_TCONS_00055617-protein | SAM.HG7.10:NA | NA |
Hydvul_Sc4wPfr_504.g10361.t1 | SAM.HG7.10:NA | NA |
Auraur_scaffold223.g24.t1 | SAM.HG7.10:NA | NA |
Morvir_scaffold63.g45.t1 | SAM.HG7.10:NA | NA |
Clyhem_TCONS_00018963-protein | SAM.HG7.10:NA | NA |
Hydvul_Sc4wPfr_412.g24356.t1 | SAM.HG7.10:NA | NA |
Spis_XP_022779514_1 | SAM.HG7.10:NA | NA |
Adig_XP_015751366.1 | SAM.HG7.10:NA | NA |
Adig_XP_015778231.1 | SAM.HG7.10:NA | NA |
Adig_XP_015751365.1 | SAM.HG7.10:NA | NA |
Adig_XP_015778229.1 | SAM.HG7.10:NA | NA |
Exapal_XP_020894957.1 | SAM.HG7.10:NA | NA |
Nvec_NVE14347 | SAM.HG7.10:NA | NA |
Exapal_XP_020894959.1 | SAM.HG7.10:NA | NA |
Nvec_NVE14348 | SAM.HG7.10:NA | NA |
Exapal_XP_020900047.1 | SAM.HG7.10:NA | NA |
Exapal_XP_020900044.1 | SAM.HG7.10:NA | NA |
Tetwil_Twilhelma_g21495.t1 | SAM.HG7.10:NA | NA |
Spis_XP_022779513_1 | SAM.HG7.10:NA | NA |
Adig_XP_015761503.1 | SAM.HG7.10:NA | NA |
0.416667